

IBM SPSS Advanced Statistics 31

IBM

注

本書および本書で紹介する製品をご使用になる前に、[127 ページの『特記事項』](#)に記載されている情報をお読みください。

製品情報

この版は、31 のバージョン IBM® SPSS® 統計 のリリース 0、修正 0、および新しい版で特に指示がない限り、それ以降のすべてのリリースと修正に適用されます。

© Copyright International Business Machines Corporation .

目次

第 1 章高度な統計.....	1
Advanced Statistics の概要.....	1
GLM 多変量分析.....	1
GLM 多変量のモデル.....	2
GLM 多変量の対比.....	3
GLM 多変量のプロファイル・プロット.....	4
GLM 多変量におけるその後の比較.....	4
GLM 推定周辺平均.....	5
GLM の保存.....	6
GLM 多変量のオプション.....	7
GLM コマンドの追加機能.....	8
GLM 反復測定.....	8
GLM 反復測定の因子の定義.....	10
GLM 反復測定のモデル.....	11
GLM 反復測定の対比.....	12
GLM 反復測定のプロファイル・プロット.....	12
GLM 反復測定におけるその後の比較.....	13
GLM 推定周辺平均.....	14
GLM 反復測定の保存.....	14
GLM 反復測定のオプション.....	15
GLM コマンドの追加機能.....	16
分散成分分析.....	16
分散成分のモデル.....	17
分散成分のオプション.....	18
分散成分の新規ファイルへの保存.....	19
VARCOMP コマンドの追加機能.....	19
線型混合モデル.....	19
線型混合モデル: 被験者および反復測定.....	20
線型混合モデルの固定効果.....	21
線型混合モデルのランダム効果.....	23
線型混合モデルの推定.....	23
線型混合モデルの統計.....	24
線型混合モデルの EM 平均.....	25
線型混合モデルの保存.....	25
線型混合モデル-エクスポート.....	25
MIXED コマンドの追加機能.....	26
一般化線型モデル.....	26
一般化線型モデルにおける応答.....	28
一般化線型モデルにおける予測.....	29
一般化線型モデルにおけるモデル.....	29
一般化線型モデルにおける推定.....	30
一般化線型モデルにおける統計.....	31
一般化線型モデルにおける EM 平均.....	32
一般化線型モデルにおける保存.....	33
一般化線型モデルにおけるエクスポート.....	34
GENLIN コマンドの追加機能.....	35
一般化推定方程式.....	35
一般化推定方程式におけるモデルの種類.....	36
一般化推定方程式における応答.....	38
一般化推定方程式における予測.....	39
一般化推定方程式におけるモデル.....	39

一般化推定方程式における推定.....	40
一般化推定方程式における統計.....	41
一般化推定方程式における EM 平均.....	42
一般化推定方程式における保存.....	43
一般化推定方程式におけるエクスポート.....	44
GENLIN コマンドの追加機能.....	44
一般化線型混合モデル.....	45
一般化線型混合モデルの取得.....	46
対象.....	47
固定効果.....	48
ランダム効果.....	50
重み付けとオフセット.....	51
一般的な作成オプション.....	51
推定.....	52
推定平均.....	52
保存.....	53
エクスポート.....	53
モデル・ビュー.....	54
対数線型分析のモデル選択.....	57
対数線型分析の範囲の定義.....	58
対数線型分析のモデル.....	58
モデル選択対数線型分析のオプション.....	58
HILOGLINEAR コマンドの追加機能.....	59
一般対数線型分析.....	59
一般対数線型分析のモデル.....	60
一般対数線型分析のオプション.....	60
一般対数線型分析の保存.....	61
GENLOG コマンドの追加機能.....	61
ロジット対数線型分析.....	61
ロジット対数線型分析のモデル.....	62
ロジット対数線型分析のオプション.....	63
ロジット対数線型分析の保存.....	63
GENLOG コマンドの追加機能.....	64
生命表.....	64
生命表の範囲の定義.....	65
生命表のオプション.....	65
SURVIVAL コマンドの追加機能.....	65
Parametric Accelerated Failure 時間モデル.....	65
Parametric Accelerated Failure Time Models: 基準.....	66
Parametric Accelerated Failure Time Models: モデル.....	67
Parametric Accelerated Failure Time Models: 推定値.....	67
Parametric Accelerated Failure Time Models: 印刷.....	69
Parametric Accelerated Failure Time Models: 予測.....	69
Parametric Accelerated Failure Time Models: Plot (パラメトリック高速障害時間モデル: プロット).....	70
Parametric Accelerated Failure Time Models: エクスポート.....	71
Survival AFT 状況変数のイベントの定義.....	71
パラメトリック加速障害時間モデル: カテゴリーの選択.....	71
パラメトリック共有フレイルティール・モデル.....	72
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: 基準.....	73
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: モデル.....	73
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: 推定.....	74
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: 印刷.....	76
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: 予測.....	76
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: プロット.....	77
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: エクスポート.....	78
パラメトリック共有フレイルティール・モデル: イベントの定義.....	78
パラメトリック共有フレイルティール・モデル-例.....	79

パラメトリック共有フレイルティ・モデル-反復データのケース・スタディー.....	80
Kaplan-Meier 生存分析.....	82
Kaplan-Meier の状態変数のイベントの定義.....	83
Kaplan-Meier の因子レベルの比較.....	83
Kaplan-Meier の新規変数の保存.....	83
Kaplan-Meier のオプション.....	83
KM コマンドの追加機能.....	84
Cox 回帰分析.....	84
Cox 回帰におけるカテゴリー変数の定義.....	85
Cox 回帰のプロット.....	85
Cox 回帰における新規変数の保存.....	86
Cox 回帰のオプション.....	86
Cox 回帰における状態変数のイベントの定義.....	87
COXREG コマンドの追加機能.....	87
時間依存の共変量の計算.....	87
時間依存の共変量の計算.....	87
カテゴリー変数のコード化方式.....	88
偏差.....	88
単純.....	88
Helmert.....	89
差分.....	89
多項式.....	89
反復.....	90
特殊.....	90
指標.....	91
共分散構造.....	91
ベイズ統計.....	95
ベイズの 1 サンプル推論: 正規.....	96
ベイズの 1 サンプル推論: 2 項.....	99
ベイズの 1 サンプル推論: Poisson.....	101
ベイズの対応サンプル推論: 正規.....	103
ベイズ独立サンプル推論.....	104
Pearson の相関についてのベイズ推論.....	108
線型回帰モデルについてのベイズ推論.....	110
ベイズ一元配置分散分析.....	115
ベイズ対数線型モデル.....	117
ベイズ一元配置反復測定分散分析モデル.....	121
カーネル Ridge 回帰.....	122
カーネル パラメータ.....	124
カーネル Ridge 回帰: オプション.....	124
特記事項.....	127
商標.....	128
索引.....	131

第1章 高度な統計

以下の高度な統計機能が、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションに含まれています。

Advanced Statistics の概要

Advanced Statistics オプションには、Statistics Base オプションで使用できるものよりも高度なモデリング・オプションを提供するプロシージャが含まれています。

- GLM 多変量は、GLM 1 変量で提供される一般線型モデルを拡張し、複数の従属変数を使用できるようにしたものです。機能が拡張された GLM 反復測定では、複数の従属変数の反復測定が可能です。
- 分散成分分析とは、従属変数の変動を固定成分とランダム成分に分解する特定のツールです。
- 線型混合モデルは、相関および非定常変動が見られるデータも扱えるように、一般線型モデルを拡張したものです。したがって、線型混合モデルにはデータの平均値だけでなく、分散および共分散をモデリングできる柔軟性が備わっています。
- 一般化線型モデル (GZLM) では、誤差項に関する正規性の仮定が緩和されています。このモデルで必要とされるのは、従属変数と予測値が変換またはリンク関数を介して線型関係にあることのみです。一般化推定方程式 (GEE) を使用すると、GZLM が拡張され、反復測定が可能になります。
- 一般対数線型分析ではクロス分類された度数データにモデルを適合させることができ、モデル選択対数線型分析はモデルを選択する場合に役立ちます。
- ロジット対数線型分析では対数線型モデルを適合させて、1 つのカテゴリ-従属と 1 つ以上のカテゴリ-予測との関係を分析することができます。
- 生存分析は生命表から使用できます。これは、場合によっては因子変数のレベルごとにイベントまでの時間変数の分布を調べるためのものです。Kaplan-Meier 生存分析では、場合によっては因子変数のレベルごとにイベントまでの時間変数の分布を調べたり、層化変数のレベルごとに別の分析を生成します。また、Cox 回帰分析では、指定されたイベントまでの時間を、特定の共変量の値に基づいてモデリングします。

GLM 多変量分析

「GLM 多変量」プロシージャでは、1 つ以上の因子変数または共変量を使用して、複数の従属変数の回帰分析と分散分析を行います。因子変数により、母集団がいくつかのグループに分割されます。この一般線型モデル・プロシージャを使用することで、従属変数の結合分布のさまざまなグループ平均に対する因子変数の効果について、帰無仮説を検定できます。因子間の交互作用と個々の因子の効果を調べることができます。さらに、共変量の効果や共変量と因子の交互作用を含めることができます。回帰分析では、独立 (予測) 変数が共変量として指定されます。

釣り合い型モデルと不釣り合い型モデルの両方を検定することができます。モデル内の各セルに含まれているケース数が等しい場合、その計画は釣り合っています。多変量モデルの場合は、モデルの効果による平方和と誤差平方和が、1 変量の分散分析に見られるスカラー形式ではなく、行列形式になります。この行列は SSCP (平方和と交差積) 行列と呼ばれます。複数の従属変数を指定すると、各従属変数についての 1 変量の分散分析だけでなく、Pillai のトレース、Wilks のラムダ、Hotelling のトレース、Roy の最大根基準を近似 F 統計量と併用して、多変量分散分析を行うことができます。「GLM 多変量」では、仮説の検定の他に、パラメーターの推定も行います。

仮説を検定する際は、一般的に使用されている事前 対比を使用できます。さらに、全体的な F 検定で有意確率が判明していれば、その後の検定を使用して、特定の平均値間の差分を評価することができます。推定周辺平均からはモデル内のセルの予測平均値を推定でき、これらの平均値のプロファイル・プロット (交互作用プロット) を使用して一部の関係を簡単に視覚化できます。その後の多重比較検定は従属変数ごとに個別に行われます。

残差、予測値、Cook の距離、てこ比の値は、データ・ファイルに新規変数として保存し、仮定の確認に使用できます。また、残差の平方和と交差積の正行列である残差 SSCP 行列、残差 SSCP 行列を残差の自

自由度で割った残差の分散共分散行列、および残差の分散共分散行列を標準化した形式である残差の相関行列も使用できます。

「WLS 重み」を使用すると、重み付き最小二乗法 (WLS) 分析の場合、観測値に異なる重みを与えるために使用する変数を指定し、それにより異なる測定精度を補正できる可能性があります。

例。 プラスチック製造業者は、プラスチック・フィルムの引き裂き抵抗、光沢、および不透明度という3つのプロパティを測定します。2つの比率の押し出しと、量が異なる2つの添加物を試し、押し出し率と添加物の量の各組み合わせについて、3つのプロパティを測定します。ここで製造業者がわかったことは、押し出し率と添加物の量を使用して得られる結果が個々には有意だが、2つの因子の交互作用は有意ではないということです。

:NONE. 異なる仮説を評価する場合は、タイプ I、タイプ II、タイプ III、およびタイプ IV 平方和を使用できます。タイプ III がデフォルトです。

統計。 その後の範囲検定と多重比較: 最小有意差、Bonferroni、Sidak、Scheff、Ryan-Einot-Gabriel-Welsch の多重 F、Ryan-Einot-Gabriel-Welsch の多重範囲、Student-Newman-Keuls、Tukey の HSD 検定、Tukey の b、Duncan、Hochberg の GT2、Gabriel、Waller Duncan の t 検定、Dunnett (片側と両側)、Tamhane の T2、Dunnett の T3、Games-Howell、および Dunnett の C。記述統計: すべてのセルにおけるすべての従属変数の観測平均値、標準偏差、および度数、Levene の同質性検定、従属変数の共分散行列の同質性に関する Box の M 検定、および Bartlett の球面性検定。

プロット レベルと広がり、残差、およびプロファイル (交互作用)。

GLM 多変量データの考慮事項

データ。 従属変数は量的である必要があります。因子はカテゴリー型で、数値または文字列値を持つことができます。共変量は、従属変数に関連する量的な変数です。

前提条件 従属変数の場合、データは多変量正規母集団からのベクトルのランダム・サンプルです。母集団では、すべてのセルの分散共分散行列は同じです。分散分析は正規性からの逸脱に対して頑健ですが、データは対称でなければなりません。仮定の確認には、同質性の検定 (Box の M を含む) およびレベルと広がり、の図を使用できます。また、残差と残差プロットを調べることもできます。

関連手続き 分散分析を行う前にデータを調べる場合は、「探索」プロシージャを使用します。単一の従属変数の場合は、「GLM 1 変量」を使用します。各被験者に対して同じ従属変数を何度か測定した場合は、「GLM 反復測定」を使用します。

GLM 多変量の表の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「一般線型モデル」 > 「多変量...

2. 少なくとも2つの従属変数を選択してください。

オプションとして、「固定因子」、「共変量」、および「WLS 重み」を指定することができます。

GLM 多変量のモデル

「モデルの指定」。 すべての因子によるモデルには、すべての因子の主効果、すべての共変量的主効果、すべての因子間の交互作用が含まれます。共変量の交互作用は含まれません。交互作用のサブセットのみを指定する場合や、因子と共変量の交互作用を指定する場合は、「カスタム」を選択します。モデルに含めるすべての項を指定する必要があります。

要因と共変量。 因子と共変量がリストされます。

モデル: モデルは、使用するデータの性質によって異なります。「ユーザーの指定」を選択すると、分析対象の主効果と交互作用を選択できるようになります。

平方和。 平方和の計算方法。欠損セルがない釣り合い型モデルや不釣り合い型モデルの場合は、タイプ III の平方和の方法が最もよく使用されます。

モデルに切片を含める: 通常、切片はモデルに含まれます。データが原点を通ると想定できる場合は、切片を除外してもかまいません。

項目およびカスタム項目の構築

項目の構築

因子と共変量の選択したセットのすべて組み合わせについて特定のタイプ(主効果など)のネストなし項を含めるときは、この選択項目を使用します。

カスタム項目の構築

入れ子項目を含めるとき、または変数別に明示的に項を構築するとき、この選択項目を使用します。入れ子項目の構築には、次の手順が含まれます。

平方和

モデルに対して、平方和のタイプを選択することができます。最も一般的に使用されるのはタイプ III です。これがデフォルトです。

タイプ I: この方法は、平方和の階層的分解法とも呼ばれます。各項目は、モデル内で先行する項目に対してのみ調整されます。タイプ I の平方和は、一般に以下のモデルに対して使用されます。

- 1 次の交互作用効果の前に主効果が指定され、2 次の交互作用効果の前に 1 次の交互作用効果が指定されている(これ以降も同様)、分散分析の釣り合い型モデル。
- 高次の項目の前に低次の項目が指定されている多項式回帰モデル。
- 最初に指定された効果が 2 番目に指定された効果内でネストされ、2 番目に指定された効果が 3 番目に指定された効果内にネストされている(これ以降も同様)、純粋にネストされているモデル(この形式のネストを指定するには、シンタックスを使用する必要があります)。

タイプ II. この方法では、他のすべての該当する効果に対して調整されたモデルの効果の平方和が計算されます。該当する効果とは、調査対象の効果を含んでいないすべての効果に対応する効果のことです。タイプ II の平方和の方法は、通常、以下のモデルに対して使用します。

- 分散分析の釣り合い型モデル。
- 因子の主効果だけを持つモデル。
- 回帰モデル。
- 純粋にネストされている計画(この形式のネストを指定するには、シンタックスを使用する必要があります)。

タイプ III. これがデフォルトの方法です。この方法では、計画内の効果の平方和を、その効果を含まない他の効果に対して調整されており、その効果を含む効果(存在する場合)に直交している平方和として計算します。タイプ III の平方和には、通常、推定形式が一定の状態に保たれている限り、セル度数が不変であるという大きな利点があります。そのため、このタイプの平方和は、多くの場合、欠損セルがない不釣り合い型モデルに利用できます。欠損セルのない因子計画でこの方法に相当するのが、Yates の平均値の重み付き 2 乗法です。タイプ III の平方和の方法は、一般に次のような場合に使用します。

- タイプ I とタイプ II に記載されているモデル。
- 空白セルのない釣り合い型モデルまたは不釣り合い型モデル。

タイプ IV. この方法は、欠損セルが存在する場合を目的とした方法です。計画内の効果 F に対して、 F が他のどの効果にも含まれていない場合、タイプ IV = タイプ III = タイプ II となります。 F が他の効果に含まれている場合、タイプ IV は、 F のパラメーター間で行われている対比を、より高いレベルのすべての効果に等しく分配します。タイプ IV の平方和の方法は、通常、以下のモデルに対して使用します。

- タイプ I とタイプ II に記載されているモデル。
- 空白セルがある釣り合い型モデルまたは不釣り合い型モデル。

GLM 多変量の対比

対比は、効果レベルが互いに有意差があるかどうかを検定する場合に使用します。対比はモデルの因子ごとに指定できます。対比は、パラメーターの線型結合を表します。

仮説検定は $\mathbf{LBM} = \mathbf{0}$ という帰無仮説に基づきます。ここで、 \mathbf{L} は対比係数行列であり、 \mathbf{M} は単位行列(従属変数の数と同じディメンションを持つ)、 \mathbf{B} はパラメーターのベクトルです。対比が指定されている場合

は、因子に対応する列が対比と一致にするように **L** 行列が作成されます。残りの列が調整されて、**L** 行列が推定可能な状態になります。

F 統計量および Bonferroni タイプの同時信頼区間 (すべての従属変数に関する対比の差異についての学生 *t* 分布に基づく) を使用する 1 変量検定に加え、Pillai のトレース、Wilks のラムダ、Hotelling のトレース、Roy の最大根基準を使用する多変量検定を行うことができます。

使用できる対比には、偏差、単純、差分、Helmert、反復測定、多項式があります。偏差対比と単純対比については、参照カテゴリーを最後のカテゴリーにするか最初のカテゴリーにするかを選択できます。

対比の種類

「**偏差**」。各レベルの平均値 (参照カテゴリーを除く) を、すべてのレベルの平均値 (全平均) と比較します。因子のレベルは、任意の順序にすることができます。

「**単純**」。各レベルの平均値を、指定されたレベルの平均値と比較します。このタイプの対比は、制御グループが存在する場合に便利です。最初のカテゴリーまたは最後のカテゴリーを参照として選択することができます。

差分。各レベルの平均値 (最初のレベルは除く) を、前のレベルの平均値と比較します (逆 Helmert 対比と呼ばれる場合があります)。

「**Helmert**」。因子の各レベルの平均値 (最後のレベルは除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。

繰り返される。各レベルの平均値 (最後のレベルは除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。

「**多項式**」。1 次効果、2 次効果、3 次効果... を比較します。最初の自由度はすべてのカテゴリーにわたる 1 次効果を含み、2 番目の自由度は 2 次効果を含みます (以下同様)。こうした対比は、多項式のトレンドを推定する場合によく使用されます。

GLM 多変量のプロファイル・プロット

プロファイル・プロット (交互作用プロット) は、モデル内の周辺平均を比較する場合に役立ちます。プロファイル・プロットは、1 つの点が、因子の 1 つの水準における従属変数 (共変量を対象に調整) の推定周辺平均を示す線のプロットです。第 2 因子の水準を使用して、個別の線を作成することができます。第 3 因子の各水準を使用して、個別のプロットを作成することができます。すべての因子をプロットで使用することができます。プロファイル・プロットは従属変数ごとに作成されます。

1 つの因子のプロファイル・プロットでは、推定周辺平均が水準全体で増えているか減っているかが示されます。因子が複数ある場合、平行線は因子間で交互作用がないことを示しています。その場合、1 つの因子に限ってその水準を調べることができます。平行ではない線は、因子間で交互作用があることを示しています。

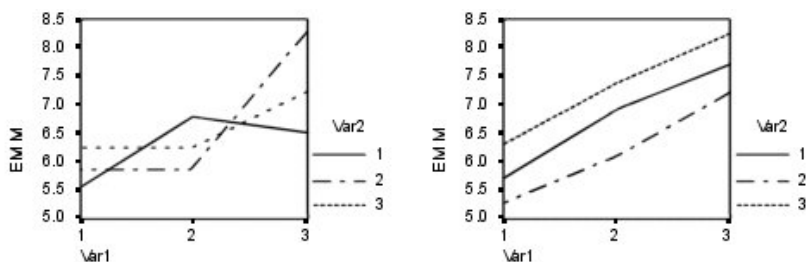


図 1. 平行ではないプロット (左) と平行プロット (右)

横軸の因子を選択し、必要に応じて個別の線の因子と個別のプロットの因子を選択することによってプロットを指定したら、そのプロットを「作図」リストに追加する必要があります。

GLM 多変量におけるその後の比較

ポストホック多重比較検定。平均値の間に差があることが判明したら、その後の範囲検定とペアごとの多重比較により、どの平均値が異なっているのかを判断することができます。比較は、調整されていない値に基づいて行われます。その後の検定は、従属変数ごとに個別に実行されます。

多重比較検定では、通常、Bonferroni 検定と Tukey の HSD 検定が使用されます。**Bonferroni の検定**は、スチューデントの t 検定統計量に基づいて、多重比較が行われるという事実に対して有意水準を調整します。**Sidak の t 検定**でも有意水準が調整され、Bonferroni 検定よりも厳しく制限されます。**Tukey の HSD 検定**は、スチューデント化された範囲統計量を使用して、すべてのペアごとの比較をグループ間で行い、実験ごとの誤差率をすべてのペアごとの比較の集合の誤差率に設定します。多数の平均値のペアを検定する場合は、Tukey の HSD 検定の方が Bonferroni 検定よりも有効です。少数のペアの場合は Bonferroni の方が有効です。

Hochberg の GT2 は Tukey の HSD 検定と類似していますが、スチューデント化された最大法が使用されます。一般的には、Tukey の検定の方が有効です。**Gabriel のペアごとの比較検定**も、スチューデント化された最大法を使用しますが、通常、セルのサイズが均等でない場合は、Hochberg の GT2 よりも有効です。セルのサイズのばらつきが大きい場合には、Gabriel の検定の方が公平になることがあります。

Dunnnett のペアごとの多重比較 t 検定は、処理のセットを 1 つの対照平均値と比較します。最後のカテゴリは、デフォルトの対照カテゴリです。代わりに、最初のカテゴリを選択することもできます。両側の検定を選択することも、片側の検定を選択することもできます。因子の任意のレベル (対照カテゴリを除く) の平均値が対照カテゴリの平均値と等しくないことを検定するには、両側の検定を使用します。因子の任意のレベルの平均値が対照カテゴリの平均値よりも小さいかどうかを検定するには、「**< 対照カテゴリ**」を選択します。同様に、因子の任意のレベルの平均値が対照カテゴリの平均値よりも大きいかどうかを検定するには、「**> 対照カテゴリ**」を選択します。

Ryan, Einot, Gabriel, Welsch (R-E-G-W) は、2 種類のステップダウン多重範囲検定を開発しました。ステップダウン多重手続きは、最初に、すべての平均値が等しいかどうかを検定します。すべての平均値が等しいわけではない場合は、平均値のサブセットが等しいかどうかを検定します。**R-E-G-W の F 値**は F 検定に基づき、**R-E-G-W の Q 値**はスチューデント化された範囲に基づきます。この検定は、Duncan の多重範囲検定や Student-Newman-Keuls の検定 (これもステップダウン多重手続きです) よりも有効ですが、セルのサイズが等しくない場合はお勧めできません。

分散が等しくない場合は、**Tamhane の T2** (t 検定に基づくペアごとの控えめな比較)、**Dunnnett の T3** (スチューデント化された最大偏差に基づくペアごとの比較検定)、**Games-Howell のペアごとの比較検定** (公平な場合もある)、または **Dunnnett の C** (スチューデント化された範囲に基づくペアごとの比較検定) を使用してください。

Duncan の多重範囲検定、Student-Newman-Keuls (**S-N-K**) の検定、**Tukey の b** 検定は、グループ平均を順位付け、範囲の値を計算する範囲検定です。これらの検定は、先に述べた検定ほど頻繁には使用されません。

Waller-Duncan の t 検定は、Bayesian のアプローチを使用しています。この範囲検定は、サンプル・サイズが等しくない場合にサンプル・サイズの調和平均を使用します。

Scheffé の検定の有意水準は、この機能で使用できるペアごとの比較だけでなく、グループ平均で考えられるすべての線型結合を検定できるように設計されています。結果的に、Scheffé の検定は他の検定よりも控えめになってしまうことが多いため、有意確率を求める場合は、平均値間の差が大きくなければなりません。

最小有意差 (**LSD**) のペアごとの多重比較検定は、グループのすべてのペア間の多重 t 検定に相当します。この検定の欠点は、観測された有意レベルを多重比較用に調整する試みが行われないことです。

表示されるテスト ペアごとの比較は、LSD、Sidak、Bonferroni、Games-Howell、Tamhane の T2 と T3、Dunnnett の C、Dunnnett の T3 で使用することができます。範囲検定の等質サブグループは、S-N-K、Tukey の b 、Duncan、R-E-G-W の F 、R-E-G-W の Q 、Waller で使用することができます。Tukey の HSD 検定、Hochberg の GT2、Gabriel の検定、Scheffé の検定は、多重比較検定でもあり、範囲検定でもあります。

GLM 推定周辺平均

セルでの母集団周辺平均の推定値が必要な因子と交互作用を選択します。共変量が存在する場合、これらの平均値は、共変量に対して調整されます。

主効果の比較

被験者間因子と被験者内因子の両方について、モデル内の主効果に対する推定周辺平均値間で、ペアごとに無修正の比較を行います。この項目を使用できるのは、「平均値の表示」リストで主効果を選択した場合だけです。

単純な主効果の比較

この設定は、ターゲット・リストに1つ以上の積効果または交互作用（たとえば、 $A*B$ 、 $A*B*C$ ）が含まれる場合は常に有効になります。この設定は、他の要因の水準内に入れ子になっている主効果である単純主効果間の比較の指定をサポートします。

信頼区間の調整

信頼区間と有意性に対して、最小有意差 (LSD) 調整、Bonferroni 調整、または Sidak 調整を選択します。この項目を使用できるのは、「主効果の比較」、「単純な主効果の比較」、またはそれら両方を選択した場合のみです。

推定周辺平均の指定

1. メニューから、> 「分析」 > 「一般線型モデル」の下のいずれか1つの手順を選択します。
2. メインダイアログで、「EM 平均」をクリックします。

GLM の保存

残差、関連測定値、モデルが予測した値は、データ・エディターで新しい変数として保存することができます。これらの変数の多くは、データに関する前提を調べるために使用することができます。値を保存して別の IBM SPSS 統計セッションで使用するには、現在のデータ・ファイルを保存する必要があります。

予測値 モデルがケースごとに予測する値。

- 非標準化されました。モデルが予測する従属変数の値。
- 重み付けされました。重み付けのある標準化されていない予測値。既に WLS 変数を選択している場合に限り使用することができます。
- 標準エラー。独立変数の値が同じケースを対象とした、従属変数の平均値の標準偏差の推定値。

診断。独立変数の例外的な値の組み合わせを持つケースと、モデルに大きな影響を与える可能性があるケースを特定するための測定方法。

- クックの距離。特定のケースが回帰係数の計算から除外された場合に、すべてのケースの残差がどのくらい変化するかを示す指標。Cook の D が大きいときは、回帰統計量の計算からケースを除外すると係数が大きく変化することを示します。
- てこ比の値。中心化されていないてこ比の値 モデルの適合度に対する各観測値の相対的な影響度。

「残差」。標準化されていない残差は、従属変数の実際の値から、モデルが予測した値を引いたものです。標準化された残差、スチューデント化された残差、削除された残差も使用することができます。WLS 変数を選択した場合は、重み付けされた標準化されていない残差を使用することができます。

- 非標準化されました。観測した値と、モデルによって予測された値との差。
- 重み付けされました。重み付けのある標準化されていない残差。既に WLS 変数を選択している場合に限り使用することができます。
- 標準化されました。残差を標準偏差の推定値で割った値。標準化残差は Pearson 残差とも呼びます。平均値は0であり、標準偏差は1です。
- スチューデント化されました。残差を、独立変数の各ケースの値と独立変数の平均値との距離に応じて、ケースごとに異なる標準偏差の推定値で割った値。内部的にスチューデント化された残差と呼ばれることもあります。
- 削除されました。ケースが回帰係数の計算から除外されている場合のそのケースの残差。従属変数の値と調整済み予測値の差です。

係数統計。モデル内のパラメータ推定値の分散共分散行列を、現在のセッションの新しいデータ・セット、または IBM SPSS 統計の外部データ・ファイルに書き込みます。また、それぞれの従属変数に対して、パラメータ推定値の行、パラメータ推定値の標準誤差の行、パラメータ推定値に対応する t 統計量の有意確率値の行、および残差自由度の行が作成されます。多変量モデルの場合は、従属変数ごとに同様の行が存在します。不均一分散一致統計量を選択 (1 変量モデルにのみ選択可能) すると、分散共分散行列は頑健推定量を使用して計算され、標準誤差の行に頑健な標準誤差が表示され、有意確率値は頑健な誤差を反映します。行列ファイルを読み込む別の手続きで、この行列ファイルを使用することができます。

GLM 多変量のオプション

このダイアログ・ボックスで、オプションの統計を選択することができます。統計量は、固定効果モデルを使用して計算されます。

表示。。「記述統計」を選択すると、すべてのセルにおけるすべての従属変数の観測平均値、標準偏差、および度数が生成されます。「効果サイズの推定値」では、各効果および各パラメータ推定値の偏イータ 2 乗値が示されます。イータの 2 乗統計量は、因子に起因する総変動の比率を記述します。観測値に基づいて対立仮説を設定する際に検定力を取得するには、「観測検定力」を選択します。「パラメータ推定値」を選択して、各テストのパラメータ推定値、標準誤差、*t*テスト、信頼区間、および観測された電力を生成します。仮説、誤差「SSCP 行列」、「残差 SSCP 行列」に加え、残差分散共分散行列の Bartlett の球面性検定を表示することができます。

「同質性の検定」を選択すると、被験者間因子の場合のみ、被験者間因子のすべての水準の組み合わせにわたる各従属変数の分散の同質性分析に関する Levene の検定が生成されます。この同質性の検定には、被験者間因子のすべてのレベルの組み合わせにおける従属変数の共分散行列の同質性に関する Box の *M* 検定も含まれます。水準と広がり の図と残差プロットのオプションは、データに関する仮定を確認する場合に役立ちます。この項目は、因子が存在しない場合は無効になります。各従属変数について、標準化された残差による予測値で観測された値のプロットを作成するには、「残差プロット」を選択します。こうしたプロットは、分散が等しいという仮定を調査する場合に役立ちます。従属変数と独立変数との関係がモデルで適切に記述できるかどうかを確認するには、「不適合度検定」を選択します。「一般の推定可能関数」を使用すると、一般推定可能関数に基づくカスタム仮説検定を構成することができます。任意の対比係数行列における行は、一般推定可能関数の線型結合です。

表示

記述統計

すべてのセルにおけるすべての従属変数の観測平均値、標準偏差、度数。

効果サイズの推定値

各効果および各パラメータ推定値の偏イータ 2 乗値が示されます。イータの 2 乗統計量は、因子に起因する総変動の比率を記述します。

観測検定力

観測値に基づいて対立仮説を設定する際に検定力を取得します。

パラメータ推定値

各検定のパラメータ推定値、標準誤差、*t*検定、信頼区間、および観測検定力を表示します。

SSCP 行列

仮説 SSCP 行列と誤差 SSCP 行列を表示します。

残差 SSCP 行列

仮説残差 SSCP 行列と誤差残差 SSCP 行列を表示します。

変換行列

残差共分散行列の Bartlett の球面性の検定を表示します。

同質性の検定

被験者間因子の場合のみ、被験者間因子のすべての水準の組み合わせによる各従属変数の分散の同質性分析について、Levene の検定が生成されます。この同質性の検定には、被験者間因子のすべてのレベルの組み合わせにおける従属変数の共分散行列の同質性に関する Box の *M* 検定も含まれます。

水準と広がり の図

分散が等しいという仮定を調査する場合に、データに関する仮定の確認に役立ちます。この項目は、因子が存在しない場合は無効になります。

残差プロット

各従属変数について、標準化された残差による予測値で観測された値のプロットを作成します。このプロットは、分散が等しいという仮定を調査する場合に役立ちます。

不適合度

モデルによって従属変数と独立変数との関係を正確に記述できるかどうかを確認します。

一般の推定可能関数

一般推定可能関数に基づくカスタム仮説検定を構成することができます。任意の対比係数行列における行は、一般推定可能関数の線型結合です。

有意水準

その後の検定で使用される有意水準と、信頼区間を構成するために使用される信頼係数を調整できます。指定した値は、検定の観測検定力の計算にも使用されます。有意レベルの指定時に、信頼区間の関連レベルがダイアログに表示されます。

GLM コマンドの追加機能

これらの機能は、1 変量、多変量、反復測定分析に適用できます。コマンド シNTAX 言語を使用して、次のことも実行できます。

- 計画に入れ子効果を指定する (DESIGN サブコマンドを使用)。
- 効果の検定に対する効果 (または値) の線型組み合わせを指定する (TEST サブコマンドを使用)。
- 多重対比を指定する (CONTRAST サブコマンドを使用)。
- ユーザー欠損値を含める (MISSING サブコマンドを使用)。
- EPS 基準を指定する (CRITERIA サブコマンドを使用)。
- カスタムの **L** 行列、**M** 行列、または **K** 行列の作成 (LMATRIX、MMATRIX、KMATRIX サブコマンドを使用)。
- 偏差対比と単純対比について、中間参照カテゴリーを指定する (CONTRAST サブコマンドを使用)。
- 多項式対比の計量を指定する (CONTRAST サブコマンドを使用)。
- その後の比較の誤差項を指定する (POSTHOC サブコマンドを使用)。
- 任意の因子について、または因子リスト内の因子間の交互作用について、推定周辺平均値を計算する (EMMEANS サブコマンドを使用)。
- 一時変数の名前を指定する (SAVE サブコマンドを使用)。
- 相関行列のデータ・ファイルを作成する (OUTFILE サブコマンドを使用)。
- 被験者間因子の分散分析表の統計量を格納する行列データ・ファイルを作成する (OUTFILE サブコマンドを使用)。
- 計画行列を新しいデータ・ファイルに保存する (OUTFILE サブコマンドを使用)。

Syntax の詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

GLM 反復測定

「GLM 反復測定」プロシージャでは、各被験者またはケースに対して同じ測定を数回行う場合に分散分析を行います。被験者間因子を指定すると、母集団がいくつかのグループに分けられます。この一般線型モデル・プロシージャを使用して、被験者間因子と被験者内因子の両方の効果について、帰無仮説を検定できます。因子間の交互作用と個々の因子の効果を調べることができます。さらに、定数共変量の効果と被験者間因子と共変量の交互作用を含めることができます。

2 重多変量の反復測定計画の場合、従属変数は、被験者内因子のさまざまなレベルに対する複数の変数測定を表します。例えば、被験者ごとに 3 つの異なる時間に脈と呼吸の両方を測定できます。

「GLM 反復測定」プロシージャでは、反復測定データに対する 1 変量と多変量の両方の分析を行います。釣り合い型モデルと不釣り合い型モデルの両方を検定することができます。モデル内の各セルに含まれているケース数が等しい場合、その計画は釣り合っています。多変量モデルの場合は、モデルの効果による平方和と誤差平方和が、1 変量の分散分析に見られるスカラー形式ではなく、行列形式になります。この行列は SSCP (平方和と交差積) 行列と呼ばれます。「GLM 反復測定」では、仮説の検定の他に、パラメータの推定も行います。

被験者間因子の仮説検定には、一般的に使用されている事前対比を使用できます。さらに、全体的な *F* 検定で有意確率が判明していれば、その後の検定を使用して、特定の平均値間の差分を評価することができます。

ます。推定周辺平均からはモデル内のセルの予測平均値を推定でき、これらの平均値のプロファイル・プロット(交互作用プロット)を使用して一部の関係を簡単に視覚化できます。

残差、予測値、Cook の距離、てこ比の値は、データ・ファイルに新規変数として保存し、仮定の確認に使用できます。また、残差の平方和と交差積の正方向列である残差 SSCP 行列、残差 SSCP 行列を残差の自由度で割った残差の分散共分散行列、および残差の分散共分散行列を標準化した形式である残差の相関行列も使用できます。

「WLS 重み」を使用すると、重み付き最小二乗法 (WLS) 分析の場合、観測値に異なる重みを与えるために使用する変数を指定し、それにより異なる測定精度を補正できる可能性があります。

例。 12 人の生徒が不安度検定でのスコアに基づいて、高い不安度グループまたは低い不安度グループに割り当てられます。不安度は、被験者をグループ分けすることから、「被験者間因子」と呼ばれます。生徒にはそれぞれ学習課題に関する 4 つの試行が与えられ、各試行ごとのエラーの数が記録されます。各試行のエラーは別々の変数に記録され、被験者内因子 (試行) は 4 つの試行に対して 4 つのレベルで定義されます。試行の効果は有意であることがわかりますが、不安度別試行の交互作用は有意ではありません。

:NONE. 異なる仮説を評価する場合は、タイプ I、タイプ II、タイプ III、およびタイプ IV 平方和を使用できます。タイプ III がデフォルトです。

統計。 事後範囲検定と多重比較 (被験者間要因の場合) : 最小有意差、Bonferroni、Sidak、Scheffé、Ryan-Einot-Gabriel-Welsch 多重 F、Ryan-Einot-Gabriel-Welsch 多重範囲、Student-Newman-Keuls、Tukey の正直な有意差、Tukey の b、Duncan、Hochberg の GT2、Gabriel、Waller Duncan t 検定、Dunnett (片側および両側)、Tamhane の T2、Dunnett の T3、Games-Howell、および Dunnett の C。記述統計量 : すべてのセル内のすべての従属変数の観測平均、標準偏差、および度数 (等質性に関する Levene 検定、ボックスの M 検定および Mauchly の球面性の検定)。

プロット レベルと広がり、残差、およびプロファイル (交互作用)。

GLM 反復測定データの考慮事項

データ。 従属変数は量的である必要があります。被験者間因子では、男性と女性など、サンプルが個別のサブグループに分けられます。このような因子はカテゴリ型であり、数値または文字列値を持つことができます。被験者内因子は、「反復測定の因子の定義」ダイアログ・ボックスで定義されます。共変量は、従属変数に関連する量的な変数です。反復測定分析の場合、これらは被験者内変数のそれぞれのレベルで常に一定でなければなりません。

データ・ファイルには、被験者の測定グループごとの変数セットが含まれている必要があります。このセットには、グループ内の測定の反復ごとに 1 つの変数があります。被験者内因子は、そのグループを対象に、反復回数に等しいレベル数で定義されます。例えば、体重測定を複数の異なる日に行うことができます。同じプロパティの測定が 5 日間で行われた場合、被験者内因子は 5 つのレベルで日数として指定できます。

被験者内因子が複数ある場合は、被験者ごとの測定回数が各因子のレベル数の積と等しくなります。例えば、1 日 3 回の測定を 4 日行うと、合計測定数は被験者ごとに 12 回となります。被験者内因子は、日数 (4) と回数 (3) で指定できます。

前提条件 反復測定分析は、1 変量と多変量という 2 とおりの方法で行うことができます。

1 変量のアプローチ (分割プロットによるアプローチ、または混合モデルによるアプローチという名でも知られています) では、従属変数を被験者内因子のレベルに対する応答数と見なします。被験者の測定値は、多変量の正規分布からのサンプルでなければならず、分散共分散行列は、被験者間効果によって形成されるセル全体で同じです。従属変数の分散共分散行列で、特定の仮定が立てられます。分散共分散行列が循環形式である場合、1 変量アプローチに使用された F 統計量の妥当性は確実です (Huynh および Mandeville、1979)。

この仮定の検定には、Mauchly の球面性の検定を使用できます。この検定では、正規直交型の変換従属変数の分散共分散行列について球面性の検定を行います。反復測定分析の場合は、自動的に Mauchly の検定が表示されます。小さいサンプル・サイズの場合、この検定はそれほど有効ではありません。大きいサンプル・サイズでは、この検定は、結果に対する逸脱の影響が小さくても有意な場合があります。検定の有意性が大きい場合は、球面性の仮説を前提とすることができます。ただし、有意性が小さく、球面性の仮定に反しているような場合には、自由度の分子と分母を調整して、1 変量 F 統計量を確認できます。「GLM 反復測定」プロシージャでは、**イプシロン**という、この調整の 3 つの推定値を使用できます。自由度の分

子と分母の両方にイプシロンを掛ける必要があります、F比の有意性は新しい自由度を使用して評価する必要があります。

多変量のアプローチは、被験者の測定値を多変量の正規分布からのサンプルと見なし、分散共分散行列は、被験者間効果によって形成されるセル全体で同じです。セル全体で分散共分散行列が同じかどうかを検定する場合は、BoxのM検定を使用できます。

関連手続き 分散分析を行う前にデータを調べる場合は、「探索」プロシージャを使用します。それぞれの被験者に関する反復測定がない場合は、「GLM 1変量」または「GLM 多変量」を使用します。各被験者に対する測定が2種類（例えば、事前検定や事後検定）しかなく、被験者間因子が存在しない場合は、「対応のあるサンプルのt検定」プロシージャを使用できます。

GLM 反復測定の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」>「一般線型モデル」>「反復測定...」

2. 被験者内因子の名前とそのレベル数を入力します。
3. **追加** をクリックします。
4. 被験者内因子ごとにこれらの手順を繰り返します。

2重多変量の反復測定計画の測定因子を定義するには、以下のようになります。

5. 測定名を入力します。

6. **追加** をクリックします。

因子と測定をすべて定義したら、以下のようになります。

7. **定義 (Define)** をクリックします。

8. リストの被験者内因子（およびオプションとして、測定）の各組み合わせに対応する従属変数を選択します。

変数の位置を変更するには、上矢印と下矢印を使用します。

被験者内因子に変更を加える場合は、メイン・ダイアログ・ボックスを閉じずに、「反復測定の因子の定義」ダイアログ・ボックスを再度開くことができます。オプションとして、被験者間因子と共変量を指定できます。

GLM 反復測定の因子の定義

GLM 反復測定では、同じ属性のさまざまな測定値を表す関連従属変数のグループを分析します。このダイアログ・ボックスでは、GLM 反復測定で使用する被験者内因子を1つ以上定義できます。被験者内因子の指定順序は重要であることに注意してください。各因子は、その前の因子内のレベルを構成します。

反復測定を使用する場合は、データを正しく設定する必要があります。このダイアログ・ボックスで被験者内因子を定義する必要があります。これらの因子は、データ内の既存の変数ではなく、ここで定義する因子であることに注意してください。

例。 体重減少に関する研究で、数人の体重を5週間にわたって毎週測定すると仮定します。データ・ファイルでは、対象者がそれぞれ被験者またはケースとなります。数週間にわたる体重は変数 *weight1*、*weight2* などのように記録されます。別の変数には各人の性別が記録されます。体重は各被験者ごとに繰り返し測定され、被験者内因子を定義することでグループ分けできます。因子は、*week* という名前にして、5つのレベルがあると定義することができます。メイン・ダイアログ・ボックスでは、変数 *weight1*, ..., *weight5* は5段階の週を割り当てるために使われる。男性と女性にグループ分けされたデータ・ファイル内の変数 (*gender*) は、男性と女性の相違点を研究するための被験者間因子として指定できます。

対策 被験者を毎回複数の測定方法で検定した場合には、その測定方法を定義します。例えば、脈拍と呼吸数を被験者ごとに1週間毎日測定するとします。これらの測定方法は、データ・ファイルには変数として存在しませんが、ここで定義されます。複数の測定方法を持つモデルは、2重多変量反復測定モデルと呼ばれることもあります。

GLM 反復測定モデル

「**モデルの指定**」。すべての因子によるモデルには、すべての因子の主効果、すべての共変量の主効果、すべての因子間の交互作用が含まれます。共変量の交互作用は含まれません。交互作用のサブセットのみを指定する場合や、因子と共変量の交互作用を指定する場合は、「**カスタム**」を選択します。モデルに含めるすべての項を指定する必要があります。

被験者間。被験者間因子と共変量がリストされます。

モデル。モデルは、使用するデータの性質によって異なります。「**カスタム**」の選択後、分析対象の被験者内効果と交互作用、および被験者間効果と交互作用を選択できます。

平方和。被験者間モデルの場合の平方和の計算方法。欠損セルがない釣り合い型または不釣り合い型被験者間モデルの場合、最も一般的に使用される方法はタイプ III 平方和です。

項目およびカスタム項目の構築

項目の構築

因子と共変量の選択したセットのすべて組み合わせについて特定のタイプ(主効果など)のネストなし項を含めるときは、この選択項目を使用します。

カスタム項目の構築

入れ子項目を含めるとき、または変数別に明示的に項を構築するとき、この選択項目を使用します。入れ子項目の構築には、次の手順が含まれます。

平方和

モデルに対して、平方和のタイプを選択することができます。最も一般的に使用されるのはタイプ III です。これがデフォルトです。

タイプ I。この方法は、平方和の階層的分解法とも呼ばれます。各項目は、モデル内で先行する項目に対してのみ調整されます。タイプ I の平方和は、一般に以下のモデルに対して使用されます。

- 1 次の交互作用効果の前に主効果が指定され、2 次の交互作用効果の前に 1 次の交互作用効果が指定されている(これ以降も同様)、分散分析の釣り合い型モデル。
- 高次の項目の前に低次の項目が指定されている多項式回帰モデル。
- 最初に指定された効果が 2 番目に指定された効果内でネストされ、2 番目に指定された効果が 3 番目に指定された効果内にネストされている(これ以降も同様)、純粋にネストされているモデル(この形式のネストを指定するには、シンタックスを使用する必要があります)。

タイプ II。この方法では、他のすべての該当する効果に対して調整されたモデルの効果の平方和が計算されます。該当する効果とは、調査対象の効果を含んでいないすべての効果に対応する効果のことです。タイプ II の平方和の方法は、通常、以下のモデルに対して使用します。

- 分散分析の釣り合い型モデル。
- 因子の主効果だけを持つモデル。
- 回帰モデル。
- 純粋にネストされている計画(この形式のネストを指定するには、シンタックスを使用する必要があります)。

タイプ III。これがデフォルトの方法です。この方法では、計画内の効果の平方和を、その効果を含まない他の効果に対して調整されており、その効果を含む効果(存在する場合)に直交している平方和として計算します。タイプ III の平方和には、通常の推定形式が一定の状態に保たれている限り、セル度数が不変であるという大きな利点があります。そのため、このタイプの平方和は、多くの場合、欠損セルがない不釣り合い型モデルに利用できます。欠損セルのない因子計画でこの方法に相当するのが、Yates の平均値の重み付き 2 乗法です。タイプ III の平方和の方法は、一般に次のような場合に使用します。

- タイプ I とタイプ II に記載されているモデル。
- 空白セルのない釣り合い型モデルまたは不釣り合い型モデル。

タイプ IV。この方法は、欠損セルが存在する場合を目的とした方法です。計画内の効果 F に対して、 F が他のどの効果にも含まれていない場合、タイプ IV = タイプ III = タイプ II となります。 F が他の効果に含

まれている場合、タイプ IV は、 F のパラメーター間で行われている対比を、より高いレベルのすべての効果に等しく分配します。タイプ IV の平方和の方法は、通常、以下のモデルに対して使用します。

- タイプ I とタイプ II に記載されているモデル。
- 空白セルがある釣り合い型モデルまたは不釣り合い型モデル。

GLM 反復測定の対比

対比は、被験者間因子のレベルに差があるかどうかを検定する場合に使用します。対比はモデルの被験者間因子ごとに指定できます。対比は、パラメーターの線型結合を表します。

仮説検定は $LBM=0$ という帰無仮説に基づきます。ここで、 L は対比係数行列であり、 B はパラメーターのベクトル、 M は従属変数の平均変換に対応する平均行列です。この変換行列は、「反復測定: オプション」ダイアログ・ボックスで「変換行列」を選択することで表示できます。例えば、4 つの従属変数と 4 つのレベルの被験者内因子があり、多項式対比 (デフォルト) が被験者内因子で使用されている場合、 M 行列は $(0.5\ 0.5\ 0.5\ 0.5)'$ になります。対比が指定されている場合は、被験者間因子に対応する列が対比と一致するように L 行列が作成されます。残りの列が調整されて、 L 行列が推定可能な状態になります。

使用できる対比には、偏差、単純、差分、Helmert、反復測定、多項式があります。偏差対比と単純対比については、参照カテゴリーを最後のカテゴリーにするか最初のカテゴリーにするかを選択できます。

被験者因子には、「なし」以外の対比を選択する必要があります。

対比の種類

「偏差」。各レベルの平均値 (参照カテゴリーを除く) を、すべてのレベルの平均値 (全平均) と比較します。因子のレベルは、任意の順序にすることができます。

「単純」。各レベルの平均値を、指定されたレベルの平均値と比較します。このタイプの対比は、制御グループが存在する場合に便利です。最初のカテゴリーまたは最後のカテゴリーを参照として選択することができます。

差分。各レベルの平均値 (最初レベルを除く) を、前のレベルの平均値と比較します (逆 Helmert 対比と呼ばれる場合があります)。

「Helmert」。因子の各レベルの平均値 (最後のレベルを除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。

繰り返される。各レベルの平均値 (最後のレベルを除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。

「多項式」。1 次効果、2 次効果、3 次効果... を比較します。最初の自由度はすべてのカテゴリーにわたる 1 次効果を含み、2 番目の自由度は 2 次効果を含みます (以下同様)。こうした対比は、多項式のトレンドを推定する場合によく使用されます。

GLM 反復測定のプロファイル・プロット

プロファイル・プロット (交互作用プロット) は、モデル内の周辺平均を比較する場合に役立ちます。プロファイル・プロットは、1 つの点が、因子の 1 つの水準における従属変数 (共変量を対象に調整) の推定周辺平均を示す線のプロットです。第 2 因子の水準を使用して、個別の線を作成することができます。第 3 因子の各水準を使用して、個別のプロットを作成することができます。すべての因子をプロットで使用することができます。プロファイル・プロットは従属変数ごとに作成されます。プロファイル・プロットには、被験者間因子と被験者内因子の両方を使用できます。

1 つの因子のプロファイル・プロットでは、推定周辺平均が水準全体で増えているか減っているかが示されます。因子が複数ある場合、平行線は因子間で交互作用がないことを示しています。その場合、1 つの因子に限ってその水準を調べることができます。平行ではない線は、因子間で交互作用があることを示しています。

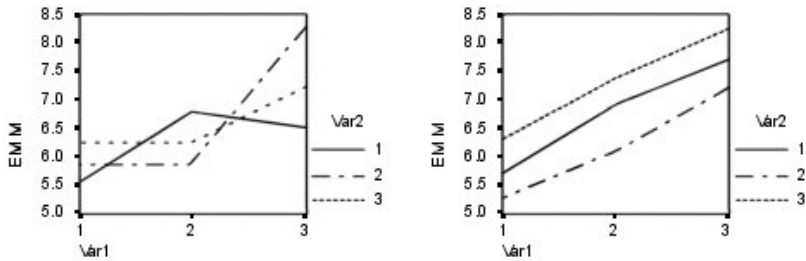


図 2. 平行ではないプロット (左) と平行プロット (右)

横軸の因子を選択し、必要に応じて個別の線の因子と個別のプロットの因子を選択することによってプロットを指定したら、そのプロットを「作図」リストに追加する必要があります。

GLM 反復測定におけるその後の比較

ポストホック多重比較検定。 平均値の間に差があることが判明したら、その後の範囲検定とペアごとの多重比較により、どの平均値が異なっているのかを判断することができます。比較は、調整されていない値に基づいて行われます。被験者間因子がない場合、このような検定は使用できません。その後の多重比較検定は、被験者内因子のレベル全体の平均に対して実行されます。

多重比較検定では、通常、Bonferroni 検定と Tukey の HSD 検定が使用されます。**Bonferroni の検定**は、スチューデントの t 検定統計量に基づいて、多重比較が行われるという事実に対して有意水準を調整します。**Sidak の t 検定**でも有意水準が調整され、Bonferroni 検定よりも厳しく制限されます。**Tukey の HSD 検定**は、スチューデント化された範囲統計量を使用して、すべてのペアごとの比較をグループ間で行い、実験ごとの誤差率をすべてのペアごとの比較の集合の誤差率に設定します。多数の平均値のペアを検定する場合は、Tukey の HSD 検定の方が Bonferroni 検定よりも有効です。少数のペアの場合は Bonferroni の方が有効です。

Hochberg の GT2 は Tukey の HSD 検定と類似していますが、スチューデント化された最大法が使用されます。一般的には、Tukey の検定の方が有効です。**Gabriel のペアごとの比較検定**も、スチューデント化された最大法を使用しますが、通常、セルのサイズが均等でない場合は、Hochberg の GT2 よりも有効です。セルのサイズのばらつきが大きい場合には、Gabriel の検定の方が公平になることがあります。

Dunnett のペアごとの多重比較 t 検定は、処理のセットを 1 つの対照平均値と比較します。最後のカテゴリは、デフォルトの対照カテゴリです。代わりに、最初のカテゴリを選択することもできます。両側の検定を選択することも、片側の検定を選択することもできます。因子の任意のレベル (対照カテゴリを除く) の平均値が対照カテゴリの平均値と等しくないことを検定するには、両側の検定を使用します。因子の任意のレベルの平均値が対照カテゴリの平均値よりも小さいかどうかを検定するには、「< 対照カテゴリ」を選択します。同様に、因子の任意のレベルの平均値が対照カテゴリの平均値よりも大きいかどうかを検定するには、「> 対照カテゴリ」を選択します。

Ryan, Einot, Gabriel, Welsch (R-E-G-W) は、2 種類のステップダウン多重範囲検定を開発しました。ステップダウン多重手続きは、最初に、すべての平均値が等しいかどうかを検定します。すべての平均値が等しいわけではない場合は、平均値のサブセットが等しいかどうかを検定します。**R-E-G-W の F 値**は F 検定に基づき、**R-E-G-W の Q 値**はスチューデント化された範囲に基づきます。この検定は、Duncan の多重範囲検定や Student-Newman-Keuls の検定 (これもステップダウン多重手続きです) よりも有効ですが、セルのサイズが等しくない場合はお勧めできません。

分散が等しくない場合は、**Tamhane の T2** (t 検定に基づくペアごとの控えめな比較)、**Dunnett の T3** (スチューデント化された最大偏差に基づくペアごとの比較検定)、**Games-Howell のペアごとの比較検定** (公平な場合もある)、または **Dunnett の C** (スチューデント化された範囲に基づくペアごとの比較検定) を使用してください。

Duncan の多重範囲検定、Student-Newman-Keuls (**S-N-K**) の検定、**Tukey の b** 検定は、グループ平均を順位付け、範囲の値を計算する範囲検定です。これらの検定は、先に述べた検定ほど頻繁には使用されません。

Waller-Duncan の t 検定は、Bayesian のアプローチを使用しています。この範囲検定は、サンプル・サイズが等しくない場合にサンプル・サイズの調和平均を使用します。

Scheffé の検定の有意水準は、この機能で使用できるペアごとの比較だけでなく、グループ平均で考えられるすべての線型結合を検定できるように設計されています。結果的に、Scheffé の検定は他の検定よりも控えめになってしまうことが多いため、有意確率を求める場合は、平均値間の差が大きくなければなりません。

最小有意差 (**LSD**) のペアごとの多重比較検定は、グループのすべてのペア間の多重 t 検定に相当します。この検定の欠点は、観測された有意レベルを多重比較用に調整する試みが行われないことです。

表示されるテスト ペアごとの比較は、LSD、Sidak、Bonferroni、Games-Howell、Tamhane の T2 と T3、Dunnnett の C、Dunnnett の T3 で使用することができます。範囲検定の等質サブグループは、S-N-K、Tukey の b 、Duncan、R-E-G-W の F 、R-E-G-W の Q 、Waller で使用することができます。Tukey の HSD 検定、Hochberg の GT2、Gabriel の検定、Scheffé の検定は、多重比較検定でもあり、範囲検定でもあります。

GLM 推定周辺平均

セルでの母集団周辺平均の推定値が必要な因子と交互作用を選択します。共変量が存在する場合、これらの平均値は、共変量に対して調整されます。

主効果の比較

被験者間因子と被験者内因子の両方について、モデル内の主効果に対する推定周辺平均値間で、ペアごとに無修正の比較を行います。この項目を使用できるのは、「平均値の表示」リストで主効果を選択した場合だけです。

単純な主効果の比較

この設定は、ターゲット・リストに 1 つ以上の積効果または交互作用（たとえば、 $A*B$ 、 $A*B*C$ ）が含まれる場合は常に有効になります。この設定は、他の要因の水準内に入れ子になっている主効果である単純主効果間の比較の指定をサポートします。

信頼区間の調整

信頼区間と有意性に対して、最小有意差 (LSD) 調整、Bonferroni 調整、または Sidak 調整を選択します。この項目を使用できるのは、「主効果の比較」、「単純な主効果の比較」、またはそれら両方を選択した場合のみです。

推定周辺平均の指定

1. メニューから、> 「分析」 > 「一般線型モデル」の下のいずれか 1 つの手順を選択します。
2. メインダイアログで、「EM 平均」をクリックします。

GLM 反復測定の保存

残差、関連測定値、モデルが予測した値は、データ・エディターで新しい変数として保存することができます。これらの変数の多くは、データに関する前提を調べるために使用することができます。値を保存して別の IBM SPSS 統計セッションで使用するには、現在のデータ・ファイルを保存する必要があります。

予測値 モデルがケースごとに予測する値。

- 非標準化されました。モデルが予測する従属変数の値。
- 標準エラー。独立変数の値が同じケースを対象とした、従属変数の平均値の標準偏差の推定値。

診断。独立変数の例外的な値の組み合わせを持つケースと、モデルに大きな影響を与える可能性があるケースを特定するための測定方法。Cook の距離と非中心化てこ比の値が使用できます。

- クックの距離。特定のケースが回帰係数の計算から除外された場合に、すべてのケースの残差がどのくらい変化するかを示す指標。Cook の D が大きいときは、回帰統計量の計算からケースを除外すると係数が大きく変化することを示します。
- てこ比の値。中心化されていないてこ比の値 モデルの適合度に対する各観測値の相対的な影響度。

「残差」。標準化されていない残差は、従属変数の実際の値から、モデルが予測した値を引いたものです。標準化された残差、スチューデント化された残差、削除された残差も使用することができます。

- 非標準化されました。観測した値と、モデルによって予測された値との差。

- 標準化されました。残差を標準偏差の推定値で割った値。標準化残差は Pearson 残差とも呼びます。平均値は 0 であり、標準偏差は 1 です。
- スチューデント化されました。残差を、独立変数の各ケースの値と独立変数の平均値との距離に応じて、ケースごとに異なる標準偏差の推定値で割った値。内部的にスチューデント化された残差と呼ばれることもあります。
- 削除されました。ケースが回帰係数の計算から除外されている場合のそのケースの残差。従属変数の値と調整済み予測値の差です。

係数統計。 パラメーター推定値の分散共分散行列をデータ・セットまたはデータ・ファイルに保存します。また、それぞれの従属変数に対しても、パラメーター推定値の行、パラメーター推定値に対応する t 統計量の有意確率値の行、および残差自由度の行があります。多変量モデルの場合は、従属変数ごとに同様の行が存在します。行列ファイルを読み取る別のプロシージャで、この行列データを使用できます。データ・セットは、今後、同じセッションで使用可能ですが、セッション終了前に明示的に保存しない限り、ファイルとして保存されません。データ・セット名は、変数の命名規則に従っている必要があります。

GLM 反復測定オプション

このダイアログ・ボックスで、オプションの統計を選択することができます。統計量は、固定効果モデルを使用して計算されます。

表示

記述統計

すべてのセルにおけるすべての従属変数の観測平均値、標準偏差、度数。

効果サイズの推定値

各効果および各パラメーター推定値の偏イータ 2 乗値が示されます。イータの 2 乗統計量は、因子に起因する総変動の比率を記述します。

観測検定力

観測値に基づいて対立仮説を設定する際に検定力を取得します。

パラメーター推定値

各検定のパラメーター推定値、標準誤差、 t 検定、信頼区間、および観測検定力を表示します。

SSCP 行列

仮説 SSCP 行列と誤差 SSCP 行列を表示します。

残差 SSCP 行列

残差 SSCP 行列を表示します。

変換行列

残差共分散行列の Bartlett の球面性の検定を表示します。

同質性の検定

被験者間因子の場合のみ、被験者間因子のすべての水準の組み合わせによる各従属変数の分散の同質性分析について、Levene の検定が生成されます。この同質性の検定には、被験者間因子のすべてのレベルの組み合わせにおける従属変数の共分散行列の同質性に関する Box の M 検定も含まれます。

水準と広がり

データに関する仮定の確認に役立ちます。このオプションは、因子が存在しない場合は無効になります。

残差プロット

各従属変数について、標準化された残差による予測値で観測された値のプロットを作成します。こうしたプロットは、分散が等しいという仮定を調査する場合に役立ちます。このオプションは、因子が存在しない場合は無効になります。

不適合度

モデルによって従属変数と独立変数との関係を正確に記述できるかどうかを確認します。

一般の推定可能関数

一般推定可能関数に基づくカスタム仮説検定を構成することができます。任意の対比係数行列における行は、一般推定可能関数の線型結合です。

有意水準

その後の検定で使用される有意水準と、信頼区間を構成するために使用される信頼係数を調整できます。指定した値は、検定の観測検定力の計算にも使用されます。有意レベルの指定時に、信頼区間の関連レベルがダイアログに表示されます。

GLM コマンドの追加機能

これらの機能は、1 変量、多変量、反復測定分析に適用できます。コマンドシンタックス言語を使用して、次のことも実行できます。

- 計画に入れ子効果を指定する (DESIGN サブコマンドを使用)。
- 効果の検定に対する効果(または値)の線型組み合わせを指定する (TEST サブコマンドを使用)。
- 多重対比を指定する (CONTRAST サブコマンドを使用)。
- ユーザー欠損値を含める (MISSING サブコマンドを使用)。
- EPS 基準を指定する (CRITERIA サブコマンドを使用)。
- カスタムの **L** 行列、**M** 行列、または **K** 行列を作成する (LMATRIX サブコマンド、MMATRIX サブコマンド、KMATRIX サブコマンドを使用)。
- 偏差対比と単純対比について、中間参照カテゴリーを指定する (CONTRAST サブコマンドを使用)。
- 多項式対比の計量を指定する (CONTRAST サブコマンドを使用)。
- その後の比較の誤差項を指定する (POSTHOC サブコマンドを使用)。
- 任意の因子について、または因子リスト内の因子間の交互作用について、推定周辺平均値を計算する (EMMEANS サブコマンドを使用)。
- 一時変数の名前を指定する (SAVE サブコマンドを使用)。
- 相関行列のデータ・ファイルを作成する (OUTFILE サブコマンドを使用)。
- 被験者間因子の分散分析表の統計量を格納する行列データ・ファイルを作成する (OUTFILE サブコマンドを使用)。
- 計画行列を新しいデータ・ファイルに保存する (OUTFILE サブコマンドを使用)。

シンタックスの詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

分散成分分析

混合効果モデルにおける「分散成分」プロシージャでは、従属変数の分散に対するランダム効果ごとの寄与率を推定します。このプロシージャは、分割プロット、1 変量の反復測定、およびランダム・ブロック計画などの混合モデルの分析に特に役立ちます。分散成分を計算することで、分散を減らすためにどこに焦点を絞るべきか判断することができます。

分散成分の推定には、最小ノルム 2 次不偏推定量 (MINQUE)、分散分析 (ANOVA)、最尤法 (ML)、および制限付き最尤法 (REML) という 4 つの方法を使用できます。これらの方法でさまざまな指定を使用できます。

すべての方法のデフォルトの出力に、分散成分推定値が含まれます。ML 法または REML 法を使用する場合は、漸近分散共分散行列も表示されます。その他の使用可能な出力には、ANOVA 表と ANOVA 法の期待平均平方、および ML 法と REML 法の反復の記述などがあります。「分散成分」プロシージャには、「GLM 1 変量」プロシージャとの完全な互換性があります。

「WLS 重み」を使用すると、重み付き分析の場合、観測値に異なる重みを付けるために使用する変数を指定し、それにより測定精度における変動を補正できる可能性があります。

例。 農業学校で、子豚の同腹子 6 グループの 1 カ月後の体重増を測定します。同腹子変数は、6 つのレベルを持つランダム因子です。(研究対象の 6 つの同腹子グループは、豚の同腹子のさらに大きな母集団からのランダム・サンプルです)。研究者は、同腹子内の子豚間の差よりも、同腹子グループ間の差の方が、体重増の差異をもたらすはるかに大きな原因であることを発見しました。

分散成分のデータの考慮事項

データ。 従属変数は量的変数です。因子はカテゴリー型です。これらは最高 8 バイトまでの数値または文字列値を持つことができます。少なくとも 1 つの因子はランダムである必要があります。つまり、因子レベルは可能なレベルのランダム・サンプルである必要があります。共変量は、従属変数に関連する量的な変数です。

前提条件 どの方法においても、ランダム効果のモデル・パラメーターの平均値は 0 で、有限定数分散があり、相互に相関がないものと仮定します。異なるランダム効果のモデル・パラメーターにも相関はありません。

残差の項も平均値が 0 で、有限定数分散があります。どのランダム効果のモデル・パラメーターとも相関はありません。異なる観測値からの残差項は相関がないものと見なされます。

これらの仮定に基づいて、同じレベルのランダム因子からの観測値に相関を持たせません。この点から、分散成分モデルは一般線型モデルと区別されます。

ANOVA と MINQUE には正規性の仮定は必要ありません。どちらも、正規性の仮定からの適度の逸脱については、許容範囲としています。

ML と REML では、モデル・パラメーターと残差項が正規分布している必要があります。

関連手続き 分散成分の分析を行う前にデータを調べる場合は、「探索」プロシージャーを使用します。仮説検定には、GLM 1 変量、GLM 多変量、GLM 反復測定を使用します。

分散成分表の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「一般線型モデル」 > 「分散成分...」

2. 従属変数を選択します。

3. 「固定因子」、「変量因子」、「共変量」について、データに対して適切な変数を選択します。重み付け変数の指定には、「WLS 重み」を使用します。

分散成分のモデル

「モデルの指定」。 すべての因子によるモデルには、すべての因子の主効果、すべての共変量の主効果、すべての因子間の交互作用が含まれます。共変量の交互作用は含まれません。交互作用のサブセットのみを指定する場合や、因子と共変量の交互作用を指定する場合は、「カスタム」を選択します。モデルに含めるすべての項を指定する必要があります。

因子 & 共変量。 因子と共変量がリストされます。

モデル: モデルは、使用するデータの性質によって異なります。「ユーザーの指定」を選択すると、分析対象の主効果と交互作用を選択できるようになります。モデルにはランダム因子を含める必要があります。

選択した因子や共変量について、次の項を作成できます。

交互作用

選択したすべての変数について、最高水準の交互作用項が作成されます。これがデフォルトです。

主効果

選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

2 次まで

選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

3 次まで

選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

4 次まで

選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

5 次まで

選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

モデルに切片を含める: 通常、切片はモデルに含まれます。データが原点を通ると想定できる場合は、切片を除外してもかまいません。

項目およびカスタム項目の構築

項目の構築

因子と共変量の選択したセットのすべて組み合わせについて特定のタイプ(主効果など)のネストなし項を含めるときは、この選択項目を使用します。

カスタム項目の構築

入れ子項目を含めるとき、または変数別に明示的に項を構築するとき、この選択項目を使用します。入れ子項目の構築には、次の手順が含まれます。

分散成分のオプション

方法: 分散成分の4つの推定方法のいずれかを選択できます。

- 「**MINQUE**」(最小ノルム2次不偏推定値)では、固定効果に対して不変の推定値を生成します。データが正規分布しており、推定値が正しければ、この方法により、すべての不偏推定値の中で最も小さい分散が生成されます。ランダム効果先行の重み方式を選択できます。
- 「**ANOVA**」(分散分析)では、効果ごとにタイプIまたはタイプIIIの平方和を使用して、不偏推定値を計算します。ANOVA法では負の分散推定値が生成される場合があります、間違っただモデル、不適切な推定方法、あるいはさらにデータが必要であることを示している可能性があります。
- 「**最尤法**」(ML)では、反復を使用して、実際に観測されたデータに最も一致する推定値を生成します。これらの推定値は偏る可能性があります。この方法は漸近的に正規です。MLとREMLの推定値は、解釈においては不変です。この方法は、固定効果の推定に使用される自由度を考慮しません。
- 「**制限された最尤法**」(REML)の推定値により、平行データの(すべてではないが)多くのケースに対するANOVA推定値が減ります。この方法は固定効果に合わせて調整されるため、ML法の場合より標準誤差が小さくなければなりません。この方法は、固定効果の推定に使用される自由度を考慮します。

ランダム効果プリアール。「**一様**」とは、すべてのランダム効果と残差項が観測値に同等の影響をもたらすことを意味します。「**ゼロ**」スキームは、ランダム効果分散をゼロと仮定するのと同じです。MINQUE法にのみ使用可能です。

2乗の和。「**タイプI**」の平方和は、分散成分の文献で頻繁に使用される階層モデルで使用されます。「**タイプIII**」(GLMにおけるデフォルト)を選択すると、分散推定値をGLM1変量でタイプIII平方和を使用した仮説の検定に使用できます。ANOVA法にのみ使用可能です。

「**基準**」。収束基準と最大反復数を指定できます。ML法またはREML法にのみ使用可能です。

表示: ANOVA法の場合、平方和と期待平均平方の表示を選択できます。「**最尤法**」または「**制限された最尤法**」を選択した場合は、反復履歴を表示できます。

平方和(分散成分)

モデルには、平方和のタイプを選択できます。最も一般的に使用されるのはタイプIIIです。これがデフォルトです。

タイプI: この方法は、平方和の階層的分解法とも呼ばれます。各項目は、モデル内で先行する項目に対してのみ調整されます。タイプIの平方和の方法が一般的に使用されるのは次の場合です。

- 1次の交互作用効果の前に主効果が指定され、2次の交互作用効果の前に1次の交互作用効果が指定されている(これ以降も同様)、分散分析の釣り合い型モデル。
- 高次の項目の前に低次の項目が指定されている多項式回帰モデル。
- 最初に指定された効果が2番目に指定された効果内でネストされ、2番目に指定された効果が3番目に指定された効果内にネストされている(これ以降も同様)、純粋にネストされているモデル(この形式のネストを指定するには、シンタックスを使用する必要があります)。

タイプIII。これがデフォルトの方法です。この方法では、計画内の効果の平方和を、その効果を含まない他の効果に対して調整されており、その効果を含む効果(存在する場合)に直交している平方和として計算します。タイプIIIの平方和には、通常の推定形式が一定の状態に保たれている限り、セル度数が不変であるという大きな利点があります。したがって、このタイプは多くの場合、欠損セルがない釣り合い型モデルに有用だと考えられます。欠損セルのない因子計画でこの方法に相当するのが、Yatesの平均値の重み付き2乗法です。タイプIIIの平方和の方法は、一般に次のような場合に使用します。

- タイプ I にリストされているモデル。
- 空白セルのない釣り合い型モデルまたは不釣り合い型モデル。

分散成分の新規ファイルへの保存

このプロシージャの一部の結果を新しい IBM SPSS 統計 データ・ファイルに保存することができます。

分散成分の推定値。 分散成分の推定値と推定値ラベルをデータ・ファイルまたはデータ・セットに保存します。これらは、より多くの統計量を計算したり、GLM プロシージャで詳しい分析を行う場合に使用できます。例えば、信頼区間の計算や仮説の検定に使用できます。

成分の共分散。 分散共分散行列または相関行列をデータ・ファイルまたはデータ・セットに保存します。「最尤法」または「制限された最尤法」が指定されている場合にのみ使用可能です。

作成された値の保存先。 分散成分の推定値や行列を含むファイルのデータ・セット名や外部ファイル名を指定できます。データ・セットは、今後、同じセッションで使用可能ですが、セッション終了前に明示的に保存しない限り、ファイルとして保存されません。データ・セット名は、変数の命名規則に従っている必要があります。

MATRIX コマンドを使用すれば、データ・ファイルから必要なデータを抽出して、信頼区間の計算や検定を行うことができます。

VARCOMP コマンドの追加機能

コマンド シNTAX 言語を使用して、次のことも実行できます。

- 計画に入れ子効果を指定する (DESIGN サブコマンドを使用)。
- ユーザー欠損値を含める (MISSING サブコマンドを使用)。
- EPS 基準を指定する (CRITERIA サブコマンドを使用)。

Syntax の詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

線型混合モデル

「線型混合モデル」プロシージャでは、相関および非正常変動が見られるデータも扱えるように、一般線型モデルを拡張します。したがって、線型混合モデルはデータの平均値だけでなく、データの分散および共分散をモデリングできる柔軟性を提供します。

また、「線型混合モデル」プロシージャは、混合線型モデルとして定式化できる他のモデルを当てはめるための柔軟なツールでもあります。そのようなモデルには、マルチレベル・モデル、階層線型モデル、およびランダム係数モデルがあります。

例

食料雑貨店チェーンは、さまざまなクーポンが顧客支出に対して与える影響に関心を持っています。常連客のランダム・サンプリングを行い、10 週間の各顧客の支出を調べます。1 週間ごとに異なるクーポンが顧客に送付されます。線型混合モデルを使用して、10 週間にわたる各被験者の反復観測値による相関に合わせて調整しながら、支出に対するさまざまなクーポンの影響を推定します。

方法

最尤法 (ML) および制限付き最尤法 (REML) の推定。

統計

記述統計: 従属変数のサンプル・サイズ、平均値、および標準偏差と、因子のそれぞれ異なるレベルの組み合わせの共変量。因子レベル情報: 各因子のレベルをソートした値と、それらの度数。また、固定効果のパラメーター推定値および信頼区間、共分散行列のパラメーターの Wald 検定および信頼区間。異なる仮説を評価する場合は、タイプ I とタイプ III の平方和を使用できます。タイプ III がデフォルトです。

線型混合モデルのデータの考慮事項

データ

従属変数は量的である必要があります。因子はカテゴリ型である必要があります、数値または文字列値を持つことができます。共変量および重み付け変数は量的である必要があります。被験者および反復変数はどのようなタイプでもかまいません。

仮定

従属変数は固定因子、ランダム因子、および共変量と線型関係があると仮定されます。固定効果は従属変数の平均値をモデリングします。ランダム効果は従属変数の共分散構造をモデリングします。多重ランダム効果は互いに独立していると見なされ、それぞれ別の共分散行列が計算されます。ただし、同じランダム効果で指定したモデル項は関連している場合があります。反復測定は、残差の共分散構造をモデリングします。また、従属変数は正規分布から取得されると仮定されます。

関連プロシージャ

分析の実行前にデータを調べる場合は、「探索」プロシージャを使用します。相関変動または非定常変動が存在することが確実な場合は、「GLM 1 変量」または「GLM 反復測定」プロシージャを使用できます。ランダム効果が分散成分の共分散構造を持ち、反復測定がない場合は、代わりに「分散成分分析」プロシージャを使用できます。

線型混合モデル分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「混合モデル」 > 「線形」 ...

2. オプションで、1つ以上の被験者変数を選択します。
3. オプションで、1つ以上の反復変数を選択します。反復変数が定義されている場合は、ドロップダウン・リストから「反復測定共分散」を選択します。
4. オプションで、1つ以上のクロネッカー測定変数を選択します。
5. オプションで、残差共分散構造を選択します。
6. 「続行」をクリックします。
7. 従属変数を選択します。
8. 少なくとも1つの因子または共変量を選択します。
9. 「固定」または「変量」をクリックして、少なくとも固定効果モデルまたはランダム効果モデルを指定します。

オプションで、重み付け変数を選択します。

線型混合モデル: 被験者および反復測定

このダイアログでは、被験者、反復観測値、およびクロネッカー測定値を定義する変数を選択し、残差の共分散構造を選択することができます。

被験者

被験者は観測用の単位で、他の被験者から独立していると見なされます。例えば医学研究では、ある患者の血圧測定値は、他の患者の測定値からは独立していると見なすことができます。被験者ごとに反復測定を行い、それらの観測値間の相関をモデル化する場合、被験者の定義は特に重要になります。例えば、病院に連続で通院している間のある患者の血圧測定値は相関していることが予想されます。

被験者は、複数の変数の因子レベルの組み合わせによって定義することもできます。例えば、性別と年齢カテゴリーを被験者変数として指定すると、65歳を超える男性は互いに似ていますが、65歳以下の男性と女性からは独立しているという確信をモデル化できます。

「被験者」リストで指定された変数はすべて、残差共分散構造の被験者を定義するために使用されます。一部またはすべての変数を、ランダム効果の共分散構造の被験者を定義するために使用できます。

反復

このリストで指定された変数は、反復観測値を識別するために使用されます。例えば、週という1つの変数を使用して、医学研究において10週間の観測値を識別できます。また、月と日を共に使用すると、1年間にわたって毎日の観測値を識別できます。

反復測定共分散

残差に対する共分散構造を指定します。使用可能な構造は次のとおりです。

- 前従属: 1 次
- AR(1)
- 直積 AR1 (UN_AR1)
- 直積: 無構造 (UN_UN)
- 直積: 複合シンメトリ (UN_CS)
- AR(1): 不均質
- ARMA(1,1)
- 複合対称
- 複合対称: 相関行列
- 複合対称: 不均質
- 対角
- 因子分析的: 1 次
- 因子分析的: 1 次、不均質
- Huynh-Feldt
- 計測された単位
- Toeplitz
- Toeplitz: 不均質
- 無構造
- 無構造: 相関行列
- 空間: べき乗
- 空間: 指数
- 空間: ガウス
- 空間: 線形
- 空間: 線型-対数
- 空間: 球形

クロネッカー測定

クロネッカー共分散測定値の被験者の構造を指定する変数を選択し、測定誤差の相関を判別します。このフィールドは、以下の「反復測定共分散」のいずれかが選択されている場合にのみ使用できます。

- 直積 AR1 (UN_AR1)
- 直積: 無構造 (UN_UN)
- 直積: 複合シンメトリ (UN_CS)

空間共分散座標

このリストの変数は、反復共分散タイプとして空間共分散タイプの 1 つが選択されたときに、反復測定座標を指定します。

詳しくは、トピック「[91 ページの『共分散構造』](#)」を参照してください。

線型混合モデルの固定効果

固定効果。 デフォルトのモデルはありません。したがって、明示的に固定効果を指定する必要があります。ネスト項目またはネストなし項目を作成することもできます。

定数項を含める 通常、切片はモデルに含まれます。データが原点を通ると仮定できる場合は、切片を除外できます。

2乗の和。 平方和の計算方法。欠損セルがないモデルの場合は、タイプ III 法が最も一般的に使用されます。

ネストなし項目の構築

選択した因子や共変量について、次の項を作成できます。

階乗。 選択した変数で考えられるすべての交互作用および主効果を作成します。これがデフォルトです。

交流だ。 選択したすべての変数について、最高水準の交互作用項が作成されます。

主効果: 選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

すべて 2 ウェイ。 選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

すべて 3 ウェイ。 選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

オール 4 ウェイ。 選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

オール 5 ウェイ。 選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

入れ子項目の構築

このプロシージャでは、モデルにネスト項目を構築できます。ネスト項目は、値が他の因子のレベルと交互作用しない因子または共変量の効果のモデル化に利用できます。例えば、ある食料雑貨店チェーンが、いくつかの店舗で顧客の消費傾向を調査するとします。それぞれの顧客は、それらのロケーションのいずれか 1 つのみを頻繁に使用するため、顧客の効果は **内にネスト** 保管場所の効果であると言えますことがあります。

さらに、交互作用効果を含めたり、ネスト項目に対して複数レベルのネストを追加することができます。

制限: ネスト項目には、次のような制限があります。

- 交互作用内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、A が因子の場合、A*A の指定は無効です。
- ネスト効果内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、A が因子である場合は、A (A) の指定は無効です。
- 共変量内では効果をネストすることはできません。したがって、A が因子であり、X が共変量である場合、A(X) の指定は無効です。

平方和

モデルに対して、平方和のタイプを選択することができます。最も一般的に使用されるのはタイプ III です。これがデフォルトです。

タイプ I: この方法は、平方和の階層的分解法とも呼ばれます。モデル内の各項はその前の項に対してのみ調整されます。タイプ I の平方和は、一般に以下のモデルに対して使用されます。

- 1 次の交互作用効果の前に主効果が指定され、2 次の交互作用効果の前に 1 次の交互作用効果が指定されている (これ以降も同様)、分散分析の釣り合い型モデル。
- 高次の項目の前に低次の項目が指定されている多項式回帰モデル。
- 最初に指定された効果が 2 番目に指定された効果内でネストされ、2 番目に指定された効果が 3 番目に指定された効果内にネストされている (これ以降も同様)、純粋にネストされているモデル (この形式のネストを指定するには、シンタックスを使用する必要があります)。

タイプ III。 これがデフォルトの方法です。この方法では、計画内の効果の平方和を、その効果を含まない他の効果に対して調整されており、その効果を含む効果 (存在する場合) に直交している平方和として計算します。タイプ III の平方和には、通常の推定形式が一定の状態に保たれている限り、セル度数が不変であるという大きな利点があります。そのため、このタイプの平方和は、多くの場合、欠損セルがない不釣り合い型モデルに利用できます。欠損セルのない因子計画でこの方法に相当するのが、Yates の平均値の重み付き 2 乗法です。タイプ III の平方和の方法は、一般に次のような場合に使用します。

- タイプ I にリストされているモデル。

- 空白セルのない釣り合い型モデルまたは不釣り合い型モデル。

線型混合モデルのランダム効果

共分散タイプ: これを使用して、ランダム効果モデルの共分散構造を指定できます。各ランダム効果に個別の共分散行列が推定されます。使用可能な構造は次のとおりです。

- 前従属: 1 次
- AR(1)
- AR(1): 不均質
- ARMA(1,1)
- 複合対称
- 複合対称: 相関行列
- 複合対称: 不均質
- 対角
- 因子分析的: 1 次
- 因子分析的: 1 次、不均質
- Huynh-Feldt
- 計測された単位
- Toeplitz
- Toeplitz: 不均質
- 無構造
- 無構造: 相関行列
- 分散成分

詳しくは、トピック「[91 ページの『共分散構造』](#)」を参照してください。

ランダム効果。 デフォルトのモデルはありません。したがって、明示的にランダム効果を指定する必要があります。ネスト項目またはネストなし項目を作成することもできます。ランダム効果モデルに切片項を含めることを選択することもできます。

複数のランダム効果モデルを指定できます。最初のモデルを構築した後で、次のモデルを構築する場合は「**次へ**」をクリックします。スクロールして既存のモデルに戻る場合は、「**前へ**」をクリックします。各ランダム効果モデルは他のすべてのランダム効果モデルから独立している（つまり、それぞれ別の共分散行列が計算される）ものと仮定されます。同じランダム効果モデルで指定した項は相関している場合があります。

主題のグループ分け リストされる変数は、「被験者および反復測定の定義」ダイアログ・ボックスで被験者変数として選択した変数です。ランダム効果モデルの被験者を定義するには、これらの変数の一部またはすべてを選択します。

このランダム効果のセットのパラメータ予測を表示する。指定すると、変数効果のパラメータ推定値が表示されます。

線型混合モデルの推定

方法

「最尤推定値」または「制限最尤推定値」を選択します。

自由度

すべての検定の自由度を定義するためのオプションを提供します。

残差方法

残差方法では、すべての検定の固定自由度を使用します。これは、標本サイズが十分に大きい場合、データが均衡している場合、またはモデルが単純な共分散タイプ（スケーリングされた単位または対角など）を使用する場合に役立ちます。

Satterthwaite 近似値

Satterthwaite 法では、検定全体でのフィールド自由度を使用します。これは、標本サイズが小さい場合、データが均衡していない場合、またはモデルが複雑な共分散タイプ (無構造など) を使用する場合に役立ちます。

Kenward-Roger 近似値

Kenward-Roger 法は、固定効果パラメーターの分散共分散のより精度の高い小標本推定量、および t 検定と F 検定での分母の近似自由度を提供します。この方法は、F 統計量のスケール係数を導入します。データ内の推定されるランダム構造の Taylor 級数展開を使用して、F 統計量および自由度の分母を推定します。

注: Kenward-Roger 法は、(頑健共分散ではなく) モデル・ベースの共分散で使用されます。Kenward-Roger 法と頑健共分散が両方とも選択されている場合は、Kenward-Roger 法がモデル・ベースの共分散に適用され、以下の警告が表示されます。「Kenward-Roger 法が選択されたため、頑健共分散法がモデル・ベースの共分散法に変更されます」。

反復回数

The following options are available:

最大反復回数

負でない整数を指定してください。

最大段階 2 分

対数尤度が増加するか、最大段階 2 分に達するまで、反復ごとにステップ・サイズが 0.5 倍に縮小されます。正の整数を指定します。

反復の記述 n 段階数

0 回反復 (初期見積もり) で始まる n 回の反復で、対数尤度関数の値およびパラメーター推定値を含む表を表示します。反復の記述の出力を選択した場合、n の値にかかわらず、最後の反復は常に出力されます。

対数尤度収束

対数尤度関数の絶対変化または相対変化が、指定した値 (負以外にする) より小さい場合に収束とみなされます。指定された値が 0 の場合、この基準は使用されません。

パラメータ収束

パラメーター推定値の最大絶対変化または最大相対変化が、指定した値 (負以外にする) より小さい場合に収束とみなされます。指定された値が 0 の場合、この基準は使用されません。

Hessian 収束

「絶対」を指定した場合は、Hessian に基づく統計量が、指定した値よりも小さい場合に収束とみなされます。「相対値」を指定した場合は、指定した値と対数尤度の絶対値の積よりも統計が小さい場合に収束とみなされます。指定された値が 0 の場合、この基準は使用されません。

最大スコア ステップ数

フィッシャー得点アルゴリズムを n 回繰り返して使用することを要求します。負でない整数を指定してください。

特異性許容度

この値は、特異性の検査時に許容度として使用されます。正の値を指定してください。

線型混合モデルの統計

要約統計量: 次のテーブル表が作成されます。

- **記述統計。** 従属変数のサンプル・サイズ、平均値、および標準偏差と、共変量 (指定した場合) を表示します。これらの統計は、因子の異なるレベルの組み合わせごとに表示されます。
- **「ケース処理要約」。** 因子のソート値、反復測定変数、反復測定の被験者、およびランダム効果の被験者とその度数を表示します。

モデルの統計 次のテーブル表が作成されます。

- **固定効果のパラメータ推定値。** 固定効果のパラメーター推定値と、それらの近似標準誤差を表示します。
- **共分散パラメータの検定。** 共分散パラメーターの漸近標準誤差と Wald 検定を表示します。
- **パラメータ推定値の相関。** 固定効果パラメーター推定値の漸近相関行列を表示します。

- **パラメータ推定値の共分散。** 固定効果パラメーター推定値の漸近分散共分散行列を表示します。
- **ランダム効果の共分散。** ランダム効果の推定共分散行列を表示します。このオプションは、1つ以上のランダム効果が指定されている場合にのみ使用できます。ランダム効果に被験者変数が指定されている場合は、共通ブロックが表示されます。
- **残差の共分散。** 推定残差分散共分散行列を表示します。このオプションは、反復変数が指定されている場合にのみ使用できます。被験者変数が指定されている場合は、共通ブロックが表示されます。
- **コントラスト係数行列。** このオプションは、固定効果とカスタム仮説の検定に使用される推定可能関数を表示します。

信頼区間: 信頼区間を構築する場合は、常にこの値を使用します。0以上100未満の値を指定します。デフォルト値は95です。

線型混合モデルの EM 平均

適合モデルの推定限界平均。 このグループでは、セル内の従属変数のモデル予測推定周辺平均と、指定した因子に対するそれらの標準誤差を要求することができます。さらに、主効果の因子レベルの比較を要求することができます。

- **因子と因子の相互作用。** このリストには、「固定」ダイアログ・ボックスで指定された因子と因子相互作用、および OVERALL 項が含まれています。共変量から作成したモデル項は、このリストから除外されません。
- **表示手段** このプロシージャでは、このリストに選択した因子と因子相互作用の推定周辺平均を計算します。OVERALL を選択した場合は、すべての因子を非表示にして、従属変数の推定周辺平均が表示されます。選択した因子または因子相互作用は、関連する変数がメイン・ダイアログ・ボックスの「因子」リストから除外されない限り、選択されたままの状態になることに注意してください。
- **主効果を比較する。** このオプションを使用して、選択した主効果のレベルのペアワイズ比較を要求できます。「信頼区間の調整」では、多重比較に応じて信頼区間および有意確率値に調整を適用できます。使用できる方法は LSD (調整なし)、Bonferroni、および Sidak です。最後に、各因子に対して、比較の対象となる参照カテゴリーを選択できます。参照カテゴリーを選択しない場合は、すべてのペアワイズ比較が構成されます。参照カテゴリーのオプションは、「最初」、「最後」、または「カスタム」(この場合は、参照カテゴリーの値を入力します)です。

線型混合モデルの保存

このダイアログ・ボックスを使用して、さまざまなモデル結果を作業ファイルに保存できます。

固定予測値 効果のない回帰平均に関連する変数を保存します。

- **予測値** ランダム効果のない回帰平均。
- **標準誤差。** 推定値の標準誤差。
- **自由度。** 推定値に関連付けられている自由度。

「**予測値**」 & 「**残差**」 モデルの当てはめ値に関連する変数を保存します。

- **予測値** モデルの当てはめ値。
- **標準誤差。** 推定値の標準誤差。
- **自由度。** 推定値に関連付けられている自由度。
- 「**残差**」。

線型混合モデル-エクスポート

このダイアログでは、EBLUP (Empirical Best Linear Unbiased Predictions) 出力テーブルの内容をデータ・セットまたは .sav ファイルにエクスポートできます。「ランダム」ダイアログで少なくとも1つのランダム効果が指定され、「このブロックのパラメーター予測を表示」ボックスにチェック・マークが付けられている場合、「線型混合モデル」ダイアログの「エクスポート」ボタンが有効になります。

EBLUPS のエクスポート

宛先の選択: 「データ・セット」 または 「データ・ファイル」

オプションで、名前を指定します。

作成された EBLUP で複数のランダム効果が指定されている場合は、チェック・ボックスのチェック・マークを外して、結果の各テーブルが別個のデータ・セットまたはファイルに表示されるようにします。

MIXED コマンドの追加機能

コマンド シNTAX 言語を使用して、次のことも実行できます。

- 効果の検定に対する効果 (または値) の線型組み合わせを指定する (TEST サブコマンドを使用)。
- ユーザー欠損値を含める (MISSING サブコマンドを使用)。
- 指定した共変量値の推定周辺平均の計算 (EMMEANS サブコマンドの WITH キーワードを使用)。
- 交互作用の単純な主効果の比較 (EMMEANS サブコマンドを使用)。

Syntax の詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

一般化線型モデル

一般化線型モデルは、従属変数が、指定したリンク関数によって因子および共変量と線型の関係になるように一般線型モデルを拡張したものです。さらに、このモデルでは、非正規分布の従属変数に対応します。正規分布応答の線型回帰、バイナリー・データに対するロジスティック・モデル、度数データに対する対数線型モデル、打ち切りデータに対する補ログ・マイナス・ログ・モデル、さらに一般的なモデル式を使用したその他多くの統計モデルなど、広く使用されている統計モデルを網羅しています。

例: 出荷会社は、一般線形モデルを使用して、異なる期間に構成されたいくつかのタイプの船の損害数にポアソン回帰を適合させることができます。また、結果のモデルは、どの出荷タイプが最も損傷を受けるかを判別するのに役立ちます。

自動車保険会社は、一般線形モデルを使用して、自動車の損害請求に対するガンマ回帰を適合させることができ、結果のモデルは、請求サイズに最も影響を与える要因を判別するのに役立ちます。

医学研究者は、一般線形モデルを使用して、間隔を検閲しない生存データに対する補完的な対数ログ回帰に適合させることができ、病状の再発を予測することができます。

一般化線型モデルのデータの考慮事項

データ。 応答には、スケール、度数、2 値、または試行におけるイベントがあります。因子はカテゴリー型と見なされます。共変量、スケール重み付け、およびオフセットはスケールと見なされます。

前提条件 ケースは独立した観測値と見なされます。

一般化線型モデルを取得するには

メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「一般化線型モデル」 > 「一般化線型モデル...」

1. 分布およびリンク関数を指定します (各種オプションの詳細については下記参照)。
2. 「応答」タブで、従属変数を選択します。
3. 「予測」タブで、従属変数の予測に使用する因子と共変量を選択します。
4. 「モデル」タブで、選択した因子および共変量を使用してモデル効果を指定します。

「モデルの種類」タブでは、モデルに対して分布およびリンク関数を指定でき、応答の種類によって分類されているいくつかの一般的なモデルに対してショートカットが提供されます。

モデル・タイプ

スケールの反応。 The following options are available:

- **線形:** 分布に「正規」、リンク関数に「同一」を指定します。
- **対数リンクを使用するガンマ。** 分布に「ガンマ」、リンク関数に「対数」を指定します。

序列回答。The following options are available:

- 順序ロジスティック。分布に「多項 (順序)」、リンク関数に「累積ロジット」を指定します。
- 順序プロビット。分布に「多項 (順序)」、リンク関数に「累積プロビット」を指定します。

カウントの代表的なコンセプトにすることによります。The following options are available:

- ポアソン対数線形。分布に「ポワソン」、リンク関数に「対数」を指定します。
- 対数リンクを持つ負の二項式。分布に「負の 2 項 (補助パラメーターに 1 の値)」、リンク関数に「対数」を指定します。補助パラメーターの値を推定するプロシージャーにするには、「負の 2 項分布」のカスタム・モデルを指定し、パラメーター・グループで「推定値」を選択します。

バイナリ応答またはイベント/トライアルデータ。The following options are available:

- バイナリーロジスティック。分布に「2 項」、リンク関数に「ロジット」を指定します。
- 2 値プロビット: 分布に「2 項」、リンク関数に「プロビット」を指定します。
- 調査された生存推定値間隔: 分布に「2 項」、リンク関数に「補ログ・マイナス・ログ」を指定します。

ミックス。The following options are available:

- ログリンクのあるツイーディ 分布に「Tweedie」、リンク関数に「対数」を指定します。
- ID リンクのあるツイーディ 分布に「Tweedie」、リンク関数に「同一」を指定します。

カスタム:。独自の分布とリンク関数の組み合わせを指定します。

分布

この選択により、従属変数の分布を指定します。非正規分布と非同一リンク関数を指定する機能は、一般線型モデルから一般化線型モデルに移行する上での重要な改善点です。分布とリンク関数は多くの組み合わせが可能で、その中のいくつかは特定のデータ・セットに適しているため、経験的理論の考察、または最も適合すると考えられる組み合わせから選択を導き出すことができます。

- 二項。この分布はその応答が 2 値応答またはイベント数を表す変数にのみ適しています。
- ガンマ この分布は、正の値が大きくなるほどゆがむ正のスケール値を持つ変数に適しています。データ値が 0 以下または欠損値である場合、対応するケースは分析には使用されません。
- 逆ガウシアン。この分布は、正の値が大きくなるほどゆがむ正のスケール値を持つ変数に適しています。データ値が 0 以下または欠損値である場合、対応するケースは分析には使用されません。
- 負の二項式。この分布は k の成功を観測するために必要な試行回数として考えることができ、負ではない整数値の変数に適しています。データ値が非整数である、0 未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。負の 2 項分布の補助パラメーターの値は、0 以上の数値ですが、パラメーターに固定値を設定し、プロシージャーで推定することも可能です。補助パラメーターが 0 に設定されると、この分布を使用することはポワソン分布を使用することに相当します。
- 正常。これは、値が対称で、中心 (平均) 値に関してベル型の分布であるスケール変数に適しています。従属変数は数値型である必要があります。
- ポアソン この分布は一定期間の対象のイベントの発生回数として考えることができ、負ではない整数値の変数に適しています。データ値が非整数である、0 未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。
- ツイーディ この分布は、ガンマ分布のポワソン混合により表現できる変数に適しています。分布は連続分布 (負ではない実数をとる) および離散分布 (単一の値での正の確率質量、0) のプロパティを組み合わせるという意味から「混合」です。従属変数は数値型で 0 以上のデータ値である必要があります。データ値が 0 未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。Tweedie 分布のパラメーターの固定値は、1 より大きい 2 未満の数値です。
- 多項 この分布は順序型応答を表す変数に適しています。従属変数は数値または文字列のどちらかで、少なくとも 2 つの異なる有効データ値を持つ必要があります。

リンク関数

リンク関数は従属変数の変換を行い、それによりモデルの推定ができます。次の関数を使用することができます。

- アイデンティティ $f(x)=x$ 。従属変数は変換されません。このリンクはどの分布でも使用できます。

- **相補対数ログ**。 $f(x)=\log(-\log(1-x))$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **累積カウチット** $f(x)=\tan(\pi(x-0.5))$ 。応答の各カテゴリーの累積確率に適用されます。これは多項分布にのみ適しています。
- **累積相補対数**。 $f(x)=\ln(-\ln(1-x))$ 。応答の各カテゴリーの累積確率に適用されます。これは多項分布にのみ適しています。
- **累積ロジット**。 $f(x)=\ln(x/(1-x))$ 、回答の各カテゴリーの累積確率に適用。これは多項分布にのみ適しています。
- **負の累積対数**。 $f(x)=-\ln(-\ln(x))$ 。応答の各カテゴリーの累積確率に適用されます。これは多項分布にのみ適しています。
- **累積プロビット**。 $f(x)=\Phi^{-1}(x)$ は、応答の各カテゴリーの累積確率に適用され、 Φ^{-1} は逆標準正規累積分布関数である。これは多項分布にのみ適しています。
- **ログ** $f(x)=\log(x)$ 。このリンクはどの分布でも使用できます。
- **ログの補完**。 $f(x)=\log(1-x)$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **ロジット**。 $f(x)=\log(x/(1-x))$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **負の二項式**。 $f(x)=\log(x/(x+k^{-1}))$ 。 k は負の2項分布の補助パラメーターです。これは負の2項分布にのみ適しています。
- **負の対数**。 $f(x)=-\log(-\log(x))$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **オッズパワー**。 $f(x)=[(x/(1-x))^{\alpha-1}]/\alpha$, if $\alpha \neq 0$. $f(x)=\log(x)$, if $\alpha=0$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **プロビット**。 $f(x)=\Phi^{-1}(x)$ 。 Φ^{-1} は逆標準正規累積分布関数です。これは2項分布にのみ適しています。
- **Power**。 $f(x)=x^{\alpha}$ ($\alpha \neq 0$ の場合)。 $f(x)=\log(x)$ ($\alpha=0$ の場合)。 α には数値を指定する必要があり、その数値は実数である必要があります。このリンクはどの分布でも使用できます。

一般化線型モデルにおける応答

多くの場合、従属変数を簡単に指定できます。ただし、2値のみをとる変数や試行で発生するイベントを記録する応答については、特別な注意が必要です。

- **バイナリーレスポンス**。従属変数が2値のみをとる場合、パラメーター推定値に[参照カテゴリー](#)を指定できます。2値応答変数は数値型または文字列型です。
- **一連の試行で発生したイベントの数**。応答が一連の試行内で発生するイベント数の場合、従属変数にはイベント数が含まれ、試行回数を含む追加の変数を選択できます。ただし、試行回数がすべての被験者間で同じ場合、試行回数は固定値を使用して指定できます。試行回数は各ケースのイベント数以上である必要があります。イベント数は負でない整数、試行回数は正の整数である必要があります。

順序多項モデルの場合、応答のカテゴリー順を、昇順、降順、またはデータ順(データ順は、データで最初に検出された値が最初のカテゴリーを定義し、最後に検出された値が最後のカテゴリーを定義することを意味します)に指定できます。

体重計の重量。スケール・パラメーターは、応答の分散に関連する推定モデル・パラメーターです。スケール重みは観測ごとに異なる「既知」の値です。スケール重み変数が指定されている場合、応答の分散に関するスケール・パラメーターは、観測ごとにその変数で除算されます。0以下または欠損しているスケール重み値があるケースは、分析では使用されません。

一般化線型モデルの参照カテゴリー

2値応答については、従属変数に参照カテゴリーを選択できます。これはパラメーター推定値や保存値などの特定の出力に影響を与えますが、モデル適合度は変更しないでください。例えば、2値応答の値が0と1の場合は次のとおりです。

- デフォルトでは、プロシージャラーは最後の(最大値の)カテゴリー、または参照カテゴリー(1)を作成します。この場合、モデル保存確率は特定のケースが0の値をとる確率を推定し、パラメーター推定値はカテゴリー0の尤度に関連するものとして解釈される必要があります。
- 最初の(最小値の)カテゴリー、または参照カテゴリーとして0を指定する場合、モデル保存確率は特定のケースが1の値をとる確率を推定します。

- ・ カスタムのカテゴリーを指定し、変数に定義済みラベルがある場合、リストから値を選択して参照カテゴリーを設定できます。これは、モデルを指定している途中で、特定の変数がどのようにコード化されたか正確にわからないときに便利です。

一般化線型モデルにおける予測

「予測変数」タブでは、モデル効果の作成やオプションのオフセットの指定に使用する因子や共変量を指定できます。

要因 因子はカテゴリー予測変数です。因子には数値か文字列を指定できます。

共変量。共変量はスケール予測変数です。共変量には数値を指定する必要があります。

注: バイナリー・フォーマットの 2 項応答の場合、プロシージャーは逸脱度、および部分母集団によるカイ 2 乗適合度統計量を計算します。これは選択した因子と共変量の観測値の交差分類に基づいています。部分母集団の数に一貫性を持たせるため、プロシージャーを複数回実行する間は同じ予測値を維持することが必要です。

オフセット: オフセット項は「構造的な」予測値です。係数はモデルの推定対象外ですが、値 1 を持つものとみなされます。したがって、オフセットの値は単純に対象の線型予測値に追加されます。これは特にポワソン回帰モデルで有用です。このモデルでは各ケースには対象のイベントに対して様々なレベルのエクスポージャーがあります。

例えば、個々のドライバーの事故率をモデリングする場合、3 年間で過失責任事故が 1 回のドライバーと、25 年間で過失責任事故が 1 回のドライバーの間には、重要な差があります。ドライバーの経験の自然対数がオフセット項として含められる場合、事故の回数は、対数リンクのあるポワソンまたは負の 2 項応答としてモデル化できます。

分布およびリンク・タイプのその他の組み合わせには、オフセット変数の他の変換が必要です。

一般化線型モデルのオプション

これらのオプションは、「予測変数」タブで指定されたすべての因子に適用されます。

ユーザー欠落値。因子は、分析に含めるケースで有効な値を取る必要があります。これらを制御することで、ユーザーの欠損値を因子変数で有効な値として扱うかどうかを決定できます。

カテゴリの順序 因子の最後のレベルの決定と関係します。これは推定アルゴリズムの冗長パラメーターに関連付けられます。カテゴリー順を変更すると、因子レベル効果の値が変更されます。これらのパラメーター推定値は「最後の」レベルと比較して計算されるためです。因子は最小値から最大値に昇順で、最大値から最小値に降順で、または「データ順」でソートすることができます。つまり、データ内で検出された最初の値が最初のカテゴリーを定義し、検出された最後の固有値が最後のカテゴリーを定義します。

一般化線型モデルにおけるモデル

モデル効果の指定

デフォルトのモデルは切片のみであるため、他のモデル効果は明示的に指定する必要があります。ネスト項目またはネストなし項目を作成することもできます。

ネストなし項目

選択した因子や共変量について、次の項を作成できます。

主効果

選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

交互作用

選択した変数のすべてに、最上位の交互作用項を作成します。

因子

選択した変数で考えられるすべての交互作用および主効果を作成します。

2 次まで

選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

3 次まで

選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

4 次まで

選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

5 次まで

選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

ネスト項目

このプロシージャーでは、モデルにネスト項目を構築できます。ネスト項目は、値が他の因子のレベルと交互作用しない因子または共変量の効果のモデル化に利用できます。例えば、あるスーパー・チェーンが、いくつかの店舗で顧客の消費傾向を調査するとします。各顧客は、それらの店舗のうち 1 つの店舗にのみ頻繁に通うため、「顧客」の効果は「店舗の場所」効果内にネストされているとすることができます。

また、同じ共変量が関係する多項式の項のような交互作用効果を含めたり、ネスト項目に対して複数レベルのネストを追加したりすることができます。

制限: ネスト項目には、次のような制限があります。

- 交互作用内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、A が因子の場合、A*A の指定は無効です。
- ネスト効果内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、A が因子である場合は、A (A) の指定は無効です。
- 共変量内では効果をネストすることはできません。したがって、A が因子であり、X が共変量である場合、A(X) の指定は無効です。

一般化線型モデルにおける推定

パラメータ推定。 このグループのコントロールを使用して、推定方法を指定したり、パラメーター推定値に初期値を指定することができます。

- **方法:** パラメーター推定方法を選択できます。Newton-Raphson 法、Fisher スコア法、または混合型の方法の中から選択します。混合型では、Newton-Raphson 法に切り替えられる前に、Fisher スコア法の反復が実行されます。混合型の方法における Fisher スコア法の段階で、その最大反復回数に到達する前に収束が達成された場合も、Newton-Raphson 法のアルゴリズムは続行されます。
- **スケール・パラメーター法:** スケール・パラメーター推定法を選択できます。最尤法では、スケール・パラメーターとモデル効果を組み合わせて推定します。このオプションは、応答に負の 2 項、ポワソン、または多項分布が含まれている場合は有効ではないことに注意してください。逸脱度と Pearson のカイ 2 乗オプションは、これらの統計の値からスケール・パラメーターを推定します。または、スケール・パラメーターに固定値を指定することもできます。
- **初期値。** このプロシージャーでは、パラメーターに対する初期値が自動的に計算されます。または、パラメーター推定値に初期値を指定することもできます。

共分散行列。 モデルに基づく推定量は、ヘッセ行列の一般化逆行列の負の値です。頑健推定量 (Huber/White/サンドウィッチ推定量とも呼ばれます) は「修正された」モデルに基づく推定量で、分散やリンク関数の指定が不適切な場合でも、精度の高い共分散の推定を行うことができます。

反復回数: The following options are available:

- **最大反復数:** アルゴリズムが実行できる反復の最大回数。負でない整数を指定してください。
- **最大ステップハルピング。** 対数尤度が増加するか、最大段階 2 分に達するまで、反復ごとにステップ・サイズが 0.5 倍に縮小されます。正の整数を指定します。
- **データポイントの分離をチェックする。** これを選択した場合、パラメーター推定値が固有値になるようにアルゴリズムによって検定が行われます。このプロシージャーによって各ケースが正しく分類されるモデルを作成できる場合に、分離が発生します。このオプションは、バイナリー・フォーマットの多項応答および 2 項応答で使用できます。

収束基準。 使用可能なオプションは以下のとおりです。

- **パラメータ収束** これを選択した場合、パラメータ推定値の絶対変化または相対変化が指定した値よりも小さくなる反復が発生した後に、アルゴリズムが停止します。指定する値は正の値である必要があります。
- **対数尤度収束** これを選択した場合、対数尤度関数の絶対変化または相対変化が指定した値よりも小さくなる反復が発生した後に、アルゴリズムが停止します。指定する値は正の値である必要があります。
- **Hessian 収束** 「絶対」を指定した場合、Hessian 収束に基づいた統計が指定された正の値より小さい場合に収束とみなされます。「相対」を指定した場合は、指定した正の値と対数尤度の絶対値の積よりも統計が小さい場合に収束とみなされます。

特異性許容度: 特異行列 (逆行列を持たない行列) には線型従属な列があります。これは推定アルゴリズムに深刻な問題をもたらす可能性があります。特異性に近似する行列でさえ不適切な結果を導く可能性があるため、プロシーチャーは決定要因が許容値より小さい行列を特異性があるものとして処理します。正の値を指定してください。

一般化線型モデルにおける初期値

初期値を指定する場合は、モデル内のすべてのパラメータ (冗長パラメータを含む) に対して初期値を指定する必要があります。データ・セットでは、変数の順序は左から右に、*RowType_*、*VarName_*、*P1*、*P2*、... とする必要があります。*RowType_* と *VarName_* は文字列変数で、*P1*、*P2*、... はパラメータの番号付きリストに対応する数値型変数です。

- 初期値はレコードで変数 *RowType_* に対して値 *EST* が指定されます。実際の初期値は、変数 *P1*、*P2*、... に指定された値になります。プロシーチャーは、*RowType_* に *EST* 以外の値があるすべてのレコードを無視します。また、*RowType_* が *EST* であるレコードが最初に現れた後は、それ以降のレコードも無視されます。
- モデルに含まれている場合は切片を、または応答に多項分布がある場合はしきい値パラメータを、最初の初期値にする必要があります。
- スケール・パラメータおよび負の 2 項パラメータ (応答に負の 2 項分布がある場合) を、最後の初期値に指定する必要があります。
- 分割ファイルが有効な場合、変数はファイル分割変数、または分割ファイルを作成したときに指定した順序の変数で始める必要があります。上記で説明したとおり順番に、*RowType_*、*VarName_*、*P1*、*P2*、... のようになります。分割は指定したデータ・セット内で、元のデータ・セットと同じ順序で行う必要があります。

注: 変数名 *P1*、*P2*、... は必須ではありません。プロシーチャーはパラメータにあらゆる有効な値を受け入れます。パラメータへの変数のマッピングは、変数名ではなく変数の位置に基づいているためです。最後のパラメータよりも後にある変数はすべて無視されます。

初期値のファイル構造は、モデルをデータとしてエクスポートする際に使用するものと同じです。したがって、一回プロシーチャーを実行して取得した最後の値を、それ以降に実行するプロシーチャーの入力として使用することができます。

一般化線型モデルにおける統計

モデル効果. The following options are available:

- **分析タイプ:** 作成する分析のタイプを指定します。タイプ I 分析は、一般的に、何らかの理由に基づいてモデル内の予測変数を順序付ける場合に適しています。これに対し、タイプ III はより一般的に使用できます。Wald または 尤度比統計は、カイ 2 乗統計グループでの選択に基づいて計算されます。
- **信頼区間.** 50 より大きい 100 未満の信頼度レベルを指定します。Wald 区間は、パラメータに漸近正規分布があるという仮定に基づいています。プロファイルの尤度区間はより正確になりますが、計算が効率的ではないことがあります。プロファイル尤度区間に対する許容度は、区間の計算に使用される反復アルゴリズムの停止に使用される基準です。
- **対数尤度関数:** 対数尤度関数の表示形式を制御します。完全な関数には、パラメータ推定値に対して一定の追加の項が含まれます。この項はパラメータ推定に影響を与えることはなく、ソフトウェア製品によっては表示対象から除外されたままになります。

印刷 出力できる内容は以下のとおりです。

- **ケース処理の概要。** 分析対象となるケースおよび分析対象から除外されるケースの数と割合、および「**相関データの集計**」表が表示されます。
- **記述統計。** 記述統計量に加え、従属変数、共変量、および因子に関する要約情報が表示されます。
- **モデル情報:** データ・セット名、従属変数またはイベント変数と試行変数、オフセット変数、スケール重み変数、確率分布、およびリンク関数が表示されます。
- **適合度統計。** 逸脱度とスケール逸脱度、Pearson のカイ 2 乗と尺度付き Pearson カイ 2 乗、対数尤度、赤池情報量基準 (AIC)、有限サンプル修正 AIC (AICC)、ベイズ情報量基準 (BIC)、一致 AIC (CAIC) が表示されます。
- **モデルの要約統計量。** モデル適合度のオムニバス検定に関する尤度比統計量や、効果ごとのタイプ I またはタイプ III の対比に関する統計量を含むモデル適合度検定が表示されます。
- **パラメータ推定値。** パラメータ推定値およびそれに対応する検定統計量と信頼区間が表示されます。オプションで、未調整のパラメータ推定値に加えて、指数化されたパラメータの推定値を表示できます。
- **パラメータ推定値の共分散行列。** 推定パラメータ分散共分散行列が表示されます。
- **パラメータ推定値の相関行列。** 推定パラメータ相関行列が表示されます。
- **コントラスト係数 (L) 行列。** デフォルトの効果の対比係数が表示されます。また、「EM 平均」タブで要求されている場合は、推定周辺平均の対比係数も表示されます。
- **一般的な推定可能関数 対比係数 (L) 行列** を生成するための行列が表示されます。
- **反復の歴史。** パラメータ推定値および対数尤度に関する反復の履歴が表示され、勾配ベクトルおよびヘッセ行列の最終評価が印刷されます。反復の履歴表には、0th 反復 (初期見積もり) で始まるすべての nth 反復のパラメータ推定値が表示されます。ここで、n は、印刷間隔の値です。反復履歴が要求されている場合は、n の値に関係なく、最後の反復が常に表示されます。
- **負の 2 項分布に対する尺度パラメータまたは補助パラメータの Lagrange 乗数検定。** スケール・パラメータの妥当性を評価するための LaGrange 乗数検定統計量が表示されます。正規分布、ガンマ分布、逆ガウス分布、Tweedie 分布の場合、このスケール・パラメータは、最大対数尤度比または Pearson カイ 2 乗を使用して計算されるか、固定値に設定されます。負の 2 項分布の場合は、固定補助パラメータが検定対象となります。

一般化線型モデルにおける EM 平均

このタブでは、因子のレベルおよび因子の交互作用の推定周辺平均を表示できます。また、全体の推定平均の表示を要求することもできます。推定周辺平均は順序多項モデルでは利用できません。

要因と相互作用。 このリストには、「予測変数」タブで指定された因子と「モデル」タブで指定された因子の交互作用が表示されます。共変量はこのリストから除外されます。項はこのリストから直接選択することができます。または「乗算*」ボタンを使用して交互作用の項に結合させることもできます。

表示手段。 選択した因子と因子交互作用に対する推定平均が計算されます。対比によって、推定平均を比較するための仮説検定のセットアップ方法が決まります。単純対比では、比較される他のものに対する参照カテゴリーまたは因子レベルが必要です。

- **ペアごと:** ペアワイズ比較では、指定された因子または暗黙の因子のすべてのレベルでの組み合わせに対して計算が行われます。これは因子交互作用に対して使用できる唯一の対比です。
- 「**シンプル**」。各レベルの平均値を、指定されたレベルの平均値と比較します。この種類の対比は、対照群がある場合に有用です。
- 「**偏差**」。各レベルの因子は全平均と比較されます。全平均の対比は直交ではありません。
- 「**差**」。各レベルの平均値 (最初のレベルは除く) を、前のレベルの平均値と比較します 逆 Helmert 対比と呼ぶこともあります。
- 「**Helmert**」。因子の各レベルの平均値 (最後のレベルは除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。
- 「**繰り返し**」。各レベルの平均値 (最後のレベルは除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。
- 「**多項式**」。1 次効果、2 次効果、3 次効果... を比較します。最初の自由度はすべてのカテゴリーにわたる 1 次効果を含み、2 番目の自由度は 2 次効果を含みます (以下同様)。多くの場合、これらの対比は多項式トレンドの推定に使用します。

規模。 推定周辺平均は、応答に対して計算される場合、従属変数の元のスケールに基づいて行われます。または線型予測値に対して計算される場合は、リンク関数により変換された従属変数に基づいて行われます。

多重比較の調整。 複数の対比で仮説検定を実行すると、全体の有意水準は、含められた対比の有意水準から調整されます。このグループでは、調整方法を選択できます。

- **最小有意差。** この方法では、線型対比のいくつかが帰無仮説の値とは異なるという仮説を拒否する全体的な確率は制御されません。
- **Bonferroni.** この方法では、多重比較を検定するときに、有意確率を調整します。
- **Sequential Bonferroni (逐次 Bonferroni).** 個々の仮説を棄却する点であり保守的ではないが、同じ全体の有意水準を維持する逐次ステップダウン棄却 Bonferroni 手続き。
- **Sidak.** この方法では、Bonferroni の方法より限界が厳しくなります。
- **Sequential Sidak (逐次 Sidak).** 個々の仮説を棄却する点であり保守的ではないが、同じ全体の有意水準を維持する逐次ステップダウン棄却 Sidak 手続き。

一般化線型モデルにおける保存

チェック・マークの付いた項目は指定した名前前で保存されます。その際、新しい変数と同じ名前を持つ既存の変数を上書きするか、名前の競合を避けるために接尾辞を付加して新しい変数名を固有にするかを選択できます。

応答の平均値の予測値

ケースごとのモデル予測値を、元の応答の計量値として保存します。応答分布が2項分布で従属変数が2値変数の場合、このプロシージャーでは予測確率が保存されます。応答分布が多項分布である場合、項目ラベルは「**累積予測確率**」となり、このプロシージャーでは、保存対象として指定されたカテゴリの数まで、応答の各カテゴリ（最後のカテゴリを除く）の累積予測確率を保存します。

応答の平均値に対する信頼区間の下限

応答の平均に対する信頼区間の下限を保存します。応答分布が多項分布の場合、項目ラベルは「**累積予測確率に対する信頼区間の下限**」となり、このプロシージャーでは、保存対象として指定されたカテゴリの数まで、応答の各カテゴリ（最後のカテゴリを除く）の下限を保存します。

応答の平均値に対する信頼区間の上限

応答の平均に対する信頼区間の上限を保存します。応答分布が多項分布の場合、項目ラベルは「**累積予測確率に対する信頼区間の上限**」となり、このプロシージャーでは、保存対象として指定されたカテゴリの数まで、応答の各カテゴリ（最後のカテゴリを除く）の上限を保存します。

予測カテゴリ(D)

2項分布および2値従属変数、または多項分布を含むモデルの場合は、各ケースの予測応答カテゴリが保存されます。このオプションは他の応答分布には使用できません。

線型予測の予測値

ケースごとのモデル予測値を、線型予測（指定したリンク関数で変換された応答）の計量値として保存します。応答分布が多項分布の場合、このプロシージャーでは、保存対象として指定されたカテゴリの数まで、応答の各カテゴリ（最後のカテゴリを除く）の予測値を保存します。

線型予測の予測値に関する推定標準誤差

応答分布が多項分布の場合、このプロシージャーでは、保存対象として指定されたカテゴリの数まで、応答の各カテゴリ（最後のカテゴリを除く）の推定標準誤差を保存します。

次の項目は、応答分布が多項分布の場合は使用できません。

Cook の距離

特定のケースが回帰係数の計算から除外された場合に、すべてのケースの残差がどのくらい変化するかを示す指標。Cook の D が大きいときは、回帰統計量の計算からケースを除外すると係数が大きく変化することを示します。

てこ比の値

回帰の適合度に対する点の影響を測定します。中心化てこ比の範囲は、0（適合性への影響なし）から $(N-1)/N$ までです。

残差

観測した値と、モデルによって予測された値との差。

Pearson 残差

生の残差の符号が付いた、Pearson カイ 2 乗統計量に対するケースの寄与率の平方根。

標準化 Pearson 残差

Pearson 残差に、スケール・パラメーターと「1-ケースのてこ比」の積の逆数の平方根を乗算した値。

最大対数尤度比残差

生の残差の符号が付いた、最大対数尤度比統計量に対するケースの寄与率の平方根。

標準化最大対数尤度比残差

最大対数尤度比残差に、スケール・パラメーターと「1-ケースのてこ比」の積の逆数の平方根を乗算した値。

尤度残差

生の残差の符号が付いた、標準化 Pearson 残差と標準化最大対数尤度比残差の 2 乗の (ケースのてこ比に基づく) 重み付け平均の平方根。

一般化線型モデルにおけるエクスポート

モデルをデータとしてエクスポート パラメーター推定値、標準誤差、有意確率値、および自由度を含むパラメーター相関行列、またはパラメーター分散共分散行列を格納するデータ・セットを、IBM SPSS 統計形式で書き込みます。行列ファイル内の変数の順序は次のようになります。

- **変数の分割。** この変数が使用されると、あらゆる変数が分割を定義します。
- **RowType_.** COV (共分散)、CORR (相関)、EST (パラメータ推定値)、SE (標準誤差)、SIG (有意水準)、DF (サンプリングデザインの自由度)、(および値ラベル) を取ります。各モデル・パラメーターに対する行タイプ COV (または CORR) を持つ別のケースがあり、さらにその他の行タイプごとに別のケースがあります。
- **VarName_.** 値を取る P1, P2, ..., 行タイプ COV または CORR の場合、推定されたすべてのモデルパラメーター (スケールパラメータまたは負の 2 項パラメータを除く) の順序付きリストに対応し、値ラベルはパラメータ推定値の表に示されたパラメータ文字列に対応する。その他の行タイプについてはセルは空白です。
- **P1, P2, ...** これらの変数は、すべてのモデル・パラメーター (必要に応じて、スケールおよび負の 2 項パラメーターを含む) の番号付きリストに対応し、パラメーター推定表に示されているパラメーター・ストリングに対応する変数ラベルを使用して、行の型に従って値を取ります。

冗長パラメーターについては、すべての共分散は 0 に設定され、相関はシステム欠損値に設定されます。つまり、すべてのパラメーター推定値は 0 に設定され、すべての標準誤差、有意水準、残差自由度はシステム欠損値に設定されます。

スケール・パラメーターについては、共分散、相関、有意水準、自由度はシステム欠損値に設定されます。スケール・パラメーターが最尤法で推定される場合は、標準誤差が設定されます。最尤法で推定されない場合は、システム欠損値が設定されます。

負の 2 項パラメーターについては、共分散、相関、有意水準、自由度はシステム欠損値に設定されます。負の 2 項パラメーターが最尤法で推定される場合は、標準誤差が設定されます。最尤法で推定されない場合は、システム欠損値が設定されます。

分割がある場合、パラメーターのリストはすべての分割間で集計される必要があります。分割では、無関係なパラメーターが存在する場合がありますが、これは冗長と同じではありません。無関係なパラメーターについては、すべての共分散または相関、パラメーター推定値、標準誤差、有意水準、自由度はシステム欠損値に設定されます。

この行列ファイルを初期値として使用し、より詳細なモデル推定を行うことができます。このファイルは、行列ファイルを読み込むその他のプロシージャーでさらにモデル分析を行うために、すぐには使用できないことに注意してください。ここにエクスポートされたすべての行タイプをそれらのプロシージャーで承認する必要があります。そのような場合でも、この行列ファイル内のすべてのパラメーターが、ファイルを読み込むプロシージャーに対して同じ意味を持つことに注意する必要があります。

XMLとしてモデルをエクスポート。 選択されている場合は、パラメーター推定値とパラメーター分散共分散行列をXML (PMML) 形式で保存します。このモデル・ファイルを使用して、スコアリングのために他のデータ・ファイルにモデル情報を適用できます。

GENLIN コマンドの追加機能

コマンド シNTAX 言語を使用して、次のことも実行できます。

- 数値のリストでパラメーター推定値の初期値を指定する (CRITERIA サブコマンドを使用)。
- 推定周辺平均の計算時に、共変量を平均値以外の値に固定する (EMMEANS サブコマンドを使用)。
- 推定周辺平均に対するカスタムの多項式の対比を指定する (EMMEANS サブコマンドを使用)。
- 指定した対比タイプを使用して、比較のために表示された推定周辺平均に対する因子のサブセットを指定する (EMMEANS サブコマンドの TABLES および COMPARE キーワードを使用)。

SYNTAX の詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

一般化推定方程式

「一般化推定方程式」プロシージャーでは、反復測定や、クラスター・データなど他の相関のある観測値を分析できるように、一般化線型モデルを拡張します。

例。 公衆衛生当局は、子供に対する大気汚染の影響を研究するために、反復測定のロジスティック回帰に適合するよう、一般化した推定方程式を用いることができる。

一般化推定方程式のデータの考慮事項

データ。 応答には、スケール、度数、2 値、または試行におけるイベントがあります。因子はカテゴリ型と見なされます。共変量、スケール重み付け、およびオフセットはスケールと見なされます。被験者反復測定または被験者内反復測定の定義に使用する変数は、応答の定義に使用することはできませんが、モデル内のその他の役割を果たすことはできます。

前提条件 ケースは、被験者内では従属関係にあり、被験者間では相互に独立していると思なされます。被験者内の従属関係を表す相関行列は、モデルの一部として推定されます。

一般化推定方程式の取得

メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「一般化線型モデル」 > 「一般化推定方程式...」

1. 1 つ以上の被験者変数を選択します (詳細なオプションについては下記参照)。

指定した変数の値の組み合わせにより、データ・セット内の**被験者**を一意的に定義する必要があります。例えば、1 つの病院内の被験者を定義するには 1 つの患者 ID 変数のみで十分ですが、複数の病院間で患者の ID 番号が固有でない場合は、病院 ID と患者 ID の組み合わせが必要になることもあります。反復測定の設定では、被験者ごとに複数の観測値が記録されるため、各被験者がデータ・セット内の複数のケースを占めることがあります。

2. 「モデルの種類」タブで、分布およびリンク関数を指定します。
3. 「応答」タブで、従属変数を選択します。
4. 「予測」タブで、従属変数の予測に使用する因子と共変量を選択します。
5. 「モデル」タブで、選択した因子および共変量を使用してモデル効果を指定します。

オプションとして、「反復」タブで以下を指定できます。

被験者内変数。 被験者内変数の値の組み合わせにより、被験者内の測定順序が定義されます。そのため、被験者内変数および被験者変数の組み合わせにより、各測定が一意的に定義されます。例えば、期間、病院 ID、および患者 ID の組み合わせにより、ケースごとに、特定の病院内の特定の患者に対する特定の外来診療が定義されます。

データ・セットのソートが既に行われているため、各被験者の反復測定がケースの連続するブロックに正しい順序で示される場合は、必ずしも被験者内変数を指定する必要はなく、「**被験者変数および被験者内変**

数に基づいてケースを並べ替え」の選択を解除し、(一時的な)ソートの実行に必要な処理時間を節約することができます。通常は、測定の手順が正しくなるように被験者内変数を利用することをお勧めします。

被験者変数および被験者内変数を応答の定義に使用することはできませんが、これらの変数はモデル内の他の関数を実行することができます。例えば、病院 ID をモデル内の因子として使用することができます。

共分散行列。 モデルに基づく推定量は、ヘッセ行列の一般化逆行列の負の値です。頑健推定量 (Huber/White/サンドウィッチ推定量とも呼ばれます) は「修正された」モデルに基づく推定量で、作業相関行列の指定が不適切な場合でも、精度の高い共分散の推定を行うことができます。ここでの指定内容は、一般化推定方程式の線型モデル部分に含まれるパラメーターに適用されますが、「推定」タブでの指定内容は、最初の一般化線型モデルにのみ適用されます。

作業相関マトリックス。 この相関行列は被験者内の従属関係を表します。この行列のサイズは測定数と、被験者内変数の値の組み合わせによって決まります。構造は次のいずれかを指定できます。

- **無所属。** 反復測定は相関関係を持ちません。
- **AR(1)。** 反復測定は 1 次自己回帰関係を持ちます。任意の 2 つの要素間の相関は、要素が近傍する場合はローに等しく、要素が 3 番目の要素で分離されている場合はロー² となり、以下同様に続きます。 $-1 << 1$ になるように制限されます。
- **交換可能。** この構造では、要素間に均質な相関があります。これは複合対称構造とも呼ばれます。
- **M 依存だ。** 連続する測定間の相関係数は同じであり、1 つ隔たりのある測定ペアの相関係数も同じであり、他の測定と $m-1$ 隔たりのある測定ペアにいたるまで関係は同様です。例えば、3 年生から 7 年生までの生徒に、毎年標準テストを実施するとします。この構造では、3 年生と 4 年生、4 年生と 5 年生、5 年生と 6 年生、6 年生と 7 年生の点数は同じ相関を持つと仮定され、3 年生と 5 年生、4 年生と 6 年生、5 年生と 7 年生は同じ相関を持ち、3 年生と 6 年生、4 年生と 7 年生は同じ相関を持つと仮定されます。 m を超えて離れている測定は、相関がないものと見なされます。この構造を選択する場合は、作業相関行列の次数より小さい m 値を指定してください。
- **構造化されていない。** これは完全に一般的な相関行列です。

このプロシージャーでは、非冗長パラメーターの数による相関推定値の調整がデフォルトで行われます。データにおける被験者レベルでの複製変更に対して推定値を不変にするのであれば、この調整を行わない方が適切な場合があります。

- **最大反復数:** 一般化推定方程式アルゴリズムが実行する最大反復回数です。負でない整数を指定してください。ここでの指定内容は、一般化推定方程式の線型モデル部分に含まれるパラメーターに適用されますが、「推定」タブでの指定内容は、最初の一般化線型モデルにのみ適用されます。
- **更新マトリックス。** 作業中の相関行列の要素は、アルゴリズムが反復されるたびに更新されるパラメーター推定値に基づいて推定されます。作業中の相関行列がまったく更新されない場合は、推定プロセス全体を通して最初の作業中の相関行列が使用されます。この行列が更新される場合は、作業中の相関行列要素の更新の反復回数を指定することができます。1 より大きい値を指定すると、処理時間が短縮されることがあります。

収束基準。 ここでの指定内容は、一般化推定方程式の線型モデル部分に含まれるパラメーターに適用されますが、「推定」タブでの指定内容は、最初の一般化線型モデルにのみ適用されます。

- **パラメータ収束** これを選択した場合、パラメーター推定値の絶対変化または相対変化が指定した値よりも小さくなる反復が発生した後に、アルゴリズムが停止します。指定する値は正の値である必要があります。
- **Hessian 収束** Hessian に基づく統計値が指定した値 (正の値) よりも小さい場合に、収束が想定されます。

一般化推定方程式におけるモデルの種類

「モデルの種類」タブでは、モデルに対して分布およびリンク関数を指定でき、応答の種類によって分類されているいくつかの一般的なモデルに対してショートカットが提供されます。

モデル・タイプ

スケールの反応。The following options are available:

- **線形:** 分布に「正規」、リンク関数に「同一」を指定します。
- **対数リンクを使用するガンマ。** 分布に「ガンマ」、リンク関数に「対数」を指定します。

序列回答。The following options are available:

- 順序ロジスティック。分布に「多項 (順序)」、リンク関数に「累積ロジット」を指定します。
- 順序プロビット。分布に「多項 (順序)」、リンク関数に「累積プロビット」を指定します。

カウントの代表的なコンセプトにすることによります。The following options are available:

- ポアソン対数線形。分布に「ポワソン」、リンク関数に「対数」を指定します。
- 対数リンクを持つ負の二項式。分布に「負の 2 項 (補助パラメーターに 1 の値)」、リンク関数に「対数」を指定します。補助パラメーターの値を推定するプロシージャーにするには、「負の 2 項分布」のカスタム・モデルを指定し、パラメーター・グループで「推定値」を選択します。

バイナリ応答またはイベント/トライアルデータ。The following options are available:

- バイナリーロジスティック。分布に「2 項」、リンク関数に「ロジット」を指定します。
- 2 値プロビット: 分布に「2 項」、リンク関数に「プロビット」を指定します。
- 調査された生存推定値間隔: 分布に「2 項」、リンク関数に「補ログ・マイナス・ログ」を指定します。

ミックス。The following options are available:

- ログリンクのあるツイーディ 分布に「Tweedie」、リンク関数に「対数」を指定します。
- ID リンクのあるツイーディ 分布に「Tweedie」、リンク関数に「同一」を指定します。

カスタム:。独自の分布とリンク関数の組み合わせを指定します。

分布

この選択により、従属変数の分布を指定します。非正規分布と非同一リンク関数を指定する機能は、一般線型モデルから一般化線型モデルに移行する上での重要な改善点です。分布とリンク関数は多くの組み合わせが可能で、その中のいくつかは特定のデータ・セットに適しているため、経験的理論の考察、または最も適合すると考えられる組み合わせから選択を導き出すことができます。

- 二項。この分布はその応答が 2 値応答またはイベント数を表す変数にのみ適しています。
- ガンマ この分布は、正の値が大きくなるほどゆがむ正のスケール値を持つ変数に適しています。データ値が 0 以下または欠損値である場合、対応するケースは分析には使用されません。
- 逆ガウシアン。この分布は、正の値が大きくなるほどゆがむ正のスケール値を持つ変数に適しています。データ値が 0 以下または欠損値である場合、対応するケースは分析には使用されません。
- 負の二項式。この分布は k の成功を観測するために必要な試行回数として考えることができ、負ではない整数値の変数に適しています。データ値が非整数である、0 未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。負の 2 項分布の補助パラメーターの値は、0 以上の数値ですが、パラメーターに固定値を設定し、プロシージャーで推定することも可能です。補助パラメーターが 0 に設定されると、この分布を使用することはポワソン分布を使用することに相当します。
- 正常。これは、値が対称で、中心 (平均) 値に関してベル型の分布であるスケール変数に適しています。従属変数は数値型である必要があります。
- ポアソン この分布は一定期間の対象のイベントの発生回数として考えることができ、負ではない整数値の変数に適しています。データ値が非整数である、0 未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。
- ツイーディ この分布は、ガンマ分布のポワソン混合により表現できる変数に適しています。分布は連続分布 (負ではない実数をとる) および離散分布 (単一の値での正の確率質量、0) のプロパティを組み合わせるという意味から「混合」です。従属変数は数値型で 0 以上のデータ値である必要があります。データ値が 0 未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。Tweedie 分布のパラメーターの固定値は、1 より大きい 2 未満の数値です。
- 多項 この分布は順序型応答を表す変数に適しています。従属変数は数値または文字列のどちらかで、少なくとも 2 つの異なる有効データ値を持つ必要があります。

リンク関数

リンク関数は従属変数の変換を行い、それによりモデルの推定ができます。次の関数を使用することができます。

- アイデンティティ $f(x)=x$ 。従属変数は変換されません。このリンクはどの分布でも使用できます。

- **相補対数ログ**。 $f(x)=\log(-\log(1-x))$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **累積カウチット** $f(x)=\tan(\pi(x-0.5))$ 。応答の各カテゴリーの累積確率に適用されます。これは多項分布にのみ適しています。
- **累積相補対数**。 $f(x)=\ln(-\ln(1-x))$ 。応答の各カテゴリーの累積確率に適用されます。これは多項分布にのみ適しています。
- **累積ロジット**。 $f(x)=\ln(x/(1-x))$ 、回答の各カテゴリーの累積確率に適用。これは多項分布にのみ適しています。
- **負の累積対数**。 $f(x)=-\ln(-\ln(x))$ 。応答の各カテゴリーの累積確率に適用されます。これは多項分布にのみ適しています。
- **累積プロビット**。 $f(x)=\Phi^{-1}(x)$ は、応答の各カテゴリーの累積確率に適用され、 Φ^{-1} は逆標準正規累積分布関数である。これは多項分布にのみ適しています。
- **ログ** $f(x)=\log(x)$ 。このリンクはどの分布でも使用できます。
- **ログの補完**。 $f(x)=\log(1-x)$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **ロジット**。 $f(x)=\log(x/(1-x))$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **負の二項式**。 $f(x)=\log(x/(x+k^{-1}))$ 。 k は負の2項分布の補助パラメーターです。これは負の2項分布にのみ適しています。
- **負の対数**。 $f(x)=-\log(-\log(x))$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **オッズパワー**。 $f(x)=[(x/(1-x))^{\alpha-1}]/\alpha$, if $\alpha \neq 0$. $f(x)=\log(x)$, if $\alpha=0$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **プロビット**。 $f(x)=\Phi^{-1}(x)$ 。 Φ^{-1} は逆標準正規累積分布関数です。これは2項分布にのみ適しています。
- **Power**。 $f(x)=x^{\alpha}$ ($\alpha \neq 0$ の場合)。 $f(x)=\log(x)$ ($\alpha=0$ の場合)。 α には数値を指定する必要があり、その数値は実数である必要があります。このリンクはどの分布でも使用できます。

一般化推定方程式における応答

多くの場合、従属変数を簡単に指定できます。ただし、2値のみをとる変数や試行で発生するイベントを記録する応答については、特別な注意が必要です。

- **バイナリーレスポンス**。従属変数が2値のみをとる場合、パラメーター推定値に参照カテゴリーを指定できます。2値応答変数は数値型または文字列型です。
- **一連の試行で発生したイベントの数**。応答が一連の試行内で発生するイベント数の場合、従属変数にはイベント数が含まれ、試行回数を含む追加の変数を選択できます。ただし、試行回数がすべての被験者間で同じ場合、試行回数は固定値を使用して指定できます。試行回数は各ケースのイベント数以上である必要があります。イベント数は負でない整数、試行回数は正の整数である必要があります。

順序多項モデルの場合、応答のカテゴリー順を、昇順、降順、またはデータ順(データ順は、データで最初に検出された値が最初のカテゴリーを定義し、最後に検出された値が最後のカテゴリーを定義することを意味します)に指定できます。

体重計の重量。スケール・パラメーターは、応答の分散に関連する推定モデル・パラメーターです。スケール重みは観測ごとに異なる「既知」の値です。スケール重み変数が指定されている場合、応答の分散に関するスケール・パラメーターは、観測ごとにその変数で除算されます。0以下または欠損しているスケール重み値があるケースは、分析では使用されません。

一般化推定方程式の参照カテゴリー

2値応答については、従属変数に参照カテゴリーを選択できます。これはパラメーター推定値や保存値などの特定の出力に影響を与えますが、モデル適合度は変更しないでください。例えば、2値応答の値が0と1の場合は次のとおりです。

- デフォルトでは、プロシージャーは最後の(最大値の)カテゴリー、または参照カテゴリー(1)を作成します。この場合、モデル保存確率は特定のケースが0の値をとる確率を推定し、パラメーター推定値はカテゴリー0の尤度に関連するものとして解釈される必要があります。
- 最初の(最小値の)カテゴリー、または参照カテゴリーとして0を指定する場合、モデル保存確率は特定のケースが1の値をとる確率を推定します。

- カスタムのカテゴリーを指定し、変数に定義済みラベルがある場合、リストから値を選択して参照カテゴリーを設定できます。これは、モデルを指定している途中で、特定の変数がどのようにコード化されたか正確にわからないときに便利です。

一般化推定方程式における予測

「予測変数」タブでは、モデル効果の作成やオプションのオフセットの指定に使用する因子や共変量を指定できます。

要因 因子はカテゴリー予測変数です。因子には数値か文字列を指定できます。

共変量。共変量はスケール予測変数です。共変量には数値を指定する必要があります。

注: バイナリー・フォーマットの 2 項応答の場合、プロシージャは逸脱度、および部分母集団によるカイ 2 乗適合度統計量を計算します。これは選択した因子と共変量の観測値の交差分類に基づいています。部分母集団の数に一貫性を持たせるため、プロシージャーを複数回実行する間は同じ予測値を維持することが必要です。

オフセット: オフセット項は「構造的な」予測値です。係数はモデルの推定対象外ですが、値 1 を持つものとみなされます。したがって、オフセットの値は単純に対象の線型予測値に追加されます。これは特にポワソン回帰モデルで有用です。このモデルでは各ケースには対象のイベントに対して様々なレベルのエクスポージャーがあります。

例えば、個々のドライバーの事故率をモデリングする場合、3 年間で過失責任事故が 1 回のドライバーと、25 年間で過失責任事故が 1 回のドライバーの間には、重要な差があります。ドライバーの経験の自然対数がオフセット項として含められる場合、事故の回数は、対数リンクのあるポワソンまたは負の 2 項応答としてモデル化できます。

分布およびリンク・タイプのその他の組み合わせには、オフセット変数の他の変換が必要です。

一般化推定方程式のオプション

これらのオプションは、「予測変数」タブで指定されたすべての因子に適用されます。

ユーザー欠落値。因子は、分析に含めるケースで有効な値を取る必要があります。これらを制御することで、ユーザーの欠損値を因子変数で有効な値として扱うかどうかを決定できます。

カテゴリの順序 因子の最後のレベルの決定と関係します。これは推定アルゴリズムの冗長パラメーターに関連付けられます。カテゴリー順を変更すると、因子レベル効果の値が変更されます。これらのパラメーター推定値は「最後の」レベルと比較して計算されるためです。因子は最小値から最大値に昇順で、最大値から最小値に降順で、または「データ順」でソートすることができます。つまり、データ内で検出された最初の値が最初のカテゴリーを定義し、検出された最後の固有値が最後のカテゴリーを定義します。

一般化推定方程式におけるモデル

モデル効果を指定する。デフォルトのモデルは切片のみであるため、他のモデル効果は明示的に指定する必要があります。ネスト項目またはネストなし項目を作成することもできます。

ネストなし項目

選択した因子や共変量について、次の項を作成できます。

主効果: 選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

交流だ。選択した変数のすべてに、最上位の交互作用項を作成します。

階乗。選択した変数で考えられるすべての交互作用および主効果を作成します。

すべて 2 ウェイ。選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

すべて 3 ウェイ。選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

すべて 4 ウェイ。選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

すべて 5 ウェイ。選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

ネスト項目

このプロシージャーでは、モデルにネスト項目を構築できます。ネスト項目は、値が他の因子のレベルと交互作用しない因子または共変量の効果のモデル化に利用できます。例えば、あるスーパー・チェーンが、いくつかの店舗で顧客の消費傾向を調査するとします。各顧客は、それらの店舗のうち1つの店舗にのみ頻繁に通うため、「顧客」の効果は「店舗の場所」効果内にネストされているとすることができます。

さらに、交互作用効果を含めたり、ネスト項目に対して複数レベルのネストを追加することができます。

制限: ネスト項目には、次のような制限があります。

- 交互作用内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、Aが因子の場合、A*Aの指定は無効です。
- ネスト効果内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、Aが因子である場合は、A(A)の指定は無効です。
- 共変量内では効果をネストすることはできません。したがって、Aが因子であり、Xが共変量である場合、A(X)の指定は無効です。

インターセプト 通常、切片はモデルに含まれます。データが原点を通ると仮定できる場合は、切片を除外できます。

多項順序分布のモデルには単一の切片項はありませんが、その代わりに近傍するカテゴリー間の転移点を定義するしきい値パラメーターがあります。しきい値は常にモデルに含まれます。

一般化推定方程式における推定

パラメータ推定。 このグループのコントロールを使用して、推定方法を指定したり、パラメーター推定値に初期値を指定することができます。

- **方法:** パラメーターの推定方法を選択することができます。Newton-Raphson 法、Fisher スコア法、および Fisher スコア法を何回か反復実行した後 Newton-Raphson 法に切り替える混合型の方法の中からいずれかを選択できます。混合型の方法における Fisher スコア法の段階で、その最大反復回数に到達する前に収束が達成された場合も、Newton-Raphson 法のアルゴリズムは続行されます。
- **スケール・パラメーター法:** スケール・パラメーター推定法を選択できます。

最尤法では、スケール・パラメーターとモデル効果を同時に推定します。このオプションは、応答に負の2項分布、ポワソン分布、または2項分布が含まれている場合は有効ではないことに注意してください。一般化推定方程式には尤度という概念は取り入れられないため、ここでの指定内容は最初の一般化線型モデルにのみ適用されます。その後、このスケール・パラメーター推定値は一般化推定方程式に渡されます。一般化推定方程式では、Pearson カイ 2 乗をその自由度で割った値で、スケール・パラメーターが更新されます。

逸脱オプションおよび Pearson カイ 2 乗オプションでは、最初の一般化線型モデルにおけるこれらの統計値に基づいて、スケール・パラメーターの推定が行われます。このスケール・パラメーター推定値は一般化推定方程式に渡されます。一般化推定方程式では、このスケール・パラメーター推定値が固定値として扱われます。

または、スケール・パラメーターに固定値を指定します。これは、最初の一般化線型モデルおよび一般化推定方程式の推定時に固定値として扱われます。

- **初期値。** このプロシージャーでは、パラメーターに対する初期値が自動的に計算されます。または、パラメーター推定値に初期値を指定することもできます。

このタブで指定された反復および収束基準は、最初の一般化線型モデルにのみ適用できます。一般化推定方程式の当てはめに使用される推定基準については、「反復」タブの記述を参照してください。

反復回数: The following options are available:

- **最大反復数:** アルゴリズムが実行できる反復の最大回数。負でない整数を指定してください。
- **最大ステップハルピング。** 対数尤度が増加するか、最大段階 2 分に達するまで、反復ごとにステップ・サイズが 0.5 倍に縮小されます。正の整数を指定します。
- **データポイントの分離をチェックする。** これを選択した場合、パラメーター推定値が固有値になるようにアルゴリズムによって検定が行われます。このプロシージャーによって各ケースが正しく分類されるモデルを作成できる場合に、分離が発生します。このオプションは、バイナリー・フォーマットの多項応答および 2 項応答で使用できます。

収束基準。 使用可能なオプションは以下のとおりです。

- **パラメータ収束** これを選択した場合、パラメータ推定値の絶対変化または相対変化が指定した値よりも小さくなる反復が発生した後に、アルゴリズムが停止します。指定する値は正の値である必要があります。
- **対数尤度収束** これを選択した場合、対数尤度関数の絶対変化または相対変化が指定した値よりも小さくなる反復が発生した後に、アルゴリズムが停止します。指定する値は正の値である必要があります。
- **Hessian 収束** 「絶対」を指定した場合、Hessian 収束に基づいた統計が指定された正の値より小さい場合に収束とみなされます。「相対」を指定した場合は、指定した正の値と対数尤度の絶対値の積よりも統計が小さい場合に収束とみなされます。

特異性許容度: 特異行列 (逆行列を持たない行列) には線型従属な列があります。これは推定アルゴリズムに深刻な問題をもたらす可能性があります。特異性に近似する行列でさえ不適切な結果を導く可能性があるため、プロシージャーは決定要因が許容値より小さい行列を特異性があるものとして処理します。正の値を指定してください。

一般化推定方程式の初期値

このプロシージャーは、初期の一般化線型モデルを推定します。このモデルの推定値は、一般化推定方程式の線型モデル部分におけるパラメータ推定値の初期値として使用されます。行列の要素はパラメータ推定値に基づいているため、作業中の相関行列に対する初期値は必要ありません。このダイアログ・ボックスで指定される初期値は、「推定」タブの最大反復数を 0 に設定しない限りは、一般化推定方程式ではなく初期の一般化線型モデルの出発点として使用されます。

初期値を指定する場合は、モデル内のすべてのパラメータ (冗長パラメータを含む) に対して初期値を指定する必要があります。データ・セットでは、変数の順序は左から右に、*RowType_*、*VarName_*、*P1*、*P2*、... とする必要があります。*RowType_* と *VarName_* は文字列変数で、*P1*、*P2*、... はパラメータの番号付きリストに対応する数値型変数です。

- 初期値はレコードで変数 *RowType_* に対して値 *EST* が指定されます。実際の初期値は、変数 *P1*、*P2*、... に指定された値になります。プロシージャーは、*RowType_* に *EST* 以外の値があるすべてのレコードを無視します。また、*RowType_* が *EST* であるレコードが最初に現れた後は、それ以降のレコードも無視されます。
- モデルに含まれている場合は切片を、または応答に多項分布がある場合はしきい値パラメータを、最初の初期値にする必要があります。
- スケール・パラメータおよび負の 2 項パラメータ (応答に負の 2 項分布がある場合) を、最後の初期値に指定する必要があります。
- 分割ファイルが有効な場合、変数はファイル分割変数、または分割ファイルを作成したときに指定した順序の変数で始める必要があります。上記で説明したとおり順番に、*RowType_*、*VarName_*、*P1*、*P2*、... のようになります。分割は指定したデータ・セット内で、元のデータ・セットと同じ順序で行う必要があります。

注: 変数名 *P1*、*P2*、... は必須ではありません。プロシージャーはパラメータにあらゆる有効な値を受け入れます。パラメータへの変数のマッピングは、変数名ではなく変数の位置に基づいているためです。最後のパラメータよりも後にある変数はすべて無視されます。

初期値のファイル構造は、モデルをデータとしてエクスポートする際に使用するものと同じです。したがって、一回プロシージャーを実行して取得した最後の値を、それ以降に実行するプロシージャーの入力として使用することができます。

一般化推定方程式における統計

モデル効果。 The following options are available:

- **分析タイプ:** モデル効果を検定するために生成する分析タイプを指定します。タイプ I 分析は、一般的に、何らかの理由に基づいてモデル内の予測変数を順序付ける場合に適しています。これに対し、タイプ III はより一般的に使用できます。Wald または一般化スコア統計量は、カイ 2 乗統計量グループでの選択に基づいて計算されます。

- **信頼区間。** 50 より大きい 100 未満の信頼度レベルを指定します。Wald 区間は常に選択されたカイ 2 乗統計量のタイプにかかわらず生成され、パラメーターに漸近正規分布が適用されるという仮定に基づきます。
- **対数準尤度関数。** 対数疑似尤度関数の表示形式を制御します。完全な関数には、パラメーター推定値に対して一定の追加の項が含まれます。この項はパラメーター推定に影響を与えることはなく、ソフトウェア製品によっては表示対象から除外されたままになります。

印刷: 出力できる内容は以下のとおりです。

- **ケース処理の概要。** 分析対象となるケースおよび分析対象から除外されるケースの数と割合、および「**相関データの集計**」表が表示されます。
- **記述統計。** 記述統計量に加え、従属変数、共変量、および因子に関する要約情報が表示されます。
- **モデル情報:** データ・セット名、従属変数またはイベント変数と試行変数、オフセット変数、スケール重み変数、確率分布、およびリンク関数が表示されます。
- **適合度統計。** モデル選択に対する赤池情報量基準の 2 つの拡張を示します。1 つの独立モデル基準の準尤度 (QIC) で最適な相関構造を選択し、もう 1 つの QIC 基準で予測の最適サブセットを選択します。
- **モデルの要約統計量。** モデル適合度のオムニバス検定に関する尤度比統計量や、効果ごとのタイプ I またはタイプ III の対比に関する統計量を含むモデル適合度検定が表示されます。
- **パラメータ推定値。** パラメーター推定値およびそれに対応する検定統計量と信頼区間が表示されます。オプションで、未調整のパラメーター推定値に加えて、指数化されたパラメーターの推定値を表示できます。
- **パラメータ推定値の共分散行列。** 推定パラメーター分散共分散行列が表示されます。
- **パラメータ推定値の相関行列。** 推定パラメーター相関行列が表示されます。
- **コントラスト係数 (L) 行列。** デフォルトの効果の対比係数が表示されます。また、「EM 平均」タブで要求されている場合は、推定周辺平均の対比係数も表示されます。
- **一般的な推定可能関数。** 対比係数 (L) 行列を生成するための行列が表示されます。
- **反復の歴史。** パラメーター推定値および対数尤度に関する反復の履歴が表示され、勾配ベクトルおよびヘッセ行列の最終評価が印刷されます。反復の履歴表には、0th 反復 (初期見積もり) で始まるすべての n th 反復のパラメーター推定値が表示されます。ここで、 n は、印刷間隔の値です。反復履歴が要求されている場合は、 n の値に関係なく、最後の反復が常に表示されます。
- **作業相関行列。** 被験者内の従属関係を表す行列の値が表示されます。その構造は「**反復**」タブでの指定内容によって異なります。

一般化推定方程式における EM 平均

このタブでは、因子のレベルおよび因子の交互作用の推定周辺平均を表示できます。また、全体の推定平均の表示を要求することもできます。推定周辺平均は順序多項モデルでは利用できません。

要因と相互作用。 このリストには、「**予測変数**」タブで指定された因子と「**モデル**」タブで指定された因子交互作用が表示されます。共変量はこのリストから除外されます。項はこのリストから直接選択することができます。または「**乗算***」ボタンを使用して交互作用の項に結合させることもできます。

表示手段。 選択した因子と因子交互作用に対する推定平均が計算されます。対比によって、推定平均を比較するための仮説検定のセットアップ方法が決まります。単純対比では、比較される他のものに対する参照カテゴリーまたは因子レベルが必要です。

- **ペアごと:** ペアワイズ比較では、指定された因子または暗黙の因子のすべてのレベルでの組み合わせに対して計算が行われます。これは因子交互作用に対して使用できる唯一の対比です。
- 「**シンプル**」: 各レベルの平均値を、指定されたレベルの平均値と比較します。この種類の対比は、対照群がある場合に有用です。
- 「**偏差**」: 各レベルの因子は全平均と比較されます。全平均の対比は直交ではありません。
- 「**差**」: 各レベルの平均値 (最初のレベルは除く) を、前のレベルの平均値と比較します 逆 Helmert 対比と呼ぶこともあります。
- 「**Helmert**」: 因子の各レベルの平均値 (最後のレベルは除く) を、その後のレベルの平均値と比較します。

- ・「繰り返し」。各レベルの平均値(最後のレベルは除く)を、その後のレベルの平均値と比較します。
- ・「多項式」。1次効果、2次効果、3次効果...を比較します。最初の自由度はすべてのカテゴリーにわたる1次効果を含み、2番目の自由度は2次効果を含みます(以下同様)。多くの場合、これらの対比は多項式トレンドの推定に使用します。

規模。 推定周辺平均は、応答に対して計算される場合、従属変数の元のスケールに基づいて行われます。または線型予測値に対して計算される場合は、リンク関数により変換された従属変数に基づいて行われます。

多重比較の調整。 複数の対比で仮説検定を実行すると、全体の有意水準は、含められた対比の有意水準から調整されます。このグループでは、調整方法を選択できます。

- ・ **最小有意差。** この方法では、線型対比のいくつかが帰無仮説の値とは異なるという仮説を拒否する全体的な確率は制御されません。
- ・ **Bonferroni.** この方法では、多重比較を検定するときに、有意確率を調整します。
- ・ **Sequential Bonferroni (逐次 Bonferroni).** 個々の仮説を棄却する点であり保守的ではないが、同じ全体の有意水準を維持する逐次ステップダウン棄却 Bonferroni 手続き。
- ・ **Sidak.** この方法では、Bonferroni の方法より限界が厳しくなります。
- ・ **Sequential Sidak (逐次 Sidak).** 個々の仮説を棄却する点であり保守的ではないが、同じ全体の有意水準を維持する逐次ステップダウン棄却 Sidak 手続き。

一般化推定方程式における保存

チェック・マークの付いた項目は指定した名前前で保存されます。その際、新しい変数と同じ名前を持つ既存の変数を上書きするか、名前の競合を避けるために接尾辞を付加して新しい変数名を固有にするかを選択できます。

- ・ **回答の平均値の予測値。** ケースごとのモデル予測値を、元の応答の計量値として保存します。応答分布が2項分布で従属変数が2値変数の場合、このプロシージャでは予測確率が保存されます。応答分布が多項分布である場合、項目ラベルは「**累積予測確率**」となり、このプロシージャでは、保存対象として指定されたカテゴリーの数まで、応答の各カテゴリー(最後のカテゴリーを除く)の累積予測確率を保存します。
- ・ **回答の平均値の信頼区間の下限。** 応答の平均に対する信頼区間の下限を保存します。応答分布が多項分布の場合、項目ラベルは「**累積予測確率に対する信頼区間の下限**」となり、このプロシージャでは、保存対象として指定されたカテゴリーの数まで、応答の各カテゴリー(最後のカテゴリーを除く)の下限を保存します。
- ・ **回答の平均値の信頼区間の上限。** 応答の平均に対する信頼区間の上限を保存します。応答分布が多項分布の場合、項目ラベルは「**累積予測確率に対する信頼区間の上限**」となり、このプロシージャでは、保存対象として指定されたカテゴリーの数まで、応答の各カテゴリー(最後のカテゴリーを除く)の上限を保存します。
- ・ 「**予測カテゴリー**」。2項分布および2値従属変数、または多項分布を含むモデルの場合は、各ケースの予測応答カテゴリーが保存されます。このオプションは他の応答分布には使用できません。
- ・ **線型予測の予測値。** ケースごとのモデル予測値を、線型予測(指定したリンク関数で変換された応答)の計量値として保存します。応答分布が多項分布の場合、このプロシージャでは、保存対象として指定されたカテゴリーの数まで、応答の各カテゴリー(最後のカテゴリーを除く)の予測値を保存します。
- ・ **線形予測変数の予測値の推定標準誤差。** 応答分布が多項分布の場合、このプロシージャでは、保存対象として指定されたカテゴリーの数まで、応答の各カテゴリー(最後のカテゴリーを除く)の推定標準誤差を保存します。

次の項目は、応答分布が多項分布の場合は使用できません。

- ・ 生の残差. 観測した値と、モデルによって予測された値との差。
- ・ **ピアソン残差。** 生の残差の符号が付いた、Pearson カイ 2 乗統計量に対するケースの寄与率の平方根。

一般化推定方程式におけるエクスポート

モデルをデータとしてエクスポート パラメーター推定値、標準誤差、有意確率値、および自由度を含むパラメーター相関行列、またはパラメーター分散共分散行列を格納するデータ・セットを、IBM SPSS 統計形式で書き込みます。行列ファイル内の変数の順序は次のようになります。

- **変数の分割。** この変数が使用されると、あらゆる変数が分割を定義します。
- **RowType_.** COV (共分散)、CORR (相関)、EST (パラメータ推定値)、SE (標準誤差)、SIG (有意水準)、DF (サンプリングデザインの自由度)、(および値ラベル) を取ります。各モデル・パラメーターに対する行タイプ COV (または CORR) を持つ別のケースがあり、さらにその他の行タイプごとに別のケースがあります。
- **VarName_.** 値を取る P1, P2,..., 行タイプ COV または CORR の場合、推定されたすべてのモデルパラメータ (スケールパラメータまたは負の 2 項パラメータを除く) の順序付きリストに対応し、値ラベルはパラメータ推定値の表に示されたパラメータ文字列に対応する。その他の行タイプについてはセルは空白です。
- **P1, P2, ...** これらの変数は、すべてのモデル・パラメーター (必要に応じて、スケールおよび負の 2 項パラメーターを含む) の番号付きリストに対応し、パラメーター推定表に示されているパラメーター・ストリングに対応する変数ラベルを使用して、行の型に従って値を取ります。

冗長パラメーターについては、すべての共分散は 0 に設定され、相関はシステム欠損値に設定されます。つまり、すべてのパラメーター推定値は 0 に設定され、すべての標準誤差、有意水準、残差自由度はシステム欠損値に設定されます。

スケール・パラメーターについては、共分散、相関、有意水準、自由度はシステム欠損値に設定されません。スケール・パラメーターが最尤法で推定される場合は、標準誤差が設定されます。最尤法で推定されない場合は、システム欠損値が設定されます。

負の 2 項パラメーターについては、共分散、相関、有意水準、自由度はシステム欠損値に設定されます。負の 2 項パラメーターが最尤法で推定される場合は、標準誤差が設定されます。最尤法で推定されない場合は、システム欠損値が設定されます。

分割がある場合、パラメーターのリストはすべての分割間で集計される必要があります。分割では、無関係なパラメーターが存在する場合がありますが、これは冗長と同じではありません。無関係なパラメーターについては、すべての共分散または相関、パラメーター推定値、標準誤差、有意水準、自由度はシステム欠損値に設定されます。

この行列ファイルを初期値として使用し、より詳細なモデル推定を行うことができます。このファイルは、行列ファイルを読み込むその他のプロシージャーでさらにモデル分析を行うために、すぐには使用できないことに注意してください。ここにエクスポートされたすべての行タイプをそれらのプロシージャーで承認する必要があります。そのような場合でも、この行列ファイル内のすべてのパラメーターが、ファイルを読み込むプロシージャーに対して同じ意味を持つことに注意する必要があります。

XML としてモデルをエクスポート。 選択されている場合は、パラメーター推定値とパラメーター分散共分散行列を XML (PMML) 形式で保存します。このモデル・ファイルを使用して、スコアリングのために他のデータ・ファイルにモデル情報を適用できます。

GENLIN コマンドの追加機能

コマンド シンタックス言語を使用して、次のことも実行できます。

- 数値のリストでパラメーター推定値の初期値を指定する (CRITERIA サブコマンドを使用)。
- 固定された作業中の相関行列を指定する (REPEATED サブコマンドを使用)。
- 推定周辺平均の計算時に、共変量を平均値以外の値に固定する (EMMEANS サブコマンドを使用)。
- 推定周辺平均に対するカスタムの多項式の対比を指定する (EMMEANS サブコマンドを使用)。
- 指定した対比タイプを使用して、比較のために表示された推定周辺平均に対する因子のサブセットを指定する (EMMEANS サブコマンドの TABLES および COMPARE キーワードを使用)。

シンタックスの詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

一般化線型混合モデル

一般化線型混合モデルは、線型モデルを次のように拡張します。

- 対象は、指定したリンク関数を介して因子および共変量に線型に相関します。
- 対象は非正規分布を持つことができます。
- 観測は相関している場合があります。

一般化線型混合モデルには、単純な線型回帰から、正規分布していない縦断的データを取り扱う複雑なマルチレベル・モデルまで、さまざまなモデルが含まれます。

例

地区の教育委員会は一般化線型混合モデルを使用して、実験的な教育方法が数学のスコアを向上させるのに効果的であるかどうかを判断できます。同じ教室の生徒は、同じ教師によって教えられるため、相関関係があると考えられます。また、同じ学校内の教室も相関している可能性があります。そのため、学校やクラスのレベルでの乱数効果を考慮して、さまざまな変動要因を考慮することができます。

医学研究者は一般化線型混合モデルを使用して、新しい抗けいれん薬により患者がてんかん性発作を起こす割合をどのくらい減らせるかを割り出すことができます。同じ患者からの反復測定は通常正の相関性があるため、いくつかのランダム効果を含む混合モデルが適しています。対象フィールド(発作の回数)は正の整数値を取るため、ポワソン分布および対数リンクを使用した一般化線型混合モデルが適切な場合があります。

テレビ、電話、およびインターネット・サービスのケーブル・プロバイダーの経営陣は、一般化線型混合モデルを使用して潜在的な顧客についての詳細を把握することができます。ありうる回答は名義型測定レベルを持つため、その会社のアナリストはランダム切片のある一般化ロジット混合モデルを使用して、特定の調査応答者の回答内の、サービス・タイプ全体(テレビ、電話、インターネット)のサービス利用に関する質問への回答間の相関を捕捉できます。

「データ構造」タブでは、観測値が相関するとき、データ・セット内のレコード間の構造的な関係を指定できます。データ・セット内のレコードが独立した観測値を示す場合、このタブでは何も指定する必要はありません。

「効果」オプション

被験者

指定したカテゴリー・フィールドの値を組み合わせることで、データ・セット内の被験者を一意的に定義する必要があります。例えば、1つの病院内の被験者を定義するには1つの患者IDフィールドのみで十分ですが、複数の病院間で患者のID番号が固有でない場合は、病院IDと患者IDの組み合わせが必要になることもあります。反復測定の設定では、各被験者に対して複数の観測値が記録されるため、データ・セット内には被験者ごとに複数のレコードが存在する可能性があります。

被験者は観測用の単位で、他の被験者から独立していると見なされます。例えば医学研究では、ある患者の血圧測定値は、他の患者の測定値からは独立していると見なすことができます。被験者ごとに反復測定を行い、それらの観測値間の相関をモデル化する場合、被験者の定義は特に重要になります。例えば、病院に連続で通院している間のある患者の血圧測定値は相関していることが予想されます。

「変数」ダイアログで「被験者」として指定されているフィールドはすべて、残差共分散構造の被験者を定義するのに使用されます。また、[ランダム効果ブロック](#)上のランダム効果共分散構造の被験者を定義するために可能なフィールドのリストを表示します。

反復測定

ここで指定するフィールドは、反復観測値を特定するために使用されます。例えば、週という1つの変数を使用して、医学研究において10週間の観測値を識別できます。また、月と日を共に使用すると、1年間にわたって毎日の観測値を識別できます。

「共分散」オプション

共分散グループを定義

ここで指定するカテゴリー・フィールドは、反復効果共分散パラメーターの独立したセットを定義します。グループ化フィールドの交差分類により定義される各カテゴリーに対して1つです。すべての被

験者は同じ共分散のタイプを持ちます。つまり、同じ共分散グループ内の被験者は、パラメーターに同じ値を持ちます。

反復測定共分散

残差に対する共分散構造を指定します。選択した「反復測定共分散」に基づいて、さまざまな共分散オプションを使用できます。使用可能な構造は次のとおりです。

- 1次自己回帰 (AR1)
- 直積 AR1 (UN_AR1)
- 直積: 無構造 (UN_UN)
- 直積: 複合シンメトリ (UN_CS)
- 不均質複合対称 (CSH)
- 不均質自己回帰 (ARH1)
- 自己回帰移動平均 (1,1) (ARMA11)
- 複合対称
- 対角
- スケーリングされた単位
- Toeplitz
- 無構造
- 分散成分
- 空間: べき乗
- 空間: 指数
- 空間: ガウス
- 空間: 線形
- 空間: 線型-対数
- 空間: 球形

クロネッカー測定

クロネッカー共分散測定値の被験者の構造を指定する変数を選択し、測定誤差の相関を判別します。このフィールドは、以下の「反復測定共分散」のいずれかが選択されている場合にのみ使用できます。

- 直積 AR1 (UN_AR1)
- 直積: 無構造 (UN_UN)
- 直積: 複合シンメトリ (UN_CS)

空間共分散座標

このリストの変数は、反復共分散タイプとして空間共分散タイプの1つが選択されたときに、反復測定の座標を指定します。

詳しくは、トピック「[91 ページの『共分散構造』](#)」を参照してください。

疑似 R² 数値データ

疑似 R² 指標およびクラス内相関係数は、GLMM 出力に含まれます (該当する場合)。疑似 R² 指標は、完全に最終的な推定値に基づいており、推定が完了した後に作成されます。決定係数 R² は、線型モデルによって説明される分散の比率を表すため、一般的に報告される統計量です。イントラ・クラス相関係数 (ICC) は、マルチレベル/階層データのグループ化 (ランダム) 因子によって説明される分散の比率を定量化する関連統計量です。

一般化線型混合モデルの取得

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「混合モデル」 > 「一般化線型...

1. 「**データ構造**」タブでデータ・セットの被験者の構造を定義します。このタブは、モデル効果および反復共分散タイプの両方を指定するためのオプションを提供します。
2. 「**フィールドと効果**」タブで、1つの対象を指定する必要があります。測定レベル、イベント/試行は任意に指定できますが、イベントおよび試行の指定は連続型である必要があります。オプションとして、分布とリンク関数、固定効果、および任意のランダム効果ブロック、オフセット、または分析の重みを指定します。
3. 「**作成オプション**」をクリックして、オプションの作成設定を指定します。
4. 「**モデル オプション**」をクリックし、アクティブ・データ・セットにスコアを保存し、外部ファイルにモデルをエクスポートします。
5. 「**実行**」をクリックして手続きを実行し、「モデル」オブジェクトを作成します。

対象

これらの設定では、リンク関数を使用して、対象、対象の分布、対象と予測値の関係を定義します。

目標: 対象は必須です。対象は任意の測定レベルを持つことができ、対象の測定レベルはどの分布とリンク関数が適切であるかを制限します。

- **トライアル数を分母に使用:** 対象の応答が一連の試行内で発生するイベント数である場合、対象フィールドにはイベント数が含まれます。また試行回数を含んでいる追加フィールドを選択できます。例えば、新しい農薬を検定する際は、さまざまな濃度の農薬をアリのサンプルに噴霧し、死んだアリの数と各サンプル内のアリの数を記録します。この場合、死んだアリの数を記録するフィールドは対象 (イベント) フィールドとして指定する必要があります。各サンプル内のアリの数を記録するフィールドは、試行フィールドとして指定する必要があります。アリの数が各サンプルに対して同じである場合、試行回数は固定値を使用して指定することができます。

試行回数は、各レコードのイベント数以上である必要があります。イベント数は負でない整数、試行回数は正の整数である必要があります。

- **参照カテゴリをカスタマイズ:** カテゴリー対象に参照カテゴリーを選択できます。これは、パラメーター推定値などの特定の出力に影響を与えますが、モデル適合度は変更しないでください。例えば、対象がデフォルトで0、1、2の値をとる場合、プロシージャーは最後の (最大値の) カテゴリー、すなわち2を参照カテゴリーとします。この場合、パラメーター推定値はカテゴリー2の尤度に相対するカテゴリー0またはカテゴリー1の尤度に関連するものとして解釈される必要があります。カスタムのカテゴリーを指定し、対象に定義済みラベルがある場合、リストから値を選択して参照カテゴリーを設定できます。これは、モデルを指定している途中で、特定のフィールドがどのようにコード化されたか正確にわからないときに便利です。

対象の分布と線型モデルとの関係 (リンク): 予測値の値を指定することで、モデルは指定した形状に従う対象の値の分布、および指定したリンク関数を使用して予測値と線型に関連する対象の値を予測します。いくつかの一般的なモデルへのショートカットが用意されています。または短いリストでは表示されていない、当てはめたい特定の分布やリンク関数の組み合わせがある場合は、「**カスタム**」設定を選択します。

- **線型モデル:** 同一リンクを持つ正規分布を指定します。これは、線型回帰または分散分析モデルを使用して対象が予測される際に有用です。
- **ガンマ回帰:** 対数リンクを持つガンマ分布を指定します。これは、対象にすべての正の値が含まれ、値が大きくなるほどゆがむ場合に使用されます。
- **対数線型:** 対数リンクを持つポワソン分布を指定します。これは、対象が一定期間内の出現回数を表すときに使用されます。
- **負の2項回帰:** 対数リンクを持つ負の2項分布を指定します。これは、対象と分母が k の成功を観測するために必要な試行回数を表すときに使用されます。
- **多項ロジスティック回帰:** 多項分布を指定します。これは対象が複数カテゴリーの応答である場合に使用されます。累積ロジット・リンク (順序結果) または一般化ロジット・リンク (マルチカテゴリー名義型レスポンス) のいずれかを使用します。
- **2項ロジスティック回帰:** ロジット・リンクを持つ2項分布を指定します。これは対象がロジスティック回帰モデルで予測される2値応答である場合に使用されます。

- **2値プロビット:** プロビット・リンクを持つ2項分布を指定します。これは対象が基礎の正規分布を使用した2値応答である場合に使用されます。
- **調査された生存推定値間隔:** 補ログ・マイナス・ログ・リンクを持つ2項分布を指定します。これは終了イベントのない観測がある場合の生存分析で有用です。

分布

この選択により、対象の分布を指定します。非正規分布と非同一リンク関数を指定する機能は、線型混合モデルから一般化線型混合モデルに移行する上での重要な改善点です。分布とリンク関数は多くの組み合わせが可能で、その中のいくつかは特定のデータ・セットに適しているため、経験的理論の考察、または最も適合すると考えられる組み合わせから選択を導き出すことができます。

- **二項式。** この分布はその応答が2値応答またはイベント数である対象にのみ適しています。
- **ガンマ** この分布は、正の値が大きくなるほどゆがむ正のスケール値を持つ対象に適しています。データ値が0以下または欠損値である場合、対応するケースは分析には使用されません。
- **逆ガウシアン。** この分布は、正の値が大きくなるほどゆがむ正のスケール値を持つ対象に適しています。データ値が0以下または欠損値である場合、対応するケースは分析には使用されません。
- **多項。** この分布は、複数カテゴリーの応答を表す対象に適しています。モデルの形式は、対象の測定レベルによって異なります。

名義型対象は、結果的に名義型多項モデルになります。その中では、モデル・パラメーターの別のセットが、対象の各カテゴリー(参照カテゴリー以外)に対して推定されます。特定の予測値に対するパラメーター推定値は、その予測値と参照カテゴリーに相対する対象の各カテゴリーの尤度の関係を示します。

順序型対象は、結果的に順序型多項モデルになります。従来型の切片項は、対象のカテゴリーの累積確率に関連するしきい値パラメーターのセットで置き換えられます。

- **負の二項式。** 負の2項回帰は対数リンクを持つ負の2項分布を使用します。これは対象が顕著な差異がある出現回数を表す際に使用されます。
- **正常。** これは、値が対称で、中心(平均)値に関してベル型の分布である連続型対象に適しています。
- **ポアソン** この分布は一定期間の対象のイベントの発生回数として考えることができ、負ではない整数値の変数に適しています。データ値が非整数である、0未満である、または欠損値の場合、対応するケースは分析には使用されません。

リンク関数

リンク関数は対象を変換するもので、モデルの推定ができるようになります。次の関数を使用することができます。

- **アイデンティティ** $f(x)=x$ 。対象は変換されません。このリンクは多項以外のどの分布でも使用できます。
- **相補対数ログ** $f(x)=\log(-\log(1-x))$ 。これは2項分布または多項分布にのみ適しています。
- **カウチット** $f(x)=\tan(\pi(x-0.5))$ 。これは2項分布または多項分布にのみ適しています。
- **ログ** $f(x)=\log(x)$ 。このリンクは多項以外のどの分布でも使用できます。
- **ログの補完** $f(x)=\log(1-x)$ 。これは2項分布にのみ適しています。
- **ロジット** $f(x)=\log(x/(1-x))$ 。これは2項分布または多項分布にのみ適しています。
- **負の対数** $f(x)=-\log(-\log(x))$ 。これは2項分布または多項分布にのみ適しています。
- **プロビット** $f(x)=\Phi^{-1}(x)$ 。 Φ^{-1} は逆標準正規累積分布関数です。これは2項分布または多項分布にのみ適しています。
- **Power** $f(x)=x^\alpha$ ($\alpha \neq 0$ の場合)。 $f(x)=\log(x)$ ($\alpha=0$ の場合)。 α には数値を指定する必要があり、その数値は実数である必要があります。このリンクは多項以外のどの分布でも使用できます。

固定効果




固定効果因子は一般的に、そのフィールドの対象の値がすべてデータ・セットに表示され、スコアリングに使用できるフィールドとして考えられます。デフォルトでは、ダイアログの他の場所で指定されていない定義済みの入力ロールがあるフィールドは、モデルの固定効果部分に入力されます。カテゴリー(名義、順序)フィールドはモデル内で因子として使用され、連続型フィールドは共変量として使用されます。

1つ以上のフィールドをソース・リストで選択し、効果リストにドラッグしてモデルに効果を入力します。作成される効果のタイプは、選択をドロップするホット・スポットによって異なります。

- **メイン:** ドロップされたフィールドが、別の主効果として効果リストの下部に表示されます。
- **2ウェイ。** ドロップされたフィールドのすべての可能なペアが、2要因の交互作用として効果リストの下部に表示されます。
- **3ウェイ。** ドロップされたフィールドのすべての可能なトリプレットが、3要因の交互作用として効果リストの下部に表示されます。
- ***** すべてのドロップされたフィールドの組み合わせは、効果リストの下部に単一の対話として表示されません。

「効果ビルダー」の右側のボタンを押すと、さまざまなアクションを実行できます。

表 1. 効果ビルダー・ボタンの説明

アイコン	説明
	削除する項目を選択して削除ボタンをクリックすることで、固定効果モデルから項目を削除できます。
	並べ替える項目を選択して上下矢印をクリックすることで、固定効果モデル内の項目を並べ替えることができます。
	「カスタム項目の追加」ボタンをクリックして 49 ページの『カスタム項目の追加』 ダイアログを表示し、モデルにネスト項目を追加します。

定数項を含める。 通常、切片はモデルに含まれます。データが原点を通ると仮定できる場合は、切片を除外できます。

カスタム項目の追加

このプロシージャでは、モデルにネスト項目を構築できます。ネスト項目は、値が他の因子のレベルと交互作用しない因子または共変量の効果のモデル化に利用できます。例えば、あるスーパー・チェーンが、いくつかの店舗で顧客の消費傾向を調査するとします。各顧客は、それらの店舗のうち1つの店舗にのみ頻繁に通うため、「顧客」の効果は「店舗の場所」効果内にネストされているということが可能です。

また、同じ共変量が関係する多項式の項のような交互作用効果を含めたり、ネスト項目に対して複数レベルのネストを追加したりすることができます。

制限: ネスト項目には、次のような制限があります。

- 交互作用内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、 A が因子の場合、 $A*A$ の指定は無効です。
- ネスト効果内のすべての因子は固有である必要があります。したがって、 A が因子である場合は、 $A(A)$ の指定は無効です。
- 共変量内では効果をネストすることはできません。したがって、 A が因子であり、 X が共変量である場合、 $A(X)$ の指定は無効です。

ネスト項目の作成

1. 他の因子内でネストされた因子または共変量を選択し、矢印ボタンをクリックします。
2. 「**内部**」をクリックします。
3. 前の因子または共変量がネストされた中で因子を選択し、矢印ボタンをクリックします。
4. 「**項目を追加**」をクリックします。

オプションで、ネスト項目に交互作用効果を含めたり、複数レベルのネストを追加したりすることができます。

ランダム効果

ランダム効果因子は、データ・ファイル内のフィールド値が、値のより大きな母集団からの無作為サンプルを考慮できるフィールドです。これらは対象の過剰なばらつきを説明するのに有用です。デフォルトでは、「データ構造」タブで複数の被験者を選択した場合、最も内側の被験者以降の被験者ごとにランダム効果ブロックが作成されます。例えば、「データ構造」タブで被験者として「学校」、「クラス」、「生徒」を選択した場合、次のランダム効果ブロックが自動的に作成されます。

- ランダム効果 1: 被験者は学校 (効果なし、切片のみ)
- ランダム効果 2: 被験者は学校 * クラス (効果なし、切片のみ)

次のような方法でランダム効果ブロックを操作できます。

1. 新規ブロックを追加する場合、「**ブロックの追加 ...**」をクリックして「50 ページの『ランダム効果ブロック』」ダイアログが開きます。
2. 既存のブロックを編集する場合、編集するブロックを選択し、「**ブロックの編集 ...**」をクリックします。「50 ページの『ランダム効果ブロック』」ダイアログが開きます。
3. 1つ以上のブロックを削除するには、削除するブロックを選択して「削除」ボタンをクリックします。

ランダム効果ブロック

1つ以上のフィールドをソース・リストで選択し、「**効果ビルダー**」リストに追加してモデルに効果を入力します。

作成される効果のタイプは、選択した「**タイプ**」によって異なります。カテゴリー (名義、順序) フィールドはモデル内で因子として使用され、連続型フィールドは共変量として使用されます。

交互作用

すべてのフィールドの組み合わせが、1つの交互作用として効果リストの下部に表示されます。

主効果

ドロップされたフィールドが、別の主効果として効果リストの下部に表示されます。

2次まで

ドロップされたフィールドのすべての可能なペアが、2要因の交互作用として効果リストの下部に表示されます。

3次まで

ドロップされたフィールドのすべての可能なトリプレットが、3要因の交互作用として効果リストの下部に表示されます。

4次まで

ドロップされたフィールドのすべての可能なトリプレットが、4要因の交互作用として効果リストの下部に表示されます。

5次まで

ドロップされたフィールドのすべての可能なトリプレットが、5要因の交互作用として効果リストの下部に表示されます。

定数項を含める

デフォルトでは、切片はランダム効果モデルに含まれません。データが原点を通ると仮定できる場合は、切片を除外できます。

このブロックのパラメーター予測の表示

指定すると、変数効果のパラメータ推定値が表示されます。

被験者の組み合わせ

「変数」ダイアログで事前設定された被験者の組み合わせから、ランダム効果の被験者を指定できます。例えば、学校、クラス、生徒がこの順番で「変数」ダイアログで被験者として定義されている場合、「被験者の組み合わせ」ドロップダウン・リストには「なし」、「学校」、「学校 * クラス」、および「学校 * クラス * 生徒」がオプションとして表示されます。

ランダム効果共分散タイプ

残差に対する共分散構造を指定します。使用可能な構造は次のとおりです。

- 1次自己回帰 (AR1)

- 自己回帰移動平均 (1,1) (ARMA11)
- 複合対称
- 対角
- スケーリングされた単位
- Toeplitz
- 無構造
- 分散成分

共分散グループを定義

ここで指定するカテゴリー・フィールドは、ランダム効果共分散パラメーターの独立したセットを定義します。グループ化フィールドの交差分類により定義される各カテゴリーに対して1つです。各ランダム効果ブロックに対してグループ化フィールドの異なるセットを指定することができます。すべての被験者は同じ共分散のタイプを持ちます。つまり、同じ共分散グループ内の被験者は、パラメーターに同じ値を持ちます。

重み付けとオフセット

分析の重み付け: スケール・パラメーターは、応答の分散に関連する推定モデル・パラメーターです。分析の重み付けは、観測ごとに異なる「既知」の値です。分析の重み付けフィールドが指定された場合、応答の分散に関するスケール・パラメーターは、各観測に対する分析の重み付け値によって除算されます。値が0以下または欠損値である分析重み付け値のあるレコードは、分析では使用されません。

オフセット: オフセット項は「構造的な」予測値です。係数はモデルの推定対象外ですが、値1を持つものとみなされます。したがって、オフセットの値は単純に対象の線型予測値に追加されます。これは特にポワソン回帰モデルで有用です。このモデルでは各ケースには対象のイベントに対して様々なレベルのエクスポージャーがあります。

例えば、個々のドライバーの事故率をモデリングする場合、3年間で過失責任事故が1回のドライバーと、25年間で過失責任事故が1回のドライバーの間には、重要な差があります。ドライバーの経験の自然対数がオフセット項として含められる場合、事故の回数は、対数リンクのあるポワソンまたは負の2項応答としてモデル化できます。

分布およびリンク・タイプのその他の組み合わせには、オフセット変数の他の変換が必要です。

一般的な作成オプション

これらの選択により、モデルの作成に使用する、より高度な基準が指定されます。

ソート順

これらのコントロールは、「最後の」カテゴリーを決定するために、対象と因子(カテゴリー入力)に対するカテゴリーの順序を決定します。対象のソート順設定は、対象がカテゴリーではない場合、またはカスタムの参照カテゴリーが [47 ページの『対象』](#) 設定で指定されていない場合は無視されます。

停止規則

アルゴリズムが実行する反復の最大回数を指定できます。アルゴリズムは、内部ループと外部ループで構成される2重の反復プロセスを使用します。最大反復回数に指定される値は、両方のループに適用されます。負でない整数を指定してください。デフォルトは100です。

事後推定設定

これらの設定により、表示のためにモデルの出力がどのように計算されるかが決定されます。

信頼度レベル (%)

これはモデル係数の区間推定値の計算に使用される信頼度のレベルです。0より大きく100より小さい値を指定してください。デフォルトは95です。

自由度

有意差検定に対する自由度の計算方法を指定します。標本サイズが十分に大きい場合、データが均衡している場合、またはモデルが単純な共分散タイプ(スケーリングされた単位または対角など)を使用する場合は、「**残差方法**」を選択します。これはデフォルト設定です。標本サイズが小さい場合、データが均衡していない場合、またはモデルが複雑な共分散タイプ(無構造な

ど)を使用する場合は、「**Satterthwaite 近似値**」を選択します。標本サイズが小さく、制限された最尤法 (REML) モデルを使用している場合は、「**Kenward-Roger 近似値**」を選択します。

固定効果および係数の検定

これはパラメーター推定値共分散行列を計算する方法です。モデルの仮定に反していると考えられる場合は、頑強な推定を選択してください。

推定

このモデル構築アルゴリズムでは、内部ループと外部ループで構成される 2 重の反復プロセスを使用します。以下の設定が内部ループに適用されます。

パラメーター収束。

パラメーター推定値の最大絶対変化または最大相対変化が、指定した値 (負以外にする) より小さい場合に収束とみなされます。指定された値が 0 の場合、この基準は使用されません。

対数尤度収束。

対数尤度関数の絶対変化または相対変化が、指定した値 (負以外にする) より小さい場合に収束とみなされます。指定された値が 0 の場合、この基準は使用されません。

Hessian 収束。

「**絶対**」を指定した場合は、Hessian に基づく統計量が、指定した値よりも小さい場合に収束とみなされます。「**相対値**」を指定した場合は、指定した値と対数尤度の絶対値の積よりも統計が小さい場合に収束とみなされます。指定された値が 0 の場合、この基準は使用されません。

Fisher スコア法の最大ステップ数。

負でない整数を指定してください。値 0 を指定すると Newton-Raphson 法を使用します。0 より大きい値を指定すると、反復回数が n に達するまで Fisher スコア法のアルゴリズムを使用します。ここで、 n は指定した整数で、それ以降は Newton-Raphson 法が使用されます。

特異性許容度。

この値は、特異性の検査時に許容度として使用されます。正の値を指定してください。

注: デフォルトでは、許容度が 1E-6 の最大「**絶対**」変化が検査される「**パラメータ収束**」が使用されます。この設定は、バージョン 22 より前のバージョンで取得される結果とは異なる結果を生成する場合があります。バージョン 22 より前のバージョンの結果を再現するには、「**パラメータ収束**」基準に「**相対値**」を使用し、デフォルトの許容値を 1E-6 のままにしてください。

推定平均

このタブでは、因子のレベルおよび因子の交互作用の推定周辺平均を表示できます。推定周辺平均は多項モデルでは利用できません。

条件 全体がカテゴリー・フィールドから構成されている固定効果のモデル項が表示されます。モデルで推定周辺平均を作成する場合は各項を確認してください。

- **コントラストタイプ。** 対比フィールドのレベルに使用する対比のタイプを指定します。「**なし**」を選択すると、対比は作成されません。「**ペアごと**」を選択すると、指定した因子のすべてのレベルの組み合わせに対してペアワイズ比較が作成されます。これは因子交互作用に対して使用できる唯一の対比です。「**偏差**」の対比は因子の各レベルを全平均と比較します。「**単純**」対比は、最後以外の因子の各レベルを最後のレベルと比較します。「**最後の**」レベルは「**作成オプション**」で指定された因子のソート順によって決まります。これらの対比タイプのすべてが直交ではないことに注意してください。
- **コントラスト・フィールド。** 選択した対比タイプを使用して、1つの因子 (比較されるレベル) を指定します。対比タイプに「**なし**」を選択すると、対比フィールドを選択することはできず、選択する必要もありません。

連続フィールド。 連続型フィールドのリストは、連続型フィールドを使用する固定効果の項から抽出されます。推定周辺平均を計算する際、共変量は指定した値に固定されます。平均値を選択するか、カスタムの値を指定してください。

推定平均値を表示する。 対象の元の尺度、あるいはリンク関数変換のどちらに基づいて推定周辺平均を計算するかを指定します。「**元の目標スケール**」は、対象の推定周辺平均を計算します。対象がイベント/試行オプションを使用して指定された場合、イベント数ではなく、イベント/試行比率に対して推定周辺平均

が計算されることに注意してください。「**リンク関数の変換**」は、線型予測値の推定周辺平均を計算します。

を用いて多重比較を調整する。 複数の対比で仮説検定を実行すると、全体の有意水準は、含められた対比の有意水準から調整されます。これにより、調整方法を選択できます。

- **最小有意差。** この方法では、線型対比のいくつかが無帰無仮説の値とは異なるという仮説を拒否する全体的な確率は制御されません。
- **Sequential Bonferroni (逐次 Bonferroni).** 個々の仮説を棄却する点であり保守的ではないが、同じ全体の有意水準を維持する逐次ステップダウン棄却 Bonferroni 手続き。
- **Sequential Sidak (逐次 Sidak).** 個々の仮説を棄却する点であり保守的ではないが、同じ全体の有意水準を維持する逐次ステップダウン棄却 Sidak 手続き。

最小有意差法は、逐次 Sidak 法よりも保守的ではなく、さらに逐次 Bonferroni 法よりも保守的ではありません。つまり、最小有意差法は、逐次 Sidak と少なくとも同数の独立仮説を拒否し、さらに逐次 Bonferroni 法と少なくとも同数の独立仮説を拒否します。

保存

チェックが付けられた項目が、指定された名前前で保存されます。既存のフィールド名と競合する名前になることはできません。

予測値- 対象の予測値を保存します。デフォルトのフィールド名は、*PredictedValue* です。

カテゴリー対象の予測確率- 対象がカテゴリー型の場合、このキーワードは、最初の n カテゴリーの予測確率を、「**保存する最大カテゴリー数**」に指定された値まで保存します。計算された値は順序型対象の累積確率です。デフォルトのルート名は、*PredictedProbability* です。予測カテゴリーの予測確率を保存するには、信頼度を保存します (下記参照)。

信頼区間- 予測値または予測確率に対する信頼区間の上限と下限を保存します。多項以外のすべての分布については、2 つの変数および *_Lower* および *_Upper* がサフィックスとして付けられた *CI* という名前のデフォルト・ルートが作成されます。

多項分布および名義型対象については、従属変数のカテゴリーごとにフィールドが 1 つ作成されます。最初の n カテゴリーから、「**保存する最大カテゴリー数**」に指定された値までの予測確率の上限と下限を保存します。デフォルトのルート名は *CI* で、デフォルトのフィールド名は、*CI_Lower_1*、*CI_Upper_1*、*CI_Lower_2*、*CI_Upper_2* などです。これは対象カテゴリーの順序に対応しています。

多項分布および順序型対象については、最後を除く従属変数カテゴリーごとにフィールドが 1 つ作成されます (詳しくは、51 ページの『[一般的な作成オプション](#)』のトピックを参照してください)。最初の n カテゴリーから、最後を除く「**保存する最大カテゴリー数**」に指定された値までの累積予測確率の上限と下限を保存します。デフォルトのルート名は *CI* で、デフォルトのフィールド名は、*CI_Lower_1*、*CI_Upper_1*、*CI_Lower_2*、*CI_Upper_2* などです。これは対象カテゴリーの順序に対応しています。

Pearson 残差- 各レコードの Pearson 残差を保存します。これは、モデル適合度の事後推定診断に使用できます。デフォルトのフィールド名は、*PearsonResidual* です。

「**信頼性**」- カテゴリー対象の予測値の信頼性を保存します。計算された信頼度は、予測値の確率 (最も高い予測確率)、または最も高い予測確率と 2 番目に高い予測確率との差に基づいています。デフォルトのフィールド名は、*Confidence* です。

エクスポート

モデルのエクスポート: モデルを外部 .zip ファイルに書き出します。このモデル・ファイルを使用して、スコアリングのために他のデータ・ファイルにモデル情報を適用できます。詳しくは、[スコアリング・ウィザード](#) のトピックを参照してください。固有で有効なファイル名を指定します。ファイルの指定が既存ファイルを示す場合、ファイルは上書きされます。

出力のエクスポート

EBLUPS のエクスポート: このセクションは、「フィールド」& 「効果」タブの「変数効果」項目ダイアログで少なくとも 1 つの変数効果ブロックが作成され、そのブロックのパラメーター予測を表示するチェック・ボックスが選択されている場合に有効になります。このようなブロックが複数指定されてい

る場合は、結果を別個のデータ・セットまたはファイルに保存するか、単一のデータ・セットまたはファイルに結合するかを選択できます。

モデル・ビュー

プロシージャーでは、ビューアーでモデル・オブジェクトが作成されます。このオブジェクトをダブルクリックしてアクティブにすると、モデルの双方向ビューが表示されます。

デフォルトでは、「モデルの要約」ビューが表示されます。別のモデル・ビューを表示するには、ビューのサムネイルから選択します。

モデル・オブジェクトに代わる方法として、「オプション」ダイアログの「出力」タブの「出力表示」グループで**ピボットのテーブルとグラフ**を選択することにより、ピボット・テーブルおよびグラフを生成できます（「編集」>「オプション」）。以下のトピックでは、モデル・オブジェクトについて説明します。

モデルの要約

このビューはスナップショットで、モデルとその適合についてまとめた概要です。

テーブル:。テーブルは『[対象の設定](#)』で指定された対象、確率分布、リンク関数を識別します。対象がイベントや試行によって定義されている場合、セルはイベント・フィールドや試行フィールド、または固定の試行回数を表示するために分割されます。また、有限サンプル補正済み赤池情報量基準 (AICC) およびベイズ情報基準 (BIC) が表示されます。

- **アカイケ矯正局、-2 (制限) 対数尤度に基づく混合モデルの選択と比較のための尺度。** 値が小さいほどモデルが良好であることを示します。AICC は小さなサンプルサイズに対して AIC を「修正」します。標本サイズが大きくなるに従い、AICC は AIC に収束します。
- **ベイズ、-2 対数尤度に基づくモデルの選択と比較のための尺度。** 値が小さいほどモデルが良好であることを示します。BIC もパラメータが過多のモデル (例えば、大量の入力がある複雑なモデル) にペナルティを科しますが、AIC よりも厳密にそれを行います。

グラフ。対象がカテゴリーの場合、グラフには最終のモデルの精度が表示されます。これは正確な分類の割合です。

データ構造

このビューでは、指定したデータ構造の要約が表示され、被験者と反復測定が正しく指定されていることを確認できます。最初の被験者の観測情報が各被験者フィールドと反復測定フィールド、および対象に表示されます。さらに、各被験者フィールドと反復測定フィールドのレベルの数が表示されます。

予測と観測

イベント/試行として指定された対象をはじめとする連続型対象について、縦軸が予測値、横軸が観測値を表す分割散布図を表示します。点は 45 度の線上にあるのが理想です。このビューで、モデルによるレコードの予測にとりわけ問題があるかがわかります。

分類

カテゴリー対象については、ヒート・マップの予測値に対する観測値の交差分類、および全体の正解のパーセントが表示されます。

テーブルのスタイル。さまざまな表示スタイルがあり、「**スタイル**」ドロップダウン・リストからアクセスできます。

- **行パーセント。**セルの行パーセント (行合計のパーセントで表現されるセルの度数) が表示されます。これがデフォルトです。
- **セルの度数。**セルのセル度数が表示されます。ヒート・マップの陰影付けは、そのまま行パーセントをベースにします。
- **ヒート・マップ。**セルの値は表示しません。陰影付けのみ表示します。
- **圧縮。**セルの行または列のヘッダー、セルの値を表示しません。この方法は、対象にカテゴリーが多い場合に有用です。

欠損値。対象に欠損値があるレコードがある場合、レコードはすべての有効な行の下の「**欠損値**」行に表示されます。欠損値のあるレコードは、全体の正解のパーセントに寄与しません。

複数の対象。複数のカテゴリ対象がある場合、各対象は別々のテーブルに表示され、「**対象**」ドロップダウン・リストを使用して表示する対象を制御します。

大型テーブル。表示する対象に 100 を超えるカテゴリがある場合、テーブルは表示されません。

固定効果

このビューには、モデルの各固定効果のサイズが表示されます。

スタイル:さまざまな表示スタイルがあり、「**スタイル**」ドロップダウン・リストから選択できます。

- **ダイアグラム。**「固定効果」設定で指定された順番で先頭から最後まで効果がソートされたグラフです。ダイアグラムの接続線は効果有意性に基づいて重み付けが行われ、より有意のある効果 (p -値よりも小さい) は、より太い線幅で表示されます。これがデフォルトです。
- **テーブル:**これは、モデル全体の効果および個別のモデル効果を示す分散分析テーブルです。個々の効果は「固定効果」設定で指定された順番で先頭から最後までソートされます。

有意確率。「有意」スライダーを使用して、ビューで表示する効果を制御します。スライダーの値よりも大きい有意性を持つ効果は表示されません。これでモデルが変更されるわけではありませんが、最も重要な効果に集中することができます。デフォルトの値は 1.00 であるため、有意性に基づいてフィルターされる効果はありません。

固定係数

このビューでは、モデルの各固定係数の値が表示されます。因子(カテゴリ予測値)はモデル内で指標コード化されているため、因子を含む**効果**には、一般的に複数の関連する**係数**があることに注意してください。冗長係数に対応するカテゴリを除く、各カテゴリごとに 1 つです。

スタイル:さまざまな表示スタイルがあり、「**スタイル**」ドロップダウン・リストから選択できます。

- **ダイアグラム。**このグラフでは、最初に切片を表示し、「固定効果」設定で指定された順番で先頭から最後まで効果がソートされます。因子を含む効果内で、係数はデータ値の昇順でソートされます。ダイアグラムの接続線は、係数の有意性を基に色付けと重み付けが行われ、より有意の係数 (p -値よりも小さい) は、より太い線幅で表示されます。これはデフォルトのスタイルです。
- **テーブル:**各モデル係数の値、有意差検定、および信頼区間が表示されます。切片の表示後、「固定効果」設定で指定された順番で先頭から最後まで効果がソートされます。因子を含む効果内で、係数はデータ値の昇順でソートされます。

多項。多項分布が効果にある場合、「**多項**」ドロップダウン・リストを使用して表示する対象カテゴリを制御します。リストの値のソート順は、「**作成オプション**」設定の仕様により決まります。

指数。2 値ロジスティック回帰(2 項分布およびロジット・リンク)、名義ロジスティック回帰(多項分布およびロジット・リンク)、負の 2 項回帰(負の 2 項分布および対数リンク)、対数線型モデル(ポワソン分布および対数リンク)など、特定のモデル・タイプに対する指数係数推定値と信頼区間を表示します。

有意確率。「有意」スライダーを使用して、ビューに表示する係数を制御します。スライダーの値よりも大きい有意確率値を持つ係数は表示されません。これでモデルが変更されるわけではありませんが、最も重要な係数に集中することができます。デフォルトでは値が 1.00 になるため、有意確率に基づいてフィルタリングされる係数はありません。

ランダム効果共分散

このビューには、ランダム効果共分散行列 (**G**) が表示されます。

スタイル:さまざまな表示スタイルがあり、「**スタイル**」ドロップダウン・リストから選択できます。

- **共分散値。**「固定効果」設定で指定された順番で先頭から最後まで効果がソートされた、共分散行列のヒート・マップです。corrgram 内の色は、キーに示されているセルの値に対応します。これがデフォルトです。
- **ユークラム。**共分散行列のヒート・マップです。

・ **圧縮**。これは行と列のヘッダーを除いた共分散行列のヒート・マップです。

ブロック。複数のランダム効果ブロックがある場合は、「ブロック」ドロップダウン・リストから表示するブロックを選択します。

グループ。ランダム効果ブロックにグループ仕様がある場合は、「グループ」ドロップダウン・リストで表示するグループ・レベルを選択します。

多項。多項分布が効果にある場合、「多項」ドロップダウン・リストを使用して表示する対象カテゴリーを制御します。リストの値のソート順は、「作成オプション」設定の仕様により決まります。

共分散パラメーター

このビューには、共分散パラメーター推定値、および残差とランダム効果に関連する統計が表示されます。これらは高度ですが基本的な結果で、共分散構造が適しているかどうかについての情報を示します。

要約表。これは、残差 (**R**) およびランダム効果 (**G**) 共分散行列のパラメーター数、固定効果 (**X**) およびランダム効果 (**Z**) デザイン行列のランク (列数)、データ構造を定義する被験者フィールドにより定義される被験者数に関するクイック・リファレンスです。

共分散パラメーター・テーブル。選択した効果について、推定値、標準誤差、信頼区間が各共分散パラメーターに表示されます。表示されるパラメーター数は、効果に対する共分散構造により異なり、ランダム効果ブロックについては、ブロック内の効果数です。非対角パラメーターが有意でない場合、より簡単な共分散構造を使用することができます。

効果。ランダム効果ブロックがある場合は、「効果」ドロップダウン・リストで表示する残差またはランダム効果ブロックを選択します。残差効果は常に使用可能です。

グループ。残差またはランダム効果ブロックにグループ仕様がある場合は、「グループ」ドロップダウン・リストで表示するグループ・レベルを選択します。

多項。多項分布が効果にある場合、「多項」ドロップダウン・リストを使用して表示する対象カテゴリーを制御します。リストの値のソート順は、「作成オプション」設定の仕様により決まります。

推定平均: 有意効果

これらのグラフは、10の「最も有意な」固定の全因子の効果を表示します。3要因の交互作用から始まり、次に2要因の交互作用、最後に主効果を表示します。横軸が主効果(または交互作用で最初にリストされる効果)の各値、縦軸が対象のモデル推定値を表すグラフが表示されます。交互作用の2番目にリストされる効果の各値に対して別の線が作成され、3要因の交互作用の3番目にリストされる効果の各値に対してはグラフが別途作成されます。その他すべての予測値は定数が保持されます。対象に対する各予測変数の係数の効果が視覚化されるので有用です。予測値が有意でない場合は推定平均は作成されないことに注意してください。

信頼度。これは、「作成オプション」の一部として指定された信頼度レベルを使用して、周辺平均に対する信頼限界の上限と下限を表示します。

推定平均: カスタム効果

これらはユーザーからリクエストのあった固定の全因子の効果のテーブルとグラフです。

スタイル。さまざまな表示スタイルがあり、「スタイル」ドロップダウン・リストから選択できます。

・ **ダイアグラム**。このスタイルは、横軸が主効果(または交互作用で最初にリストされる効果)の各値、縦軸が対象のモデル推定値を表す折れ線グラフを表示します。交互作用の2番目にリストされる効果の値に対して別の線が作成され、3要因の交互作用の3番目にリストされる効果の各値に対しては別のグラフが作成されます。その他すべての予測値は定数が保持されます。

対比が要求された場合、対比フィールドのレベルを比較するための別のグラフが表示されます。交互作用については、対比フィールド以外の各レベルの効果を組み合わせ合わせたグラフが表示されます。**ペアワイズ**対比では、これは間隔ネットワーク図です。つまり、ネットワークのノード間の距離がサンプル間の差に相当する比較テーブルを図で表現したものです。黄色い線は統計的に有意な差分に対応し、黒い線は統計的に有意でない差分に対応します。ネットワークの線上にマウス・ポインタを乗せると、線で接続されたノード間の差の調整済み有意差を示すツールチップが表示されます。

全平均の対比については、縦軸が対象のモデル推定値、横軸が対比フィールドの値を表す棒グラフが表示されます。交互作用については、対比フィールド以外の各レベルの効果を組み合わせたグラフが表示されます。棒は対比フィールドの各レベルと全体の平均との差を示します。これは黒の横線で表示されます。

単純な対比については、縦軸が対象のモデル推定値、横軸が対比フィールドの値を表す棒グラフが表示されます。交互作用については、対比フィールド以外の効果の各レベルを組み合わせたグラフが表示されます。棒は対比フィールドの各レベル(最後のレベル以外)と最後のレベル間の差を示します。これは黒の横線で表示されます。

- **テーブル:** このスタイルは対象のモデル推定値、標準誤差、効果内のフィールドの各レベルの組み合わせに対する信頼区間のテーブルを表示します。その他すべての予測値は定数が保持されます。

対比が要求された場合、推定、標準誤差、有意差検定、各対比に対する信頼区間が別のテーブルに表示されます。交互作用については、対比フィールド以外の各レベルの効果の組み合わせに対する行セットが別途表示されます。さらに、全体の検定結果のテーブルが表示されます。交互作用については、対比フィールド以外の各レベルの効果の組み合わせに対する全体の検定が別途行われます。

信頼度。 これは、「作成オプション」の一部として指定された信頼度レベルを使用して、周辺平均に対する信頼限界の上限と下限の表示を切り替えます。

レイアウト。 これは、ペアワイズ対比ダイアグラムのレイアウトを切り替えます。円レイアウトはネットワーク・レイアウトよりも対比の表示は少ないですが、線の重なり合いを回避できます。

対数線型分析のモデル選択

「モデル選択対数線型分析」プロシージャでは、多重クロス集計表(分割表)を分析します。反復比例当てはめアルゴリズムを使用して、階層対数線型モデルを多次元クロス集計表に当てはめます。このプロシージャは、関連するカテゴリー変数を見つける際に役立ちます。モデルを作成する場合は、強制投入法と変数減少法を使用できます。飽和モデルの場合は、パラメーター推定値と偏連関の検定を要求できます。飽和モデルは、すべてのセルに 0.5 を加えます。

例。 2つの洗濯用洗剤のうちの1つに対するユーザーの好みについての調査で、研究者は各グループ内の人数を数え、軟水度(軟、中、硬)、いずれかのブランドの使用経験の有無、洗濯温度(低温または高温)などのさまざまなカテゴリーを組み合わせました。これにより、温度が軟水度だけでなく、ブランドの好みとどのような関係があるかがわかりました。

統計。 度数、残差、パラメーター推定値、標準誤差、信頼区間、および偏連関の検定。カスタム・モデルの場合は、残差プロットと正規確率プロット。

モデル選択対数線型分析のデータの考慮事項

データ。 因子変数はカテゴリー型です。分析対象となる変数はすべて数値型である必要があります。カテゴリー型の文字列変数は、モデル選択分析を開始する前に、数値変数に再度割り当てることができます。

レベル数の多い変数を多数指定することは避けてください。そのような指定を行うと、多数のセルで観測数が少数になり、カイ 2 乗値が役に立たなくなることがあります。

関連手続き 「モデル選択」プロシージャは、モデルに必要な項を識別する際に役立ちます。その後、一般対数線型分析またはロジット対数線型分析を使用して、モデルの評価を続行できます。自動再割り当てを使用すれば、文字列変数を再度割り当てることができます。数値変数のカテゴリーが空白の場合は、再割り当てを使用して、連続した整数値を作成します。

モデル選択対数線型分析の取得

メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「対数線型」 > 「モデルの選択...」

1. 2つ以上の数値カテゴリー因子を選択します。
2. 「因子」リストで1つ以上の因子変数を選択して、「**範囲の定義**」をクリックします。
3. 因子変数ごとに値の範囲を定義します。
4. 「モデルの作成」グループでオプションを選択します。

オプションとして、セルの重み付け変数を選択して、構造 0 を指定できます。

対数線型分析の範囲の定義

各因子変数のカテゴリ範囲を示す必要があります。最小値と最大値は、因子変数の最低カテゴリと最高カテゴリに対応します。両方の値は整数でなければならず、最小値は最大値より小さくなければなりません。範囲外の値を持つケースは除外されます。例えば、最小値に 1 を指定し、最大値に 3 を指定した場合は、1、2、および 3 の値のみが使用されます。この処理を因子変数ごとに繰り返します。

対数線型分析のモデル

「**モデルの指定**」。飽和モデルには因子の主効果と因子間の交互作用のすべてが含まれます。不飽和モデルの生成クラスを指定するには、「**カスタム**」を選択します。

クラスを生成する。生成クラスは因子が表示される最高次の項のリストです。階層モデルには、生成クラスを定義する項とそれより低次の関係のすべてが含まれます。「**因子**」リストで変数 A、B、および C を選択し、「**項の構築**」ドロップダウン・リストから「**交互作用**」を選択します。結果モデルは、指定された三元交互作用 $A*B*C$ 、二元相互作用 $A*B$ 、 $A*C$ 、および $B*C$ 、ならびに A、B、および C の主効果を含みます。生成クラスで下位の相関を指定しないでください。

選択した因子について、次の項目を選択できます。

交互作用

選択したすべての変数について、最高水準の交互作用項が作成されます。これがデフォルトです。

主効果

選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

2 次まで

選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

3 次まで

選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

4 次まで

選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

5 次まで

選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

項目およびカスタム項目の構築

項目の構築

因子と共変量の選択したセットのすべて組み合わせについて特定のタイプ(主効果など)のネストなし項を含めるときは、この選択項目を使用します。

カスタム項目の構築

入れ子項目を含めるとき、または変数別に明示的に項を構築するとき、この選択項目を使用します。入れ子項目の構築には、次の手順が含まれます。

モデル選択対数線型分析のオプション

表示: 「**度数**」または「**残差**」、あるいはその両方を選択できます。飽和モデルでは、観測度数と期待度数は同じであり、残差は 0 になります。

プロット カスタム・モデルの場合は、「**残差**」または「**正規確率**」、あるいはその両方のタイプのプロットを選択できます。これは、モデルとデータとの適合度の判別に役立ちます。

飽和モデルの表示。飽和モデルの場合は、「**パラメータ推定値**」を選択できます。パラメータ推定値は、モデルから除外できる項の判別に役立つ場合があります。偏関連の検定をリストする関連表も使用できます。多数の因子を含む表では、このオプションを選択すると計算により多くの時間がかかります。

モデルの基準。反復比例当てはめアルゴリズムを使用して、パラメータ推定値を取得します。「**最大反復回数**」、「**収束基準**」、または「**デルタ**」(飽和モデルのセル度数のすべてに加える値)を指定すれば、1 つ以上の推定基準をオーバーライドできます。

HILOGLINEAR コマンドの追加機能

コマンド シNTAX スタックス言語を使用して、次のことも実行できます。

- 行列形式でセルの重みを指定する (CWEIGHT サブコマンドを使用)。
- 単一コマンドでの数モデルの分析の生成 (DESIGN サブコマンドを使用)。

シNTAX スタックスの詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

一般対数線型分析

「一般対数線型分析」プロシージャーでは、クロス集計表または分割表の各交差分類カテゴリーに分類される観測値の度数を分析します。表の各交差分類はセルを構成し、各カテゴリー変数は因子と呼ばれます。従属変数は、クロス集計表のセルに含まれるケースの数 (度数) であり、説明変数は因子と共変量です。このプロシージャーでは、Newton-Raphson 法を使用して、階層および非階層の対数線型モデルの最尤パラメーターを推定します。ポワソン分布または多項分布を分析できます。

表のセルを定義する場合は、最大 10 個の因子を選択できます。セル構造変数を使用することで、不完全な表に構造 0 を定義したり、モデルにオフセット項を含めたり、対数比モデルを当てはめたり、あるいは周辺表の調整方法を実装できます。対比変数を使用すれば、一般化対数オッズ比 (GLOR) を計算できます。

モデル情報と適合度統計量は自動的に表示されます。また、さまざまな統計や作図を表示したり、アクティブなデータ・セットに残差や予測値を保存したりすることもできます。

例。 フロリダの自動車事故報告からのデータを使用して、シートベルトの着用と負傷の程度 (致命的か致命的でないか) との関係性を判別します。オッズ比により、関係の有効な証拠が示されます。

統計。 観測度数と期待度数; 未調整、調整済み、および最大対数尤度比残差; 計画行列; パラメーター推定値; オッズ比; 対数オッズ比; GLOR; Wald 統計量; および信頼区間。作図: 調整済み残差、最大対数尤度比残差、および正規確率。

一般対数線型分析のデータの考慮事項

データ。 因子はカテゴリー型で、セル共変量は連続型です。モデル内に共変量がある場合、セル内のケースの共変量の平均値がそのセルに適用されます。対比変数は連続型です。これらは一般化対数オッズ比を計算する際に使用されます。対比変数の値は、期待セル度数の対数の線型結合に対する係数です。

セル構造変数は重みを割り当てます。例えば、一部のセルが構造ゼロである場合、セル構造変数の値は 0 または 1 のいずれかです。集合データを重み付けするためにセル構造変数を使用しないでください。代わりに、「データ」メニューから「ケースの重み付け」を選択してください。

前提条件 「一般対数線型分析」では、ポワソンと多項という 2 つの分布を使用できます。

ポワソン分布では、次のように仮定します。

- 研究前に合計サンプル・サイズが固定されません。すなわち分析は合計サンプル・サイズを条件としません。
- セルに存在する観測イベントは、他のセルのセル度数から統計的に独立しています。

多項分布では、次のように仮定します。

- 合計サンプル・サイズが固定されます。すなわち分析は合計サンプル・サイズを条件とします。
- セル度数は統計的に独立していません。

関連手続き クロス集計を調べる場合は「クロス集計表」プロシージャーを使用します。1 つ以上のカテゴリー変数を応答変数と見なし、その他の変数を説明変数と見なすのが自然な場合は、「ロジット対数線型」プロシージャーを使用します。

一般対数線型分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「対数線型」 > 「一般...」

2. 「一般対数線型分析」ダイアログ・ボックスで、最大 10 個の因子変数を選択します。

オプションとして、以下を行うことができます。

- セル共変量を選択する。
- セル構造変数を選択して、構造 0 を定義するか、オフセット項を含める。
- 対比変数を選択する。

一般対数線型分析のモデル

「**モデルの指定**」。飽和モデルには、因子変数に関連する主効果と交互作用がすべて含まれます。共変量の項は含まれていません。交互作用のサブセットのみを指定する場合や、因子と共変量の交互作用を指定する場合は、「**カスタム**」を選択します。

因子 & 共変量。因子と共変量がリストされます。

モデルの用語。モデルは、使用するデータの性質によって異なります。「**ユーザーの指定**」を選択すると、分析対象の主効果と交互作用を選択できるようになります。モデルに含めるすべての項を指定する必要があります。

選択した因子や共変量について、次の項を作成できます。

交互作用

選択したすべての変数について、最高水準の交互作用項が作成されます。これがデフォルトです。

主効果

選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

2次まで

選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

3次まで

選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

4次まで

選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

5次まで

選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

項目およびカスタム項目の構築

項目の構築

因子と共変量の選択したセットのすべて組み合わせについて特定のタイプ(主効果など)のネストなし項を含めるときは、この選択項目を使用します。

カスタム項目の構築

入れ子項目を含めるとき、または変数別に明示的に項を構築するときは、この選択項目を使用します。入れ子項目の構築には、次の手順が含まれます。

一般対数線型分析のオプション

「一般対数線型分析」プロシージャでは、モデル情報と適合度統計量が表示されます。さらに、次の中から 1 つ以上を選択できます。

表示: 観測セル度数と期待セル度数(未調整、調整済み、および最大対数尤度比残差)、モデルの計画行列、モデルのパラメータ推定値など、いくつかの統計量を表示できます。

プロット カスタム・モデルにのみ使用可能な作図には、2 つの散布図行列(観測セル度数および期待セル度数に対する調整済み残差または最大対数尤度比残差)が含まれます。調整済み残差または最大対数尤度比残差の正規確率および傾向化除去正規プロットを表示することもできます。

信頼区間: パラメータ推定値の信頼区間を調整することができます。

「**基準**」。最尤パラメータ推定値を取得するために Newton-Raphson 法が使用されます。反復の最大数、収束基準、およびデルタ(初期近似のためにすべてのセルに加算される定数)の新値を入力できます。デルタは飽和モデルのセルに残ります。

一般対数線型分析の保存

アクティブなデータ・セットに新規変数として保存する値を選択します。新しい変数名の接尾辞 n を 1 ずつ増やして、保存された変数ごとに固有名を作成します。

集計データ (分割表のセル) がデータ・エディターで個々の観測値に記録されている場合でも、保存値はそのデータを参照します。非集計データの残差や予測値を保存すると、データ・エディターで分割表のセルの保存値がそのセルのケースごとに入力されます。保存値を理解するには、データを集計してセル度数を取得する必要があります。

保存できる残差のタイプは、未調整、標準化、調整済み、最大対数尤度比の 4 つです。予測値を保存することもできます。

- 残差. 単純残差や未調整残差とも呼びます。観測したセル度数と期待度数の差です。
- 標準化残差. 残差を標準誤差の推定値で割った値。標準化残差は Pearson 残差とも呼びます。
- 調整済み残差. 標準化残差を推定標準誤差で割った値。選択したモデルが正しいときには調整済み残差が漸近的に標準正規分布になるので、正規性をチェックする目的では標準化残差よりも効果的です。
- デビアンズ残差. 尤度比カイ 2 乗統計 (G^2 乗) に対する個々の寄与の符号付き平方根。ここで、符号は残差の符号 (観測度数から期待度数を引いたもの) です。最大対数尤度比残差は漸近標準正規分布になります。

GENLOG コマンドの追加機能

コマンド シンタックス言語を使用して、次のことも実行できます。

- 観測対象のセル度数と期待されるセル度数の線型結合の計算、および残差、標準化残差、その組み合わせの調整済み残差の出力 (GERESID サブコマンドを使用)。
- 冗長検査のためのデフォルトしきい値の変更 (CRITERIA サブコマンドを使用)。
- 標準化残差の表示 (PRINT サブコマンドを使用)。

シンタックスの詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

ロジット対数線型分析

「ロジット対数線型分析」プロシージャーでは、従属 (または応答) 変数と独立 (または説明) 変数との間の関係を分析します。従属変数は常にカテゴリー型ですが、独立変数はカテゴリー型 (因子) にすることができます。その他の独立変数 (セル共変量) は連続型にすることができますが、これらはケースごとには適用されません。セルに対する共変量の加重平均はそのセルに適用されます。従属変数のオッズ対数は、パラメーターの線型結合として表されます。多項分布は自動的に仮定されるため、これらのモデルは多項ロジット・モデルと呼ばれることもあります。このプロシージャーでは、Newton-Raphson アルゴリズムを使用してロジット対数線型モデルのパラメーターを推定します。

従属変数と因子変数は 1 から 10 までの組み合わせから選択できます。セル構造変数を使用することで、不完全な表に構造 0 を定義したり、モデルにオフセット項を含めたり、対数比モデルを当てはめたり、あるいは周辺表の調整方法を実装できます。対比変数を使用すれば、一般化対数オッズ比 (GLOR) を計算できます。対比変数の値は、期待セル度数の対数の線型結合に対する係数です。

モデル情報と適合度統計量は自動的に表示されます。また、さまざまな統計や作図を表示したり、アクティブなデータ・セットに残差や予測値を保存したりすることもできます。

例。 フロリダで 219 匹のワニを対象とした研究が行われたとします。そのサイズや生息地である 4 つの湖によって、ワニの食料の種類がどう変化するのでしょうか。この研究から、小型のワニは魚類よりは虫類を好むというオッズが大型のワニの場合より 0.7 倍低いことと、魚類ではなく主には虫類を選択するというオッズが湖 3 で最高であることがわかりました。

統計。 観測度数と期待度数; 未調整、調整済み、および最大対数尤度比残差; 計画行列; パラメーター推定値; 一般化対数オッズ比; Wald 統計量; および信頼区間。作図: 調整済み残差、最大対数尤度比残差、および正規確率プロット。

ロジット対数線型分析のデータの考慮事項

データ。 従属変数はカテゴリー型です。因子はカテゴリー型です。セルの共変量を連続型にすることはできますが、共変量がモデルに含まれている場合は、セル内のケースの共変量の平均値がそのセルに適用されます。対比変数は連続型です。これらは一般化対数オッズ比 (GLOR) の計算に使用されます。対比変数の値は、期待セル度数の対数の線型結合に対する係数です。

セル構造変数は重みを割り当てます。例えば、一部のセルが構造ゼロである場合、セル構造変数の値は 0 または 1 のいずれかです。集合データを重み付けするためにセル構造変数を使用しないでください。代わりに、「データ」メニューの「ケースの重み付け」を使用してください。

前提条件 説明変数のカテゴリーの各組み合わせ内の度数は、多項分布すると仮定します。多項分布では、次のように仮定します。

- 合計サンプル・サイズが固定されます。すなわち分析は合計サンプル・サイズを条件とします。
- セル度数は統計的に独立していません。

関連手続き 分割表を表示する場合は「クロス集計表」プロシージャーを使用します。観測度数と一連の説明変数との間の関係を分析する場合は、「一般対数線型分析」プロシージャーを使用します。

ロジット対数線型分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「対数線型」 > 「ロジット...」

2. 「ロジット対数線型分析」ダイアログ・ボックスで、1 つ以上の従属変数を選択します。
3. 1 つ以上の因子変数を選択します。

従属変数と因子変数の総数は 10 以下にする必要があります。

オプションとして、以下を行うことができます。

- セル共変量を選択する。
- セル構造変数を選択して、構造 0 を定義するか、オフセット項を含める。
- 1 つ以上の対比変数を選択する。

ロジット対数線型分析のモデル

「**モデルの指定**」。飽和モデルには、因子変数に関連する主効果と交互作用がすべて含まれます。共変量の項は含まれていません。交互作用のサブセットのみを指定する場合や、因子と共変量の交互作用を指定する場合は、「**カスタム**」を選択します。

因子 & 共変量。 因子と共変量がリストされます。

モデルの用語。 モデルは、使用するデータの性質によって異なります。「**ユーザーの指定**」を選択すると、分析対象の主効果と交互作用を選択できるようになります。モデルに含めるすべての項を指定する必要があります。

選択した因子や共変量について、次の項を作成できます。

交互作用

選択したすべての変数について、最高水準の交互作用項が作成されます。これがデフォルトです。

主効果

選択した変数ごとに主効果の項目を作成します。

2 次まで

選択した変数で考えられる 2 要因の交互作用がすべて作成されます。

3 次まで

選択した変数で考えられる 3 要因の交互作用がすべて作成されます。

4 次まで

選択した変数で考えられる 4 要因の交互作用がすべて作成されます。

5 次まで

選択した変数で考えられる 5 要因の交互作用がすべて作成されます。

項は、従属項に可能なすべての組み合わせを使用し、モデル・リストの各項にそれぞれの組み合わせを一致させて計画に追加します。「**従属変数に対して定数項を含む**」を選択した場合は、モデル・リストに単位項 (1) も追加されます。

例えば、変数 $D1$ と $D2$ が従属変数であるとします。従属項リストは「ロジット対数線型分析」プロシージャで作成されます ($D1$ 、 $D2$ 、 $D1*D2$)。「モデルに含まれる項」リストに $M1$ と $M2$ が含まれ、さらに定数が含まれている場合は、モデル・リストに 1、 $M1$ 、および $M2$ が含まれます。結果として得られる計画には、次のように、各モデル項と各従属項の組み合わせが含まれます。

$D1$, $D2$, $D1*D2$

$M1*D1$, $M1*D2$, $M1*D1*D2$

$M2*D1$, $M2*D2$, $M2*D1*D2$

従属定数を含める。カスタム・モデルに従属変数の定数を含めます。

項目およびカスタム項目の構築

項目の構築

因子と共変量の選択したセットのすべて組み合わせについて特定のタイプ (主効果など) のネストなし項を含めるときは、この選択項目を使用します。

カスタム項目の構築

入れ子項目を含めるとき、または変数別に明示的に項を構築するとき、この選択項目を使用します。入れ子項目の構築には、次の手順が含まれます。

ロジット対数線型分析のオプション

「ロジット対数線型分析」プロシージャでは、モデル情報と適合度統計量が表示されます。さらに、次のオプションから 1 つ以上を選択できます。

表示: 観測セル度数と期待セル度数、生の残差、調整済み残差、最大対数尤度比残差、モデルの計画行列、モデルのパラメータ推定値など、統計量をいくつか表示できます。

プロット カスタム・モデルに使用可能な作図には、2 つの散布図行列 (観測セル度数および期待セル度数に対する調整済み残差または最大対数尤度比残差) が含まれます。調整済み残差または最大対数尤度比残差の正規確率および傾向化除去正規プロットを表示することもできます。

信頼区間: パラメータ推定値の信頼区間を調整することができます。

「**基準**」。最尤パラメータ推定値を取得するために Newton-Raphson 法が使用されます。反復の最大数、収束基準、およびデルタ (初期近似のためにすべてのセルに加算される定数) の新値を入力できます。デルタは飽和モデルのセルに残ります。

ロジット対数線型分析の保存

アクティブなデータ・セットに新規変数として保存する値を選択します。新しい変数名の接尾辞 n を 1 ずつ増やして、保存された変数ごとに固有名を作成します。

集計データ (分割表のセル) がデータ・エディターで個々の観測値ごとに記録されている場合でも、保存値はそのデータを参照します。非集計データの残差や予測値を保存すると、データ・エディターで分割表のセルの保存値がそのセルのケースごとに入力されます。保存値を理解するには、データを集計してセル度数を取得する必要があります。

保存できる残差のタイプは、未調整、標準化、調整済み、最大対数尤度比の 4 つです。予測値を保存することもできます。

- 残差. 単純残差や未調整残差とも呼びます。観測したセル度数と期待度数の差です。
- 標準化残差. 残差を標準誤差の推定値で割った値。標準化残差は Pearson 残差とも呼びます。
- 調整済み残差. 標準化残差を推定標準誤差で割った値。選択したモデルが正しいときには調整済み残差が漸近的に標準正規分布になるので、正規性をチェックする目的では標準化残差よりも効果的です。

- デビアンズ残差. 尤度比カイ 2 乗統計 (G 2 乗) に対する個々の寄与の符号付き平方根。ここで、符号は残差の符号 (観測度数から期待度数を引いたもの) です。最大対数尤度比残差は漸近標準正規分布になります。

GENLOG コマンドの追加機能

コマンド シンタックス言語を使用して、次のことも実行できます。

- 観測セル度数と期待セル度数の線型結合の計算、およびその結合の残差、標準化残差、調整済み残差の印刷 (GERESID サブコマンドを使用)。
- 冗長検査のためのデフォルトしきい値の変更 (CRITERIA サブコマンドを使用)。
- 標準化残差の表示 (PRINT サブコマンドを使用)。

シンタックスの詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

生命表

雇用期間 (就職から退職までの期間) など、2 つの事象の間の時間分布を調べる必要があるさまざまな状況があります。ただし、通常、この種のデータには、2 つ目の事象がそれ以上記録されないケース (調査の終了時点でまだ対象者が会社に在籍している場合など) がいくつか含まれます。これはいくつかの理由により発生する可能性があります。場合によっては、調査が終了する前に事象がまったく発生しなかったり、調査終了前のある時点で状況を追跡できなくなったり、また、調査とは関係のない理由 (従業員が病気で休職しているなど) で続行できなくなることがあります。このようなケースをまとめて **調査済みケース** と呼びます。この種の調査に、*t* 検定や線型回帰など従来の手法を使用することは適切ではありません。

この種のデータに有効な統計手法をフォローアップ**生命表**といいます。この生命表の基本的な考えは、観測期間をより短い時間間隔に分割するということです。各間隔において、少なくともその間隔の間観測された人すべてを対象に、その時間間隔で発生する最終事象の確率を計算します。次に、各間隔から推定された確率を使用して、さまざまな時点で発生する事象の確率全体を推定します。

例。 新しいニコチン・パッチ療法が従来のパッチ療法よりも禁煙に役立つかを調べるとします。この場合、喫煙者を 2 つのグループ (従来の療法を受けたグループと試験的な療法を受けたグループ) に分けて研究を行うことができます。データから生命表を構築することで、この 2 つのグループの全体的な禁煙率を比較し、試験的な療法が従来の療法より改善されているかどうかを判別できます。また、生存関数またはハザード関数を作図して視覚的に比較し、さらに詳細な情報を得ることもできます。

統計。 グループごとの各時間間隔に対する、参加数、離脱数、リスクにさらされた数、終結事象の数、終結する比率、生存率、累積生存率 (および標準誤差)、確率密度 (および標準誤差)、ハザード比 (および標準誤差)、グループごとの生存時間の中央値、およびグループ間の生存分布を比較するための Wilcoxon (Gehan) 検定。作図: 累積生存関数、対数累積生存関数、密度関数、ハザード比関数、および 1 マイナス累積生存関数に対する作図。

生命表のデータの考慮事項

データ。 時間変数は量的である必要があります。状態変数は、整数としてコード化された二分変数またはカテゴリ変数である必要があります。この場合、事象は単一値または連続値の範囲としてコード化されます。因子変数は、整数としてコード化されたカテゴリ変数である必要があります。

前提条件 対象事象の確率は、初期事象以降の時間にのみ依存する必要があり、絶対時間に対して一定であると仮定されます。つまり、異なる時間で調査に入るケース (異なる時間に治療を始める患者など) は同様でなければなりません。また、調査済みケースと未調査ケースとの間にシステム上の違いがあってはなりません。例えば、調査済みケースの多くがより深刻な状態の患者である場合、結果が偏ることがあります。

関連手続き 「生命表」プロシージャでは、この種の分析 (一般的には生存分析と呼ばれます) に対して保険数理法を使用します。「Kaplan-Meier 生存分析」プロシージャでは、観測期間のより短い時間間隔への分割に依存しない、少し異なる生命表の計算方法を使用します。この方法が推奨されるのは、観測数が少なく、各生存時間間隔における観測数がわずかしかないような場合です。生存時間との関連に疑いのある変数、または制御対象の変数 (共変量) がある場合は、「Cox 回帰」プロシージャを使用します。同じケースに対して各時点で共変量の値が異なる可能性がある場合は、「時間依存の Cox 回帰」を使用します。

生命表の作成

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「生存」 > 「生命表...」

2. 数値 生存変数を 1 つ選択します。

3. 調べる時間間隔を指定します。

4. 状態変数を選択して、最終事象が発生したケースを定義します。

5. 「イベント定義」をクリックし、イベントが発生したことを示す状態変数の値を指定します。

オプションとして、1 次因子変数を選択することができます。生存変数の保険数理表は、因子変数のカテゴリごとに生成されます。

2 次の因子ごとの変数を選択することもできます。生存変数の保険数理表は、1 次および 2 次の因子変数のあらゆる組み合わせに対して生成されます。

生命表の範囲の定義

指定範囲内の因子変数に対する値があるケースは分析に含まれ、各表 (要求されている場合は作図も) は範囲内の固有値ごとに生成されます。

生命表のオプション

生命表分析のさまざまな側面を制御することができます。

ライフテーブル 出力での生命表の表示を抑制するには、「生命表」の選択を解除します。

プロット 生存関数の作図を要求できます。因子変数を定義している場合は、その因子変数によって定義されたサブグループごとに作図が生成されます。使用できる作図は、累積生存関数、対数累積生存関数、ハザード関数、密度関数、および 1 マイナス累積生存関数です。

- サバイバル. 累積生存関数を線型スケールで表示します。
- 対数生存 累積生存関数を対数スケールで表示します。
- ハザード. 累積ハザード関数を線型スケールで表示します。
- 密度 密度関数を表示します。
- 1 マイナス生存 線型スケールで 1 マイナス累積生存関数を作図します。

第一因子のレベルを比較する。 1 次の制御変数がある場合、このグループ内の代替項目のいずれかを選択して、Wilcoxon (Gehan) 検定を実行し、サブグループの生存を比較できます。検定は 1 次因子に対して実行されます。2 次因子を定義している場合、検定は 2 次変数のレベルごとに実行されます。

SURVIVAL コマンドの追加機能

コマンド シNTAX 言語を使用して、次のことも実行できます。

- 複数の従属変数を指定する。
- 不等なスペースの間隔を指定する。
- 複数の状態変数を指定する。
- 必ずしもすべての因子および制御変数を含まない比較を指定する。
- 厳密ではない概算比較を計算する。

SYNTAX の詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

Parametric Accelerated Failure 時間モデル

Parametric Accelerated Failure Time (AFT) モデル分析は、非反復生存時間データを使用してパラメトリック生存モデル・プロシージャーを呼び出します。パラメトリック生存モデルでは、生存時間が既知の分布に従っていると仮定します。この分析は、生存時間に比例したモデル効果を使用して、加速された失敗時間モデルに適合します。

Parametric Accelerated Failure Time Models 分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

> **Survival > Parametric Accelerated Failure Time (AFT) モデルの分析**

2. ソース変数を選択します。

時刻

生存

生存時間の期間を示す単一の数値変数。

開始/終了

「開始時刻」と「終了時刻」を示す数値変数。

状況

以下のいずれかの状況設定を決定する、単一のオプション・ストリングまたは数値変数。

障害/事象(V)

レコードを障害/イベント・カテゴリーにマップします。ストリング状況変数のデフォルト値はFです。

右側の打ち切り

レコードを右側の打ち切りカテゴリーにマップします。ストリング状況変数のデフォルト値はRです。

左方の打ち切り

レコードを左側の打ち切りカテゴリーにマップします。ストリング状況変数のデフォルト値はLです。

間隔の打ち切り

レコードを区間打ち切りカテゴリーにマップします。「開始/終了」の場合のみ。ストリング状況変数のデフォルト値はIです。

マップされていない値の処理

マップされていないレコードをマップするカテゴリーを制御します。マップできなかったレコードを削除するには、「分析から除外」を選択します。

「サバイバル」の場合、すべてのケースのデフォルトのステータスは「失敗/イベント」です。「開始/終了 (Start/End)」の場合、デフォルトの状況は「間隔の打ち切り (Interval Censoring)」です。「イベントの定義」ボタンをクリックして、状態変数のイベントを定義します。

共変量(C)

共変量として扱われる1つ以上のオプションの数値変数。「共変量」と「固定因子」の両方で変数を指定することはできません。

固定因子:

因子として扱われる1つ以上のオプション変数。「固定因子」と「共変量」の両方で変数を指定することはできません。

左の短縮形

Survival のみの左側の切り捨てに対する単一のオプション数値変数。

Parametric Accelerated Failure Time Models: 基準

基準

一般的な基準を指定するためのオプション・パネル。

信頼区間

回帰パラメーターの信頼区間のレベルを指定するオプションのパーセント。0から100までの単一の数値でなければなりません。デフォルトは95です。

欠損値

ユーザー欠損値の処理方法を制御するオプションです。

ユーザー欠損値とシステム欠損値の両方を除外

ユーザー欠損値を有効な値として扱います。これがデフォルトです。

ユーザー欠損値を有効として取り扱う(V)

ユーザー欠損値の指定を無視し、有効な値として扱います。

状況の処理

「開始/終了」の場合のみ。誤った状況フィールドを持つレコードの処理方法を制御するオプション:

競合するレコードの破棄

競合するレコードをドロップします。これはデフォルト設定です。

状況に応じた時間情報の取得(O)

状況に応じて時間情報を取得します。

時間情報に従って状況を派生(R)

時刻情報に従って状況を変更します。

Parametric Accelerated Failure Time Models: モデル

モデル

モデル・オプションおよび設定を指定するためのオプション・パネル。

生存時間の分布

生存時間の分布を指定するオプションです。

ワイブル

Weibull 分布を指定します。これはデフォルト設定です。

指数

指数分布を指定します。

対数正規(L)

対数正規分布を指定します。

対数ロジスティック

対数ロジスティック分布を指定します。

共変量設定

共変量変数を指定します。

因子の設定

因子変数を指定します。

インターセプトの初期値

切片項の初期値を指定するためのオプション。指定する場合は、単一の数値でなければならず、0 にすることはできません。

スケールパラメータの初期値

スケール・パラメータの設定を制御するオプション。

対応する OLS 回帰の標準誤差(N)

対応する最小二乗法回帰の標準誤差を初期値として使用します。

対応する OLS 回帰の標準誤差を反転します

標準誤差の逆数を使用します。

ユーザーが提供する値(P)

単一の数値を指定すると、その値が初期値として使用されます。指定する場合は、0 より大きくなければなりません。

Parametric Accelerated Failure Time Models: 推定値

推定

高速障害時間モデルの推定およびオプションの特徴量選択プロセスを制御するための設定を指定するオプション・パネル。

alternating Direction Method or Multipliers (ADMM)

高速

乗数 (ADMM) の高速交互方向方式を適用します。これがデフォルトです。

従来

従来の ADMM アルゴリズムを適用します。

L-1 正規化を適用(Z)

特徴量選択を制御するプロセスを実行します。「ペナルティ・パラメーター」フィールドは、正規化プロセスを制御するペナルティ・パラメーターを指定します。0 より大きい単一値でなければなりません。デフォルト設定は 0.001 です。

収束基準のモデル

パラメータ収束

パラメーターの収束基準を指定します。これは、[0, 1) に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0.000001 です。「タイプ」には、「絶対 (ABSOLUTE)」を選択して内部最適化に絶対収束を適用するか、**RELATIVE** を選択して内部最適化に相対収束を適用することができます。オプションの「Value (値)」フィールドは、キーワードを指定します。

目的関数の収束

目的関数の収束基準を指定します。これは、[0, 1) に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0 で、収束基準は適用されません。「タイプ」には、「絶対 (ABSOLUTE)」を選択して内部最適化に絶対収束を適用するか、**RELATIVE** を選択して内部最適化に相対収束を適用することができます。オプションの「Value (値)」フィールドは、キーワードを指定します。

Hessian 収束

ヘッセ行列の収束基準を指定します。これは、[0, 1) に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0 で、収束基準は適用されません。「タイプ」には、「絶対 (ABSOLUTE)」を選択して内部最適化に絶対収束を適用するか、**RELATIVE** を選択して内部最適化に相対収束を適用することができます。オプションの「Value (値)」フィールドは、キーワードを指定します。

残差の収束基準

最適化プロセスを制御するオプション。

第 1 残差と複式の残差の両方(B)

主残差収束基準と双対残差収束基準の両方を適用します。これはデフォルト設定です。

第 1 残差のみ

主残差収束基準を適用します。

複式の残差のみ

双対残差収束基準を適用します。

方法

推定方法を指定するオプション・パラメーター。

自動

サンプル・データ・セットに基づいてメソッドを自動的に選択します。これがデフォルトです。「予測値の数のしきい値」フィールドは、予測値の数のしきい値を指定します。これは、1 より大きい単一の整数でなければなりません。デフォルト値は 1000 です。

Newton-Raphson

Newton-Raphson 法を適用します。

L-BFGS(G)

限定メモリー BFGS アルゴリズムを適用します。**Update** フィールドは、制限付きメモリー BFGS アルゴリズムによって維持される過去の更新の数を指定します。これは、1 以上の単一の整数でなければなりません。デフォルト値は 5 です。

反復

最大反復回数

反復の最大回数を指定します。これは、[1, 100] に属する単一の整数でなければなりません。デフォルト設定は 20 です。

最大段階 2 分

段階 2 分の最大数を指定します。[1, 20] に属する単一の整数でなければなりません。デフォルト設定は 5 です。

行検索の最大数

行検索の最大数を指定します。これは、[1, 100] に属する単一の整数でなければなりません。デフォルト設定は 20 です。

反復プロセスの絶対収束

外部反復プロセスの絶対収束を指定します。(0, 1) に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0.0001 です。

反復プロセスの相対収束

外部反復プロセスの相対収束を指定します。(0, 1) に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0.01 です。

Parametric Accelerated Failure Time Models: 印刷

印刷

テーブル出力を制御するオプション・パネル。

因子エンコードの詳細(F)

これを選択すると、要素のエンコードの詳細が表示および印刷されます。有効な因子がない場合、このプロセスは無視されます。

回帰パラメータに割り当てられる初期値(I)

選択すると、推定プロセスで使用される初期値が表示されます。

モデルの反復履歴(M)

これを選択すると、生存分析の反復履歴が表示されます。「ステップ数」フィールドに、1 から 99999999 までのステップ数を指定します。デフォルト設定は 1 です。

次を含む選択の結果(T)

特徴量選択の詳細の表示を制御します。

選択された変数と選択されていない変数の両方

選択された変数と選択されていない変数の両方をテーブルに表示します。

選択された変数のみ

選択した変数のみを表示します。

選択されていない変数のみ

選択されていない変数のみを表示します。「表示する変数の最大数」フィールドは、テーブルに出力される変数の最大数を指定します。デフォルト設定は 30 です。

Parametric Accelerated Failure Time Models: 予測

予測

予測された統計をスコアリングし、アクティブ・データ・セットに保存するためのオプション・パネル。

スコアリングの時間値

従属変数によって定義された時間値(T)

パラメトリック生存モデルに指定された時間変数に基づいて「予測」をスコアリングします。

定期的な間隔(R)

将来の時刻値に基づいて「予測」をスコアリングします。「時間間隔」フィールドは時間間隔を指定します。0 より大きい単一の数値でなければなりません。「期間数」フィールドは期間の数を指定し、2 から 100 までの単一の整数でなければなりません。

時刻期間

時刻期間に基づいて「予測」をスコアリングし、将来の時刻値を定義します。単一の数値変数でなければなりません。

予測

生存

予測された生存統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)は PredSurvival です。

ハザード(H)

予測された危険項目をスコアリングし、アクティブ・データ・セットに保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)は PredHazard です。

累積のハザード(Z)

予測された累積ハザードをアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)は PredCumHazard です。

条件付きの生存(D)

予測された条件付き生存統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)は PredConditionalSurvival です。このプロセスは、PASTTIME が指定されていない場合は無視されます。「過去の生存時間」値は必須であり、スコアリングの過去の時間値を指定します。単一の数値変数でなければなりません。

Parametric Accelerated Failure Time Models: Plot (パラメトリック高速障害時間モデル: プロット)

作図

Cox-Snell 残差プロット

Display the plot を選択して、Cox -Snell residual plot を作成する。「分割分割点の数」フィールドに、1 から 10000 までの数値を指定します。デフォルトの設定値は 100 です。

関数プロット

関数プロットを制御するためのオプション。

タイプ

生存

生存関数のプロットを作成します。

ハザード(H)

ハザード関数のプロットを作成します。

密度

密度関数のプロットを作成します。

表示するポイントの数

1 から 200 までの関数ポイントの数を指定します。デフォルトの設定値は 100 です。

プロットの共変量の値

ユーザー提供の値を指定し、それらを予測値に割り当てるオプション。デフォルトでは、指定されたプロットは、有効な各共変量の「**平均値**」と、有効な各因子のカテゴリー度数で作成されます。指定した場合、指定したプロットはパターンの設定に基づいて作成されます。重複する変数が存在する場合、最初に指定された変数が認識され、残りの変数は無視されます。有効な変数がモデル効果に含まれている必要があります。共変量の場合、ユーザー指定の値は数値でなければなりません。有効な変数を省略すると、因子と共変量にそれぞれ、カテゴリー度数と「**平均値**」がデフォルトで使用されます。無効な値が変数に割り当てられた場合、要求されたパターンはプロットされません。

プロットの因子値

ユーザー提供の値を指定し、それらを予測値に割り当てるオプション。重複する変数が存在する場合、最初に指定された変数が認識され、残りの変数は無視されます。有効な変数がモデル効果に含まれている必要があります。有効な変数を省略すると、因子と共変量に対してそれぞれ、カテゴリー度数と平均値がデフォルトで使用されます。無効な値が変数に割り当てられた場合、要求されたパターンはプロットされません。

個別の線

折れ線グラフの描画に使用するカテゴリー変数を指定するオプション。

グラフ内の線の最大数

「別個の線」が指定されている場合に、グラフ内の線の最大数を指定します。デフォルト設定は10です。

Parametric Accelerated Failure Time Models: エクスポート

エクスポート

「モデル情報をXMLファイルにエクスポート」を選択して、モデルおよびパラメーター情報をスコアリングのためにPMMLファイルに書き込みます。保存するPMMLファイルのディレクトリーとファイル名を指定する必要があります。

Survival AFT 状況変数のイベントの定義

状況変数の選択された値のオカレンスは、それらのケースに対して端末イベントが発生したことを示します。その他のすべてのケースは調査済みと見なされます。対象事象を識別する単一値または値の範囲を入力します。

パラメトリック加速障害時間モデル: カテゴリーの選択

「カテゴリーの選択」設定は、比較のベースラインとしてモデル化するカテゴリーを示す値を選択するためのオプションを提供します。

カテゴリーの選択

「最後のカテゴリー」をクリックして、「カテゴリーの選択」ダイアログ・ボックスを開きます。

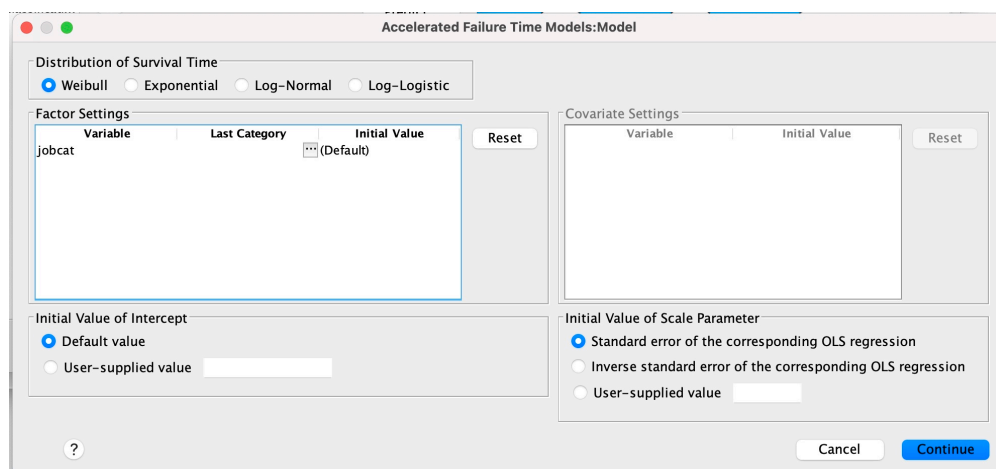


図 3. アクセラレイテッド・ライフ・タイム・モデル-ダイアログ・ボックス-カテゴリー

カテゴリーをベースラインとして指定するには、「カテゴリーの選択」ダイアログ・ボックスから値を選択します。

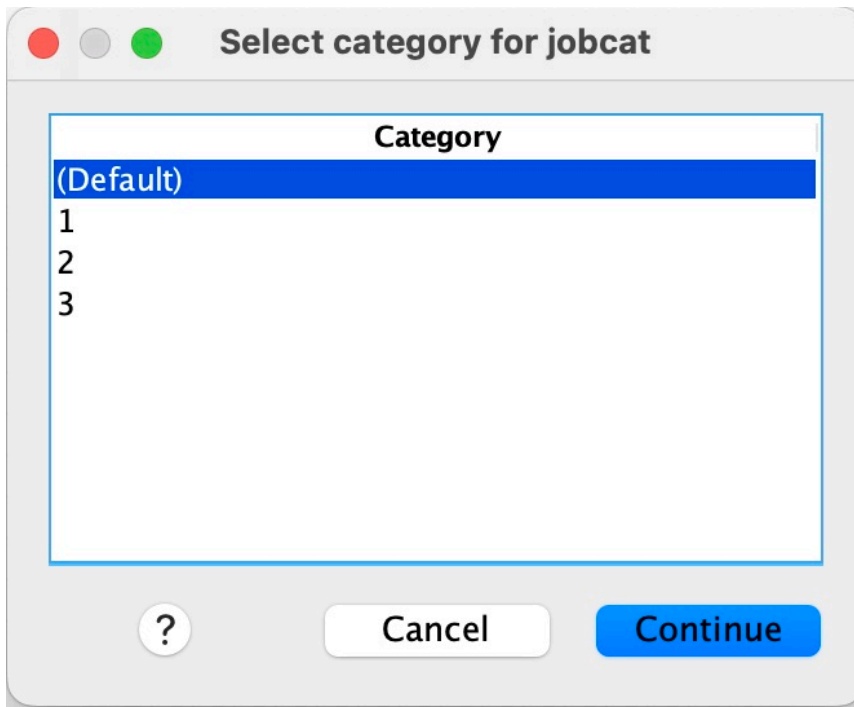


図 4. 加速ライフ・タイム・モデル-ダイアログ・ボックス-カテゴリーの選択

「続行」をクリックします。

パラメトリック共有フレイルティール・モデル

パラメトリック共有フレイルティール・モデル生存分析は、反復寿命データ入力を使用して、パラメトリック生存モデル・プロシーチャーを開始します。パラメトリック生存モデルは、生存時間が既知の分布に従うことを前提とし、この分析では、フレイルティール項をパラメトリック生存モデルに取り込みます。これは、個人レベルまたはグループ・レベルの変動が原因で発生しない効果を説明するために、ランダム・コンポーネントとして扱われます。

パラメトリック共有フレイルティール・モデル分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。
分析 > Survival > Parametric Shared Fterty Models
2. ソース変数を選択します。

時刻

生存

生存時間は、終了時刻を示す 1 つの変数によって表されます。開始時刻は 0 に設定されます。

開始/終了

「開始時刻」と「終了時刻」を示す数値変数。

件名

プロシーチャーを実行するために必要です。被験者 ID の単一の変数を指定します。

間隔(N)

同じサブジェクト ID を共有する異なる反復レコードを識別するために使用される、間隔番号の単一の数値変数を指定します。

状況

以下のいずれかの状況設定を決定する、単一のオプション・ストリングまたは数値変数。

障害/事象(V)

レコードを障害/イベント・カテゴリーにマップします。ストリング状況変数のデフォルト値は F です。

右側の打ち切り

レコードを右側の打ち切りカテゴリーにマップします。ストリング状況変数のデフォルト値は R です。

マップされていない値の処理

マップされていないレコードをマップするカテゴリーを制御します。マップできなかったレコードを削除するには、「分析から除外」を選択します。

「イベントの定義」 ボタンをクリックして、状態変数のイベントを定義します。

共変量(C)

共変量として扱われる 1 つ以上のオプションの数値変数。「共変量」と「固定因子」の両方で変数を指定することはできません。

固定因子:

因子として扱われる 1 つ以上のオプション変数。「固定因子」と「共変量」の両方で変数を指定することはできません。

パラメトリック共有フレイルティール・モデル: 基準

基準

一般的な基準を指定するためのオプション・パネル。

信頼区間

回帰パラメーターの信頼区間のレベルを指定するオプションのパーセント。0 から 100 までの単一の数値でなければなりません。デフォルトは 95 です。

有意水準

フレイルティール・コンポーネントの尤度比検定の有意水準を指定するオプション。0 から 1 までの単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0.05 です。

欠損値

ユーザー欠損値の処理方法を制御するオプションです。

ユーザー欠損値とシステム欠損値の両方を除外

ユーザー欠損値を有効な値として扱います。これがデフォルトです。

ユーザー欠損値を有効として取り扱う(V)

ユーザー欠損値の指定を無視し、有効な値として扱います。

インターバルの処理

間隔が開始時刻および終了時刻と競合するレコードの処理方法を制御するオプション。これは、メイン・ダイアログで間隔変数が指定された 2 つの時間変数がある場合に有効になります。

競合するレコードを破棄(D)

間隔値が開始時刻および終了時刻と競合する場合は、サブジェクト・シリアル・レコード全体を破棄します。これはデフォルト設定です。

開始時刻と終了時刻に基づく間隔値の検出(R)

開始時刻と終了時刻から間隔値を検出します。

パラメトリック共有フレイルティール・モデル: モデル

モデル

モデル・オプションおよび設定を指定するためのオプション・パネル。

生存時間の分布

生存時間の分布を指定するオプションです。

ワイブル

Weibull 分布を指定します。これはデフォルト設定です。

指数

指数分布を指定します。

対数正規(L)

対数正規分布を指定します。

対数ロジスティック

対数ロジスティック分布を指定します。

共変量設定

共変量変数を指定します。

因子の設定

因子変数を指定します。

インターセプトの初期値

切片項の初期値を指定するためのオプション。指定する場合は、単一の数値でなければならず、0 にすることはできません。

スケールパラメータの初期値

スケール・パラメーターの設定を制御するオプション。

対応する OLS 回帰の標準誤差(N)

対応する最小二乗法回帰の標準誤差を初期値として使用します。

対応する OLS 回帰の標準誤差を反転します

標準誤差の逆数を使用します。

ユーザーが提供する値(P)

単一の数値を指定すると、その値が初期値として使用されます。指定する場合は、0 より大きくなければなりません。

フレイルコンポーネント

フレイルティー・コンポーネントの **頻度分布指定** を指定するオプション・パラメーター。

ガンマ

ガンマ分布を指定します。これはデフォルト設定です。

逆ガウス(U)

逆ガウス分布を指定します。

分散の初期値

フレイルティー・コンポーネントの分散の初期値を指定します。0 より大きい単一の数値でなければなりません。デフォルト値は、ガンマ分布の場合は 1.0、逆ガウス分布の場合は 0.1 です。

パラメトリック共有フレイルティー・モデル: 推定

推定

共有フレイルティー・モデルの推定およびオプションの特徴量選択プロセスを制御するための設定を指定するオプション・パネル。

alternating Direction Method or Multipliers (ADMM)

高速

乗数 (ADMM) の高速交互方向方式を適用します。これがデフォルトです。

従来

従来の ADMM アルゴリズムを適用します。

L-1 正規化を適用(Z)

特徴量選択を制御するプロセスを実行します。「ペナルティー・パラメーター」フィールドは、正規化プロセスを制御するペナルティー・パラメーターを指定します。0 より大きい単一値でなければなりません。デフォルト設定は 0.001 です。

収束基準のモデル

パラメータ収束

パラメーターの収束基準を指定します。これは、 $[0, 1]$ に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0.000001 です。「タイプ」には、「絶対 (ABSOLUTE)」を選択して絶対収束を内部最適化に適用するか、**RELATIVE** を選択して相対収束を内部最適化に適用することができます。オプションの「値」は、収束タイプの数値しきい値を指定します。

目的関数の収束

目的関数の収束基準を指定します。これは、 $[0, 1]$ に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0 で、収束基準は適用されません。「タイプ」には、「絶対 (ABSOLUTE)」を選択して絶対収束を内部最適化に適用するか、**RELATIVE** を選択して相対収束を内部最適化に適用することができます。オプションの「値」は、収束タイプの数値しきい値を指定します。

Hessian 収束

ヘッセ行列の収束基準を指定します。これは、 $[0, 1]$ に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0 で、収束基準は適用されません。「タイプ」には、「絶対 (ABSOLUTE)」を選択して絶対収束を内部最適化に適用するか、**RELATIVE** を選択して相対収束を内部最適化に適用することができます。オプションの「値」は、収束タイプの数値しきい値を指定します。

残差の収束基準

最適化プロセスを制御するオプション。

第 1 残差と複式の残差の両方(B)

主残差収束基準と双対残差収束基準の両方を適用します。この設定はデフォルトです。

第 1 残差のみ

主残差収束基準を適用します。

複式の残差のみ

双対残差収束基準を適用します。

方法

推定方法を指定するオプション・パラメーター。

自動

サンプル・データ・セットに基づいてメソッドを自動的に選択します。このメソッドはデフォルトで選択されています。「予測値の数のしきい値」フィールドは、予測値の数のしきい値を指定します。これは、 1 より大きい単一の整数でなければなりません。デフォルト値は 1000 です。

Newton-Raphson

Newton-Raphson 法を適用します。

L-BFGS(G)

限定メモリー BFGS アルゴリズムを適用します。「Update」フィールドは、制限付きメモリー BFGS アルゴリズムによって維持される過去の更新の数を指定します。このフィールドは、 1 以上の単一の整数でなければなりません。デフォルト値は 5 です。

反復

最大反復回数

反復の最大回数を指定します。 $[1, 300]$ に属する単一の整数でなければなりません。デフォルト設定は 20 です。

最大段階 2 分

段階 2 分の最大数を指定します。 $[1, 200]$ に属する単一の整数でなければなりません。デフォルト設定は 5 です。

行検索の最大数

行検索の最大数を指定します。 $[1, 300]$ に属する単一の整数でなければなりません。デフォルト設定は 20 です。

反復プロセスの絶対収束

外部反復プロセスの絶対収束を指定します。 $(0, 1)$ に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は 0.0001 です。

反復プロセスの相対収束

外部反復プロセスの相対収束を指定します。(0, 1)に属する単一の数値でなければなりません。デフォルト設定は0.01です。

パラメトリック共有フレイルティー・モデル: 印刷

印刷

テーブル出力を制御するオプション・パネル。

因子エンコードの詳細(F)

これを選択すると、要素のエンコードの詳細が表示および印刷されます。有効な因子がない場合、このプロセスは無視されます。

回帰のパラメーターに割り当てられる初期値

これを選択すると、推定プロセスで使用される初期値が表示されます。

モデルの反復履歴(M)

選択すると、生存分析の反復履歴が表示されます。「ステップ数」フィールドに、1から9999999までのステップ数を指定します。デフォルト設定は1です。

パラメトリック共有フレイルティー・モデル: 予測

予測

予測された統計をスコアリングし、アクティブ・データ・セットに保存するためのオプション・パネル。

スコアリングの時間値

従属変数によって定義された時間値(T)

パラメトリック生存モデルに指定された時間変数に基づいて「予測」をスコアリングします。

定期的な間隔(R)

将来の時刻値に基づいて「予測値」をスコアリングします。「時間間隔」フィールドは時間間隔を指定し、0より大きい単一の数値でなければなりません。「期間数」フィールドは期間の数を指定し、2から100までの単一の整数でなければなりません。

時刻期間

時刻期間に基づいて「予測」をスコアリングし、将来の時刻値を定義します。単一の数値変数でなければなりません。

予測

生存

予測された生存統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)はPredSurvivalです。

ハザード(H)

予測された危険項目をスコアリングし、アクティブ・データ・セットに保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)はPredHazardです。

累積のハザード(Z)

予測された累積ハザードをアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)はPredCumHazardです。

条件付きの存続(D)

予測された条件付き生存統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。デフォルトのカスタム変数名(またはルート名)はPredConditionalSurvivalです。このプロセスは、PASTTIMEが指定されていない場合は無視されます。「過去の生存時間」値は必須であり、スコアリングの過去の時間値を指定します。単一の数値変数でなければなりません。

無条件生存

予測された無条件生存統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。このキーワードは、デフォルトでは抑止されます。指定する場合は、ユーザー提供のオプションの変数名

(またはルート名)を括弧で囲んで指定することができます。デフォルト名は PredUnCondSurvival です。

無条件ハザード

予測された無条件ハザード統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。このキーワードは、デフォルトでは抑止されます。指定する場合は、ユーザー提供のオプションの変数名(またはルート名)を括弧で囲んで指定することができます。デフォルト名は PredUncondHazard です。

無条件累積ハザード

予測された無条件累積ハザード統計をアクティブ・データ・セットにスコアリングして保存します。このキーワードは、デフォルトでは抑止されます。指定する場合は、その後にオプションのユーザー提供変数名(または括弧内に指定されたルート名)を続けることができます。デフォルト名は PredUncondCumHazard です。

パラメトリック共有フレイルティ・モデル: プロット

作図

関数プロット

関数プロットを制御するためのオプション。

タイプ

生存

無条件生存関数のプロットを作成します。

ハザード(H)

無条件ハザード関数のプロットを作成します。

密度

密度関数のプロットを作成します。

表示するポイントの数

1 から 200 までの関数ポイントの数を指定します。デフォルトの設定値は 100 です。

プロットの共変量の値

ユーザー提供の値を指定し、それらを予測値に割り当てるオプション。デフォルトでは、指定されたプロットは、有効な各共変量の平均値で作成されます。指定した場合、指定したプロットはパターンの設定に基づいて作成されます。重複する変数が存在する場合は、最初に指定された変数が認識され、残りの変数は無視されます。有効な変数がモデル効果に含まれている必要があります。共変量の場合、ユーザー指定の値は数値でなければなりません。有効な変数の省略は、共変量に対して平均値がデフォルトで使用されることを示します。無効な値が変数に割り当てられた場合、要求されたパターンはプロットされません。

プロットの因子値

ユーザー提供の値を指定し、それらを予測値に割り当てるオプション。デフォルトでは、指定されたプロットは、有効な各因子のカテゴリ一度数で作成されます。指定した場合、指定したプロットはパターンの設定に基づいて作成されます。重複する変数が存在する場合は、最初に指定された変数が認識され、残りの変数は無視されます。有効な変数がモデル効果に含まれている必要があります。有効な変数の省略は、因子に対してカテゴリ一度数がデフォルトで使用されることを示します。無効な値が変数に割り当てられた場合、要求されたパターンはプロットされません。

個別の線

折れ線グラフの描画に使用するカテゴリ変数を指定するオプション。

グラフ内の線の最大数

「別個の線」が指定されている場合に、グラフ内の線の最大数を指定します。デフォルト設定は 10 です。

パラメトリック共有フレイルティー・モデル: エクスポート

エクスポート

「モデル情報をXMLファイルにエクスポート」を選択して、スコアリングのためにPMMLファイルにモデルとパラメーターの情報を書き込みます。保存するPMMLファイルのディレクトリーとファイル名を指定する必要があります。

パラメトリック共有フレイルティー・モデル: イベントの定義

状況を定義するオプション。状況変数を省略すると、失敗またはイベントがすべてのケースのデフォルト状況になります。

1. メニューから次の項目を選択します。

分析 > Survival > Parametric Shared Fterty Models ...

- 2.

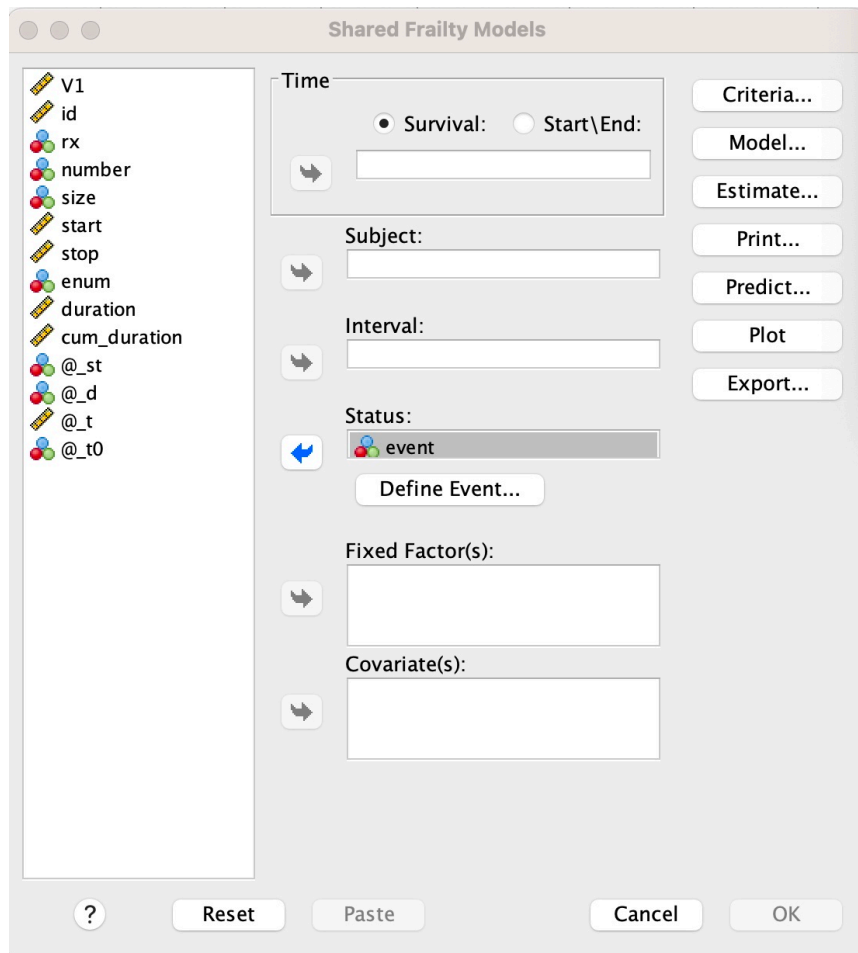


図 5. 共有フレイルティー・モデル-ダイアログ・ボックス-状況

- 3.

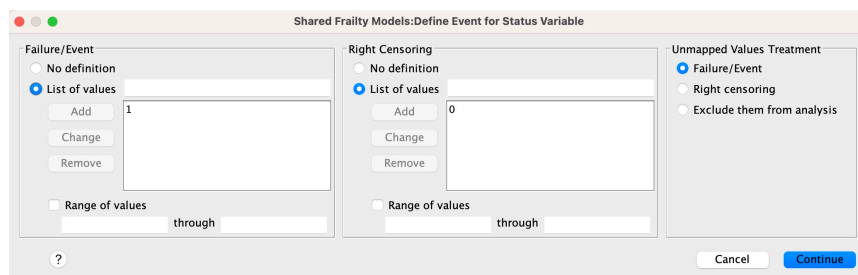


図 6. 共有フレイルティー・モデル-ダイアログ・ボックス-状況-イベントの定義

パラメトリック共有フレイルティール・モデル-例

例 1

```
SURVREG RECURRENT y WITH x1 BY x2
/MODEL SUBJECT = ID FEVALUATION = GAMMA DISTRIBUTION=WEIBULL
```

パラメトリック共有フレイルティール生存モデルは、共変量 x_1 および因子 x_2 に y を適合させます。

生存時間は、単一の変数 y によって表されます。

被験者は、変数 ID によって識別されます。

生存時間は Weibull 分布に従うと想定されます。

フレイルの分散はガンマ分布に従うと仮定されます。

すべての有効なレコードが生存分析で使用されます。

例 2

```
SURVREG RECURRENT y WITH x1 BY x2
/MODEL SUBJECT = ID FPLACETY=INV_GAUSSIAN DISTRIBUTION=LOG_NORMAL INTERVAL=z。
```

パラメトリック共有フレイルティール生存モデルは、共変量 x_1 および因子 x_2 に y を適合させます。

生存時間は、開始時刻と終了時刻を示す 2 つの変数 y_1 と y_2 によって表されます。

被験者は、変数 ID によって識別されます。

生存時間は対数正規分布に従うと想定されます。

フレイルの分散は、逆ガウス分布に従うと仮定されます。

時間間隔は変数 z によって定義されます。各サブジェクトについて、プロシーチャーは非競合レコードのみを使用し、最初の障害状況以降のすべてのレコードを分析から除外します。

例 3

```
survreg recurrent y1 y2 with x1 by x2(1)
/MODEL SUBJECT = ID FSIAN DISTRIBUTION=INV_GAUSSIAN DISTRIBUTION=LOG_LOGISTIC
/STATUS VARIABLE=event FAILURE=1 RIGHT=0。
```

パラメトリック共有フレイルティール生存モデルは、共変量 x_1 および因子 x_2 に y を適合させます。生存時刻は、それぞれ開始時刻と終了時刻を示す 2 つの変数 y_1 と y_2 で表されます。因子 x_2 の場合、カテゴリ「1」はモデル化するベースラインとして指定されます。

被験者は、変数 ID によって識別されます。

生存時間は、対数ロジスティック分布に従うと想定されます。

フレイルの分散は、逆ガウス分布に従うと仮定されます。

変数 $event$ は、状況を定義するために指定されます。それぞれ 1 と 0 は失敗を表し、0 は右側の打ち切りを表します。

例 4

```
SURVREG RECURRENT y WITH x1 BY x2
/MODEL SUBJECT = ID
/STATUS VARIABLE=event FAILURE=1 RIGHT=0
```

/アンコンサバイバルを予測する アンコンハザードを予測する アンコンコンハザードを予測する

/FUNCTIONPLOT SURVIVAL HAZARD DENSITY PLOTBY (x2)。

パラメトリック共有フレイルティ-生存モデルは、共変量 x1 および因子 x2 に y を適合させます。生存時間は、単一の変数 y によって表されます。

被験者は、変数 ID によって識別されます。

無条件または移植ベースの生存、ハザード、および累積ハザードがスコアリングされ、アクティブ・データ・セットに保存されます。

無条件または移植ベースの生存曲線とハザード曲線は、x2 のカテゴリ-別にプロットされます。

例 5

SURVREG RECURRENT y WITH x1 BY x2

/MODEL SUBJECT = ID FGAMTY=GAMMA 配布 =weibull

/STATUS VARIABLE=event FAILURE=1 RIGHT=0

/ESTIMATION HCONVERGE=1e-12(RELATIVE) PCONVERGE=0 FCONVERGE=0SELECTFEATURES=TRUE PENALTY=0.01

パラメトリック共有フレイルティ-生存モデルは、共変量 x1 および因子 x2 に y を適合させます。生存時間は、単一の変数 y によって表されます。

被験者は、変数 ID によって識別されます。

生存時間は Weibull 分布に従うと想定されます。

フレイルの分散はガンマ分布に従うと仮定されます。

収束基準は Hessian 行列に基づいています。相対収束として 1e-12 を使用します。

このモデルには、正規化プロセスを制御するためのペナルティ-項が含まれています。ペナルティ-パラメーターは 0.01 に設定されます。

例 6

SURVREG RECURRENT y WITH x1 BY x2

/MODEL SUBJECT = ID

/STATUS VARIABLE=infect FAILURE=1 RIGHT=0

/ESTIMATION MAXLINESEARCH=100 MAXITER=50 MAXSTEPHALVING=20。

パラメトリック共有フレイルティ-生存モデルは、共変量 x1 および因子 x2 に y を適合させます。生存時間は、単一の変数 y によって表されます。

被験者は、変数 ID によって識別されます。

このプロシージャーでは、線検索の最大数を 100、反復の最大数を 50、および段階 2 分の最大数を 20 と指定します。

パラメトリック共有フレイルティ-モデル-反復データのケース・スタディー

パラメトリック共有フレイルティ-モデル-反復データのケース・スタディー

ユース・ケース名-処理のサイド効果。

アクター-公衆衛生調査員および実務者。

前提条件-生存時間、副次作用状況、および調整対象の予測値に基づいて使用可能な、クリーンアップされたデータ・セット。

説明-公衆衛生調査員のパトリックは、20人の参加者を含むデータ・サンプルを調査しています。これらの参加者は、新しい治療によって引き起こされる可能性がある軽度の副作用に関する調査で採用されます。治療デザイナーは副作用について、男性と女性の間に違いはないと主張している。パトリックはそのような仮説を評価したいと思います データ・サンプルに含まれている変数を以下にリストします。

- patID: 参加者を特定するための ID 番号。

- endTime: 治療後の副作用の生存期間（日単位）。治療開始から副作用が報告されるか、60日以内に打ち切られるまでの期間。

- sideEffect: 副作用の状態。打ち切られた場合は状態 = 0、軽度の副作用が報告された場合は状態 = 1。

年齢: 研究期間における参加者の年齢。

-女性: 男性の場合は女性 = 0、女性の場合は女性 = 1。

複数の処理が適用されることがあります。これにより、特定の参加者について測定される反復時間の複数のレコードが生成されます。各レコードの開始時刻は常に 0 で、データ・サンプルでは省略されています。パトリックは生存とハザードの機能を視覚化し、年齢と弱気をコントロールすることで男性と女性の比較を描くことに興味を持っている。同じ参加者に対して実施されるこれらの治療は、より相関関係があることを認識しています。生存時間が Weibull 分布に従うと仮定することにより、パトリックは同じ参加者の治療への依存性を考慮して、SPSS Statistics でパラメトリック共有フレイルティー生存モデルを構築することになります。

構文-

```
DATA LIST FREE
/patID(F5.0) endTime(F5.0) sideEffect(F2.0) age(F5.2) female(F2.0) .
BEGIN DATA .
1 45 0 38.00 0
2 26 1 20.00 1
3 58 0 53.00 0
4 31 1 37.00 1
4 24 0 37.00 1
4 50 0 37.00 1
5 20 1 51.00 0
5 38 1 51.00 0
6 30 0 35.00 1
7 22 1 58.00 1
8 53 1 29.00 1
8 49 1 29.00 1
9 25 0 45.00 0
9 25 0 45.00 0
10 27 0 33.00 1
11 34 1 21.00 1
11 40 0 21.00 1
11 49 0 21.00 1
12 42 1 26.00 0
13 25 0 40.00 0
14 21 1 52.00 0
14 32 1 52.00 0
15 56 0 28.00 1
15 34 0 28.00 1
16 30 0 41.00 0
16 29 0 41.00 0
17 25 1 27.00 0
18 26 1 54.00 1
18 36 1 54.00 1
19 27 0 39.00 0
20 58 1 22.00 1
20 54 0 22.00 1
20 43 1 22.00 1
END DATA.
SURVREG RECURRENT endTime WITH age BY female
/MODEL SUBJECT=patID FRAILTY=GAMMA DISTRIBUTION=WEIBULL
/ESTIMATION HCONVERGE=1e-12 PCONVERGE=0 FCONVERGE=0
/STATUS VARIABLE=sideEffect FAILURE=1 RIGHT=0
/FUNCTIONPLOT SURVIVAL HAZARD PLOTBY(female) .
```

一覧表示:

パトリックによって指定されたシンタックスは、endTime を単一の従属時間変数として指定します。プロシージャーは、各レコードの開始時刻が 0 であると自動的に想定します。変数 age と女性は、それぞれ共

変量と因子としてモデル化されます。繰り返しの生存時間は Weibull 分布に従うと想定されます。観測されないフレイルの項はガンマ分布に従うと仮定され、その分散成分はモデル化される。出力について、「モデルの要約」テーブルにプロシージャーとモデルの情報が表示されます。「ケース処理の要約」テーブルには、失敗/打ち切りの状況と、分析から除外されたケースの包括的なリストが表示されます。

パトリックのデータ・サンプルでは、すべてのレコードが有効であり、分析に含まれています。フレイルティール・コンポーネントを持たない対応するモデルの対数尤度と対数尤度を比較することにより、共有フレイルティール・モデルは有意レベル ($p\text{-value} = 0.168$) に到達できません。パトリックは、モデルに共有フレイルの項を含める必要があるかどうか疑問に思っている。男性参加者の推定アクセラレーション係数は 1.017 です。これは、[メス = 0.0] の推定回帰係数 0.017 の指数を計算することによって得られます。関連する 95% 信頼区間は (0.688, 1.504) です。これらの結果は、男性の個体と同じ年齢と衰弱を持つ女性の個体とほぼ同じ加速度因子を持つことを示唆している。母集団レベルでは、パトリックは、年齢のサンプル平均 (37.45 歳) で評価された男性と女性の無条件生存曲線とハザード曲線を別々にプロットします。

パトリックは、生存時間のいかなる固定値についても、男性と女性の生存確率が同じであることを確認します。興味深いことに、パトリックは無条件ハザード・チャートに示されている無数の形にもかかわらず、60 日以内に集団ハザードが実際に増加していることを発見しています。この動作は、点字の効果が存在することを意味している可能性があります。この治療による副作用をさらに調査するために、パトリックは、男性と女性の動作を比較しながら、ひらめの要素を持たないモデルを継続することができる。さらに、より多くのデータを収集するために、60 日を超える期間にわたって参加者をフォローアップすることを検討することもできます。

Kaplan-Meier 生存分析

雇用期間 (就職から退職までの期間) など、2 つの事象の間の時間分布を調べる必要があるさまざまな状況があります。ただし、この種のデータには通常、調査済みケースがいくつか含まれています。調査済みケースとは、2 つ目の事象がそれ以上記録されないケースのことです (例えば、調査の終了時点でまだ対象者が会社に在籍している場合など)。Kaplan-Meier プロシージャーは、調査済みケースが存在する場合に、事象までの時間のモデルを推定するための手法です。Kaplan-Meier モデルは、事象の各発生時点の条件付き確率の推定に基づくものであり、これらの確率の積極限を使用して、各時点における生存率を推定します。

例。 AIDS の新しい治療法には延命に対する効果があるでしょうか。この場合、AIDS 患者を 2 つのグループ (従来の治療を受けるグループと試験的な治療を受けるグループ) に分けて研究を行うことができます。データから Kaplan-Meier モデルを構築することで、この 2 つのグループの全体的な生存率を比較し、実験的な治療が従来の治療より改善されているかどうかを判別できます。また、生存関数またはハザード関数を作図して視覚的に比較し、さらに詳細な情報を得ることもできます。

統計。 時間、状況、累積生存と標準誤差を含む生命表、累積イベント数、残存数、および標準誤差と 95% の信頼区間を含む生存時間の平均値と中央値。作図: 累積生存関数、ハザード関数、対数累積生存関数、および 1 マイナス累積生存関数。

Kaplan-Meier のデータの考慮事項

データ。 時間変数は連続型である必要がありますが、状態変数はカテゴリー型または連続型にすることができます。因子およびストラータ変数はカテゴリー型である必要があります。

前提条件 対象事象の確率は、初期事象以降の時間にのみ依存する必要があります。絶対時間に対して一定であると仮定されます。つまり、異なる時間で調査に入るケース (異なる時間に治療を始める患者など) は同様でなければなりません。また、調査済みケースと未調査ケースとの間にシステム上の違いがあってはなりません。例えば、調査済みケースの多くがより深刻な状態の患者である場合、結果が偏ることがあります。

関連手続き Kaplan-Meier プロシージャーでは、各事象の発生時間における生存関数またはハザード関数を推定する生命表計算の手法を使用します。「生命表」プロシージャーでは、観測期間のより短い時間間隔への分割に依存する生存分析に対して、保険数理法を使用します。これは、多数のサンプルを扱う際に役立つ場合があります。生存時間との関連に疑いのある変数、または制御対象の変数 (共変量) がある場合は、「Cox 回帰」プロシージャーを使用します。同じケースに対して各時点で共変量の値が異なる可能性がある場合は、「時間依存の Cox 回帰」を使用します。

Kaplan-Meier 生存分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「生存」 > 「Kaplan-Meier...

2. 時間変数を選択します。
3. 状態変数を選択して、最終事象が発生したケースを識別します。この変数は数値と短い文字列のどちらでもかまいません。次に、「イベント定義」をクリックします。

オプションとして、因子変数を選択して、グループ間の違いを調べることができます。また、ストラータ変数を選択して、変数のレベル(階層)ごとに別の分析を生成することもできます。

Kaplan-Meier の状態変数のイベントの定義

最終事象が発生したことを示す値を1つ以上入力します。単一値、値の範囲、または値のリストを入力することができます。「値の範囲」オプションを使用できるのは、状態変数が数値である場合のみです。

Kaplan-Meier の因子レベルの比較

さまざまなレベルの因子について、生存分布の等質性を検定する統計を要求できます。使用可能な統計は、「対数順位」、「Breslow」、および「Tarone-Ware」です。これらのいずれかを選択して、「階層全体でプール」、「階層ごと」、「階層全体でペアごと」、「階層ごとにペアごと」から実行する比較を指定します。

因子レベルの線形トレンド。 因子のレベル全体で線型トレンドに対する検定を行うことができます。このオプションは、因子レベルを(ペアごとではなく)全体的に比較する場合にのみ使用できます。

- ログ・ランク. 生存分布の等質性を比較するための検定。この検定では、すべての時点に等しく重みを割り当てます。
- *Breslow*. 生存分布の等質性を比較するための検定。各時点での危険なケースの個数によって時点に重みを付けます。
- タロン=ウェア. 生存分布の等質性を比較するための検定。各時点での危険なケースの個数の平方根によって時点に重みを付けます。
- ストラータ・オーバー・ストラータ. 単一の検定ですべての因子レベルを比較し、生存曲線の等質性を検定します。
- ストラータをペアワイズする. 因子レベルの個別の各ペアを比較します。ペアごとのトレンド検定は使用できません。
- ストラータごと. ストラータごとに、すべての因子レベルの同等性を個別に検定します。ストラータ変数がない場合は検定を実行しません。
- ストラータごとのペアワイズ. ストラータごとに、因子レベルの各ペアを比較します。ペアごとのトレンド検定は使用できません。ストラータ変数がない場合は検定を実行しません。

Kaplan-Meier の新規変数の保存

Kaplan-Meier 表の情報を新規変数として保存できます。これらの変数は、その後の分析に使用して、仮説の検定や仮定の確認を行うことができます。生存、生存の標準誤差、ハザード、および累積イベントを新規変数として保存できます。

- サバイバル. 累積生存確率の推定値。デフォルトの変数名は、接頭辞 `sur_` の後に連続番号を付加したものです。例えば、`sur_1` が既に存在する場合、Kaplan-Meier では `sur_2` という変数名を割り当てます。
- 生存の標準誤差. 累積生存確率推定値の標準誤差。デフォルトの変数名は、接頭辞 `se_` の後に連続番号を付加したものです。例えば、`se_1` が既に存在する場合、Kaplan-Meier では `se_2` という変数名を割り当てます。
- ハザード. 累積ハザード関数の推定値。デフォルトの変数名は、接頭辞 `haz_` の後に連続番号を付加したものです。例えば、`haz_1` が既に存在する場合、Kaplan-Meier では `haz_2` という変数名を割り当てます。
- 累積イベント. ケースを生存時間およびステータスコードでソートしたときのイベントの累積度数。デフォルトの変数名は、接頭辞 `cum_` の後に連続番号を付加したものです。例えば、`cum_1` が既に存在する場合、Kaplan-Meier では `cum_2` という変数名を割り当てます。

Kaplan-Meier のオプション

Kaplan-Meier 分析ではさまざまな出力タイプを要求できます。

統計。 生命表、生存の平均値と中央値、四分位など、計算した生存関数について表示される統計を選択できます。因子変数を含めた場合は、グループごとに別の統計が生成されます。

プロット 作図することにより、生存関数、死亡関数、ハザード関数、および対数生存関数を視覚的に調べることができます。因子変数を含めた場合は、グループごとに関数が作図されます。

- サバイバル. 累積生存関数を線型スケールで表示します。
- 1 マイナス生存 線型スケールで 1 マイナス累積生存関数を作図します。
- ハザード. 累積ハザード関数を線型スケールで表示します。
- 対数生存 累積生存関数を対数スケールで表示します。

KM コマンドの追加機能

コマンド シNTAX 言語を使用して、次のことも実行できます。

- 追跡不能なケースを調査済みケースとは別のカテゴリーとして扱う度数分布表を取得する。
- 線型傾向の検定に対して不等な間隔を指定する。
- 生存時間変数の四分位以外のパーセンタイルを取得する。

SYNTAX の詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

Cox 回帰分析

Cox 回帰では、時間事象データに対して予測モデルを作成します。このモデルは、予測値変数に与えられた特定の値に対して、対象のイベントが所定の時間 t に発生する確率を予測する生存関数を生成します。生存関数の形状および予測値の回帰係数は、観測された被験者から推定されます。このモデルは予測値変数の測定値がある新しいケースに適用できます。観測時間中に対象のイベントを経験していない調査済み被験者からの情報が、モデルの推定に対して有効に寄与することに注意してください。

例。 喫煙による肺ガン発生の危険性は、男性と女性とで異なるでしょうか。Cox 回帰モデルを構築する際に、喫煙量 (1 日あたりに吸うタバコの本数) と性別を共変量として入力すれば、肺ガンが発病するまでの期間における、性別および喫煙量が与える影響についての仮説を検定できます。

統計。 各モデル: $-2LL$ 、尤度比統計量、および全体のカイ 2 乗。モデルの変数: パラメーター推定値、標準誤差、Wald 統計量。モデルにない変数: スコア統計および残差カイ 2 乗。

Cox 回帰のデータの考慮事項

データ。 時間変数は量的である必要がありますが、状態変数はカテゴリー型や連続型にすることができます。独立変数 (共変量) は連続型またはカテゴリー型にすることができます。カテゴリー型の場合、ダミー・コーディングまたはインジケター・コーディングする必要があります (プロシージャーには自動的にカテゴリー変数を再コーディングするオプションがあります)。ストラータ変数は、整数または短い文字列としてコーディングされる、カテゴリー型である必要があります。

前提条件 観測は独立しており、ハザード比は経時的に一定である必要があります。つまり、ケース間のハザードの比例関係は時間の経過と共に変化してはならないということです。後者の仮定は**比例ハザードの仮定**と呼ばれます。

関連手続き 比例ハザードの仮定が適用されない場合 (上記参照)、「時間依存の Cox 回帰」プロシージャーを使用する必要がある場合があります。共変量がない場合、またはカテゴリー共変量が 1 つしかない場合は、「生命表」または「Kaplan-Meier」プロシージャーを使用して、サンプルに対する生存関数またはハザード関数を調べることができます。サンプル内に調査済みデータがない場合 (つまり、すべてのケースで終結事象が発生した場合)、「線型回帰」プロシージャーを使用して、予測と事象までの時間との間の関係をモデリングできます。

Cox 回帰分析の取得

1. メニューから次の項目を選択します。
「分析」 >> 「生存」 >> 「Cox 回帰...」
2. 時間変数を選択します。時刻値が負になっているケースは分析されません。
3. 状態変数を選択し、「イベント定義」をクリックします。

4. 共変量を1つ以上選択します。相互作用条件を含めるには、相互作用に関連するすべての変数を選択してから、**>a*b>**をクリックします。

オプションで、ストラータ変数を定義することで、異なるグループに対して別のモデルを計算できます。

Cox 回帰におけるカテゴリー変数の定義

「Cox 回帰」プロシージャーでカテゴリー変数を処理する方法の詳細を指定することができます。

共変量。メイン・ダイアログ・ボックスで、単独で、あるいは交互作用の一部として指定された、層内のすべての共変量をリストします。そのうちの一部が文字列変数またはカテゴリー変数である場合は、カテゴリー共変量としてのみ使用できます。

「**カテゴリー共変量**」。カテゴリー変数として識別された変数がリストされます。変数ごとに、使用する対比コード化が括弧に入れて表記されます。文字列変数(名前の後の記号<で示されます)は、「カテゴリー共変量」リストに既に含まれています。「共変量」リストから他のカテゴリー共変量を選択し、「カテゴリー共変量」リストに移します。

「**対比の変更**」。対比方法を変更することができます。選択可能な対比方法は次のとおりです。

- 「**指標**」。対比は、所属カテゴリーの有無を示します。参照カテゴリーは、対比行列でゼロの行として表されます。
- 「**単純**」。予測変数の各カテゴリー(参照カテゴリーを除く)は参照カテゴリーと比較されます。
- **差分**。最初のカテゴリーを除く予測変数の各カテゴリーが、先行するカテゴリーの平均効果と比較されます。逆 Helmert 対比とも呼ばれます。
- 「**Helmert**」。最後のカテゴリーを除く予測変数の各カテゴリーが、後続のカテゴリーの平均効果と比較されます。
- **繰り返される**。最初のカテゴリーを除く予測変数の各カテゴリーが、直前のカテゴリーと比較されます。
- 「**多項式**」。直交多項式の対比。各カテゴリーが等間隔で配置されていると仮定されます。多項式対比は、数値型変数にのみ使用できます。
- 「**偏差**」。参照カテゴリーを除く予測変数の各カテゴリーが、全体効果と比較されます。

「**偏差**」、「**単純**」、または「**指標**」を選択する場合は、参照カテゴリーとして「**最初**」または「**最後**」を選択します。「**変更**」をクリックするまで方法は実際に変更されないので注意してください。

文字列共変量はカテゴリー共変量でなければなりません。「カテゴリー共変量」リストから文字列変数を削除するには、メインのダイアログ・ボックスで、その変数を包含するすべての項を「共変量」リストから削除する必要があります。

Cox 回帰のプロット

プロットは、推定モデルを評価し、結果を解釈する場合に役立ちます。生存関数、ハザード関数、ログ・マイナス・ログ関数、および死亡関数を作図できます。

作図の種類

生存

累積生存関数を線型スケールで表示します。

ハザード(H)

累積ハザード関数を線型スケールで表示します。

ログ・マイナス・ログ

$\ln(-\ln)$ 変換が推定値に適用された後の累積生存推定値。

累積死亡関数

線型スケールで1マイナス累積生存関数を作図します。

作図する共変量の値

「**個別の線**」テキスト・ボックスに共変量を移動すれば、カテゴリー共変量の値ごとに個別の線を作図できます。このオプションは、「**作図する共変量の値**」リストで名前の後に「**(カテゴリー)**」と表示される、カテゴリー共変量にのみ使用可能です。

値の変更

これらの関数は共変量の値によって異なるため、時間に対する関数を作図するには、共変量に対して定数値を使用する必要があります。デフォルトでは各共変量の平均を定数値として使用しますが、「値の変更」制御グループを使用して、プロットに独自の値を入力できます。

Cox 回帰における新規変数の保存

各種分析結果は新規変数として保存できます。これらの変数は、その後の分析に使用して、仮説の検定または仮定の確認を行うことができます。

モデル変数を保存

回帰に対する生存関数とその標準誤差、ログ・マイナス・ログ推定値、ハザード関数、偏残差、DfBeta、および線型予測 $X \cdot \text{Beta}$ を新規変数として保存できます。

生存関数

指定された時間の累積生存関数の値。その期間まで生存する確率に等しくなります。

累積生存関数の標準誤差

累積生存確率推定値の標準誤差。

ログ・マイナス・ログ累積生存関数

$\ln(-\ln)$ 変換が推定値に適用された後の累積生存推定値。

ハザード関数

累積ハザード関数の推定値 (Cox-Snell 残差ともいう) を保存します。

偏残差プロット

生存時間に対して偏残差をプロットして、比例ハザードの仮定を検定することができます。最終モデルでは、各共変量に対して1つの変数が保存されます。偏残差は、少なくとも1つの共変量を持つモデルに限って使用することができます。

DfBeta(s)

ケースが除去された場合に、係数の推定変更が行われます。最終モデルでは、各共変量に対して1つの変数が保存されます。DfBeta は、少なくとも1つの共変量を持つモデルに限って使用することができます。

$X \cdot \text{ベータ}$

線形予測変数のスコア。ケースごとの、平均値中心化共変量の値とそれらに対応するパラメーター推定値の積の合計。

注: Cox を時間依存の共変量を使用して実行している場合は、DfBeta だけが保存されます。

モデル情報を XML ファイルにエクスポート

パラメーター推定値は XML 形式で指定されたファイルにエクスポートされます。このモデル・ファイルを使用して、スコアリングのために他のデータ・ファイルにモデル情報を適用できます。

Cox 回帰のオプション

分析および出力をさまざまな側面から制御することができます。

モデルの統計 $\exp(B)$ の信頼区間および推定値の相関を含む、モデル・パラメーターの統計量を取得することができます。これらの統計量を要求できるのは、各ステップまたは最後のステップのみです。

「**ステップワイズにおける確率**」。ステップワイズ法を選択した場合は、モデルに対する投入または除去の確率を指定することができます。投入する F の有意レベルが「投入」値より小さい場合は変数が投入され、有意レベルが「除去」値より大きい場合は変数が除去されます。「投入」値は「除去」値より小さくなければなりません。

最大反復回数: プロシージャで解を検索する時間を制御する、モデルの最大反復回数を指定できます。

ベースライン表示機能。ベースラインのハザード関数と累積生存を共変量の平均値で表示できます。この表示は、時間依存の共変量を指定した場合は使用できません。

Cox 回帰における状態変数のイベントの定義

最終事象が発生したことを示す値を1つ以上入力します。単一値、値の範囲、または値のリストを入力することができます。「値の範囲」オプションを使用できるのは、状態変数が数値である場合のみです。

COXREG コマンドの追加機能

コマンド シンタックス言語を使用して、次のことも実行できます。

- 追跡不能なケースを調査済みケースとは別のカテゴリーとして扱う度数分布表を取得する。
- 偏差、単純、指標の対比方法で、最初と最後以外の参照カテゴリーを選択する。
- 多項式の対比方法に対するカテゴリーの不等な間隔を指定する。
- 追加の反復基準を指定する。
- 欠損値の処理を制御する。
- 保存された変数の名前を指定する。
- 外部 IBM SPSS 統計 データ・ファイルに出力を書き込む。
- 処理の間、外部のスクラッチ・ファイルに各分割ファイル・グループのデータを保持する。これにより、大型のデータ・セットで分析を実行する際、メモリー・リソースを節約できます。これは時間依存の共変量には利用できません。

シンタックスの詳細については、「*Command Syntax Reference*」を参照してください。

時間依存の共変量の計算

ある状況では、Cox 回帰モデルを計算したいが、比例ハザードの仮定が成り立たない。つまり、ハザード比が時間の経過と共に変化し、共変量のいずれか(または複数)の値が時点によって異なる場合です。このような場合は、**時間依存の共変量を指定できる拡張 Cox 回帰モデル**を使う必要がある。

このようなモデルを分析するには、まず時間依存の共変量を定義する必要があります。これを容易にするために、時刻を表す「システム変数」を使用できます。この変数は $T_.$ と呼ばれます。この変数を使用して、時間に依存する共変量を2つの一般的な方法で定義できます。

- 特定の共変量に関する比例ハザードの仮定を検定したり、非比例ハザードを許容する拡張 Cox 回帰モデルを推定したりするには、時間変数 $T_.$ と問題の共変量の関数として時間依存共変量を定義する必要があります。時間変数と共変量の単純な積などが一般的な例と言えますが、より複雑な関数も指定できます。時間依存の共変量の係数の有意性を検定すると、比例ハザードの仮定が妥当であるかどうか分かります。
- 一部の変数は、異なる期間に異なる値を持つことができますが、時間に体系的に関連しているわけではありません。このような場合は、**セグメント化された時間依存の共変量**を定義する必要があります。これは、**論理式**を使用して行うことができます。論理式は、真の場合は値1、偽の場合は値0を取ります。一連の論理式を使用することで、一連の測定から時間依存共変量を作成できます。For example, if you have blood pressure that is measured once a week for the four weeks of your study (identified as $BP1$ to $BP4$), you can define the time-dependent covariate as $(T_.(T) < 1) * BP1 + (T_.(T) \geq 1 \& T_.(T) < 2) * BP2 + (T_.(T) \geq 2 \& T_.(T) < 3) * BP3 + (T_.(T) \geq 3 \& T_.(T) < 4) * BP4$. 任意の特定のケースについて、括弧内の用語のうち1つだけが1に等しく、残りはすべて0になることに注意してください。合計すると、時間が1週間未満の場合は $BP1$ を使用し、1週間より長く2週間未満の場合は $BP2$ などを使用することを意味します。

「時間依存共変量の計算」ダイアログ・ボックスでは、関数作成コントロールを使用して時間依存共変量の式を作成することも、「名前」テキスト域に式を直接入力することもできます。文字列定数は引用符またはアポストロフィで囲み、数値定数は米国形式(小数点としてドットを使用)で入力する必要があることに注意してください。結果の時間依存共変量はすべて、Cox 回帰モデルに共変量として含める必要がある。

時間依存の共変量の計算

1. メニューから、以下を選択します。
「分析」 >> 「生存」 >> 「時間依存の Cox 回帰...」
2. 時間依存共変量の式を入力します。

3. 「モデル」をクリックして、Cox 回帰分析を続行します。

注意： 共変量として追加された新しい変数を、Cox 回帰モデルに含めるようにしてください。

カテゴリ変数のコード化方式

多くのプロシージャーで、1つのカテゴリ独立変数を一連の対比変数で自動置換するように要求できます。その後この対比変数セットは、ブロックとして式に投入されるか、または式から除去されます。対比変数セットをどのようにコード化するかを指定できます。通常これは CONTRAST サブコマンドで行います。この付録では、CONTRAST で要求された各種の対比タイプが、実際にどのように機能するかを説明し、例を示します。

偏差

全平均からの偏差。 行列の項では、これらの対比が次の形式を取ります。

```
mean ( 1/k 1/k ... 1/k 1/k)
df(1) ( 1-1/k -1/k ... -1/k -1/k)
df(2) ( -1/k 1-1/k ... -1/k -1/k)
.
.
df(k-1) ( -1/k -1/k ... 1-1/k -1/k)
```

k は独立変数のカテゴリ数です。デフォルトでは最後のカテゴリが除外されます。例えば、カテゴリが 3 つある独立変数の全平均との対比は次のようになります。

```
( 1/3 1/3 1/3)
( 2/3 -1/3 -1/3)
(-1/3 2/3 -1/3)
```

最後のカテゴリ以外のカテゴリを除外するには、DEVIATION キーワードの後に、除外するカテゴリの番号を括弧に入れて指定します。例えば、次のサブコマンドを実行すると、1 番目と 3 番目のカテゴリの偏差が求められ、2 番目のカテゴリが除外されます。

```
/CONTRAST(FACTOR)=DEVIATION(2)
```

FACTOR に 3 つのカテゴリがあるとします。得られる対比行列は次のようになります。

```
( 1/3 1/3 1/3)
( 2/3 -1/3 -1/3)
(-1/3 -1/3 2/3)
```

単純

単純対比。 因子の各レベルを最後のレベルと比較します。一般的な行列形式は次のとおりです。

```
mean (1/k 1/k ... 1/k 1/k)
df(1) ( 1 0 ... 0 -1)
df(2) ( 0 1 ... 0 -1)
.
.
df(k-1) ( 0 0 ... 1 -1)
```

k は独立変数のカテゴリ数です。例えば、カテゴリが 4 つある独立変数の単純対比は次のようになります。

```
(1/4 1/4 1/4 1/4)
( 1 0 0 -1)
( 0 1 0 -1)
( 0 0 1 -1)
```

最後のカテゴリではなく別のカテゴリを参照カテゴリとして使用するには、SIMPLE キーワードの後に、参照カテゴリのシーケンス番号を括弧に入れて指定します。これは必ずしもそのカテゴリに関連付けられた値ではありません。例えば、次の CONTRAST サブコマンドを実行すると、2 番目のカテゴリを除去する対比行列が得られます。

```
/CONTRAST(FACTOR) = SIMPLE(2)
```

FACTOR に 4 つのカテゴリがあるとして、得られる対比行列は次のようになります。

```
(1/4 1/4 1/4 1/4)
( 1 -1 0 0)
( 0 -1 1 0)
( 0 -1 0 1)
```

Helmert

Helmert 対比。 独立変数のカテゴリを、後続のカテゴリの平均値と比較します。一般的な行列形式は次のとおりです。

```
mean (1/k 1/k ... 1/k 1/k 1/k)
df(1) ( 1 -1/(k-1) ... -1/(k-1) -1/(k-1) -1/(k-1))
df(2) ( 0 1 ... -1/(k-2) -1/(k-2) -1/(k-2))
.
.
df(k-2) ( 0 0 ... 1 -1/2 -1/2)
df(k-1) ( 0 0 ... 0 1 -1)
```

k は独立変数のカテゴリ数です。例えば、カテゴリが 4 つある独立変数の Helmert 対比行列の形式は次のとおりです。

```
(1/4 1/4 1/4 1/4)
( 1 -1/3 -1/3 -1/3)
( 0 1 -1/2 -1/2)
( 0 0 1 -1)
```

差分

逆 Helmert 対比。 独立変数のカテゴリを、その変数の以前のカテゴリの平均値と比較します。一般的な行列形式は次のとおりです。

```
mean ( 1/k 1/k 1/k ... 1/k)
df(1) ( -1 1 0 ... 0)
df(2) ( -1/2 -1/2 1 ... 0)
.
.
df(k-1) (-1/(k-1) -1/(k-1) -1/(k-1) ... 1)
```

k は独立変数のカテゴリ数です。例えば、カテゴリが 4 つある独立変数の逆 Helmert 対比は次のようになります。

```
( 1/4 1/4 1/4 1/4)
( -1 1 0 0)
(-1/2 -1/2 1 0)
(-1/3 -1/3 -1/3 1)
```

多項式

直交多項式の対比。 第 1 自由度にはすべてのカテゴリにわたる 1 次効果が含まれ、第 2 自由度には 2 次効果、第 3 自由度には 3 次効果というように、効果の次数が上がっていきます。

与えられたカテゴリ変数で測定される治療のレベルの間に間隔を指定することができます。距離を省略した場合のデフォルトである等間隔を、1 から k までの連続整数として指定できます (k はカテゴリの数)。変数 *DRUG* に 3 つのカテゴリがある場合、次のサブコマンド

```
/CONTRAST (DRUG)=POLYNOMIAL
```

は、次のサブコマンドと同じです。

```
/CONTRAST (DRUG)=POLYNOMIAL (1,2,3)
```

ただし、等間隔が常に必要となるわけではありません。例えば、*DRUG* が 3 つのグループに投与される異なる薬品量を表すとします。2 番目のグループへの投薬量が 1 番目のグループの 2 倍であり、3 番目のグループへの投薬量が 1 番目のグループの 3 倍である場合、治療カテゴリは等間隔であり、この状況に適した距離は次のように連続整数で表されます。

```
/CONTRAST (DRUG)=POLYNOMIAL (1,2,3)
```

一方、2番目のグループへの投薬量が1番目のグループの4倍であり、3番目のグループへの投薬量が1番目のグループの7倍である場合、適切な距離は次のようになります。

```
/CONTRAST(DRUG)=POLYNOMIAL(1,4,7)
```

どちらの場合も、対比を指定した結果、*DRUG* の第1自由度には投薬量レベルの1次効果が含まれ、第2自由度には2次効果が含まれます。

多項式対比は、トレンドを検定する場合や、応答曲面の性質を調べる場合に特に役立ちます。また、多項式対比を使用して、曲線回帰などの非線型曲線の当てはめを実行することもできます。

反復

独立変数の近傍するレベルを比較します。一般的な行列形式は次のとおりです。

```
mean (1/k 1/k 1/k ... 1/k 1/k)
df(1) ( 1 -1 0 ... 0 0)
df(2) ( 0 1 -1 ... 0 0)
.
.
df(k-1) ( 0 0 0 ... 1 -1)
```

k は独立変数のカテゴリ数です。例えば、カテゴリが4つある独立変数の反復対比は次のようになります。

```
(1/4 1/4 1/4 1/4)
( 1 -1 0 0)
( 0 1 -1 0)
( 0 0 1 -1)
```

この対比は、プロファイル分析や、差分スコアが必要な場合に役立ちます。

特殊

ユーザー定義の対比。 与えられた独立変数のカテゴリと同じ数の行と列がある正方行列の形式で、特殊対比を入力することができます。MANOVA および LOGLINEAR の場合、最初に入力された行は、常に平均効果(等効果)であり、与えられた変数について他の独立変数(存在する場合)を平均する方法を示す重みのセットを表します。一般に、この対比は1を並べたベクトルです。

行列の残りの行には、変数のカテゴリ間の比較を示す特殊対比が入ります。通常は、直交対比が最も有用です。直交対比は統計的に独立しており、冗長性がありません。対比は、次の場合に直交となります。

- 各行で、対比係数の合計が0である。
- 非連結行の全ペアの対応する係数の積和も0である。

例えば、治療に4つのレベルがあり、それぞれのレベルの治療を相互に比較するとします。適切な特殊対比は次のとおりです。

```
(1 1 1 1) weights for mean calculation
(3 -1 -1 -1) compare 1st with 2nd through 4th
(0 2 -1 -1) compare 2nd with 3rd and 4th
(0 0 1 -1) compare 3rd with 4th
```

これを指定するには、MANOVA、LOGISTIC REGRESSION、および COXREG に対して次の CONTRAST サブコマンドを使用します。

```
/CONTRAST(TREATMNT)=SPECIAL( 1 1 1 1
                             3 -1 -1 -1
                             0 2 -1 -1
                             0 0 1 -1 )
```

LOGLINEAR に対しては、次を指定する必要があります。

```
/CONTRAST(TREATMNT)=BASIS SPECIAL( 1 1 1 1
                                    3 -1 -1 -1
                                    0 2 -1 -1
                                    0 0 1 -1 )
```

平均値の行を除く各行の合計は 0 です。非連結行の各ペアの積和も 0 です。

```

Rows 2 and 3: (3)(0) + (-1)(2) + (-1)(-1) + (-1)(-1) = 0
Rows 2 and 4: (3)(0) + (-1)(0) + (-1)(1) + (-1)(-1) = 0
Rows 3 and 4: (0)(0) + (2)(0) + (-1)(1) + (-1)(-1) = 0

```

特殊対比は、直交でなくてもかまいません。ただし、相互の線形結合であってはなりません。線形結合であると、プロシージャーから線型従属が報告され、処理が停止されます。Helmert 対比、逆 Helmert 対比、および多項式対比は、いずれも直交対比です。

指標

指示変数のコード化。 これはダミー・コード化とも呼ばれ、LOGLINEAR または MANOVA では使用できません。新しくコード化される変数の数は、 $k-1$ です。参照カテゴリーのケースは、 $k-1$ 個の変数すべてで 0 にコード化されます。 i^{th} カテゴリーのケースは、すべての指示変数に対して 0 とコーディングされます。ただし、 i^{th} は 1 とコーディングされています。

共分散構造

このセクションでは、共分散構造の追加情報について説明します。

前依存：第一次。 この共分散構造には不均質の分散、および近傍する要素間で不均質の相関があります。2 つの近傍しない要素間の相関は、対象の要素間に存在する要素の間の相関の積となります。

$$\begin{pmatrix}
 \sigma_1^2 & \sigma_2\sigma_1\rho_1 & \sigma_3\sigma_1\rho_1\rho_2 & \sigma_4\sigma_1\rho_1\rho_2\rho_3 \\
 \sigma_2\sigma_1\rho_1 & \sigma_2^2 & \sigma_3\sigma_2\rho_2 & \sigma_4\sigma_2\rho_2\rho_3 \\
 \sigma_3\sigma_1\rho_1\rho_2 & \sigma_3\sigma_2\rho_2 & \sigma_3^2 & \sigma_4\sigma_3\rho_3 \\
 \sigma_4\sigma_1\rho_1\rho_2\rho_3 & \sigma_4\sigma_2\rho_2\rho_3 & \sigma_4\sigma_3\rho_3 & \sigma_4^2
 \end{pmatrix}$$

AR(1)。 これは均質の分散の 1 次自己回帰構造です。任意の 2 つの要素間の相関は、要素が近傍する場合はローに等しく、要素が 3 番目の要素で分離されている場合はロー² となり、以下同様に続きます。 $-1 < \rho < 1$ になるように制限されます。

$$\begin{pmatrix}
 \sigma^2 & \sigma^2\rho & \sigma^2\rho^2 & \sigma^2\rho^3 \\
 \sigma^2\rho & \sigma^2 & \sigma^2\rho & \sigma^2\rho^2 \\
 \sigma^2\rho^2 & \sigma^2\rho & \sigma^2 & \sigma^2\rho \\
 \sigma^2\rho^3 & \sigma^2\rho^2 & \sigma^2\rho & \sigma^2
 \end{pmatrix}$$

AR(1)：異質。 これは不均質の分散の 1 次自己回帰構造です。任意の 2 つの要素間の相関は要素が近傍する場合は r に等しく、2 つの要素が 3 番目の要素で分離されている場合は r^2 となり、以下同様に続きます。 -1 から 1 になるように制限されます。

$$\begin{pmatrix}
 \sigma_1^2 & \sigma_2\sigma_1\rho & \sigma_3\sigma_1\rho^2 & \sigma_4\sigma_1\rho^3 \\
 \sigma_2\sigma_1\rho & \sigma_2^2 & \sigma_3\sigma_2\rho & \sigma_4\sigma_2\rho^2 \\
 \sigma_3\sigma_1\rho^2 & \sigma_3\sigma_2\rho & \sigma_3^2 & \sigma_4\sigma_3\rho \\
 \sigma_4\sigma_1\rho^3 & \sigma_4\sigma_2\rho^2 & \sigma_4\sigma_3\rho & \sigma_4^2
 \end{pmatrix}$$

ARMA(1,1)。 これは 1 次自己回帰の移動平均構造です。均質の分散があります。2 つ要素間の相関は要素が近傍する場合は $*$ に等しく、要素が 3 番目の要素で分離されている場合は $*^2$ となり、以下同様に続きます。それぞれ自己回帰および移動平均パラメーターであり、値は -1 から 1 の間に制限されます。

$$\begin{pmatrix}
 \sigma^2 & \sigma^2\varphi\rho & \sigma^2\varphi\rho^2 & \sigma^2\varphi\rho^3 \\
 \sigma^2\varphi\rho & \sigma^2 & \sigma^2\varphi\rho & \sigma^2\varphi\rho^2 \\
 \sigma^2\varphi\rho^2 & \sigma^2\varphi\rho & \sigma^2 & \sigma^2\varphi\rho
 \end{pmatrix}$$

$(\sigma^2\varphi\rho^3$	$\sigma^2\varphi\rho^2$	$\sigma^2\varphi\rho$	$\sigma^2)$
--------------------------	-------------------------	-----------------------	-------------

複合対称性。 この構造には定数分散および定数共分散があります。

$(\sigma^2 + \sigma_1^2$	σ_1	σ_1	$\sigma_1)$
$(\sigma_1$	$\sigma^2 + \sigma_1^2$	σ_1	$\sigma_1)$
$(\sigma_1$	σ_1	$\sigma^2 + \sigma_1^2$	$\sigma_1)$
$(\sigma_1$	σ_1	σ_1	$\sigma^2 + \sigma_1^2)$

複合対称性：相関メトリック。 この共分散構造には均質の分散および要素間の均質の相関があります。

$(\sigma^2$	$\sigma^2\rho$	$\sigma^2\rho$	$\sigma^2\rho)$
$(\sigma^2\rho$	σ^2	$\sigma^2\rho$	$\sigma^2\rho)$
$(\sigma^2\rho$	$\sigma^2\rho$	σ^2	$\sigma^2\rho)$
$(\sigma^2\rho$	$\sigma^2\rho$	$\sigma^2\rho$	$\sigma^2)$

複合対称性：不均質。 この共分散構造には不均質の分散および要素間の定数相関があります。

$(\sigma_1^2$	$\sigma_2\sigma_1\rho$	$\sigma_3\sigma_1\rho$	$\sigma_4\sigma_1\rho)$
$(\sigma_2\sigma_1\rho$	σ_2^2	$\sigma_3\sigma_2\rho$	$\sigma_4\sigma_2\rho)$
$(\sigma_3\sigma_1\rho$	$\sigma_3\sigma_2\rho$	σ_3^2	$\sigma_4\sigma_3\rho)$
$(\sigma_4\sigma_1\rho$	$\sigma_4\sigma_2\rho$	$\sigma_4\sigma_3\rho$	$\sigma_4^2)$

斜め。 この共分散構造には不均質の分散があり、要素間の相関はゼロです。

$(\sigma_1^2$	0	0	0)
(0	σ_2^2	0	0)
(0	0	σ_3^2	0)
(0	0	0	$\sigma_4^2)$

直接製品 AR1 (UN_AR1)。 1つの無構造行列ともう1つの1次自己回帰共分散行列のクロネッカー積を指定します。最初の無構造行列は、多変量観測をモデル化します。2番目の1次自己回帰共分散構造は、時間または別の因子によるデータ共分散をモデル化します。

構造化されていない直接製品 (UN_UN)。 2つの無構造行列のクロネッカー積を指定します。最初の無構造行列は、多変量観測をモデル化します。2番目の無構造行列は、時間または別の因子によるデータ共分散をモデル化します。

直積化合物の対称性 (UN_CS)。 1つの無構造行列ともう1つの複合対称共分散行列 (定数分散および定数共分散を含む) のクロネッカー積を指定します。最初の無構造行列は、多変量観測をモデル化します。2番目の複合対称共分散構造は、時間または別の因子によるデータ共分散をモデル化します。

因子分析：一次。 この共分散構造には不均質の分散があります。これは要素間で不均質な項、および要素間で均質な項から構成されます。任意の2要素間の共分散は不均質の分散項の積の平方根です。

$(\lambda_1^2 + d$	$\lambda_2\lambda_1$	$\lambda_3\lambda_1$	$\lambda_4\lambda_1)$
$(\lambda_2\lambda_1$	$\lambda_2^2 + d$	$\lambda_3\lambda_2$	$\lambda_4\lambda_2)$
$(\lambda_3\lambda_1$	$\lambda_3\lambda_2$	$\lambda_3^2 + d$	$\lambda_4\lambda_3)$
$(\lambda_4\lambda_1$	$\lambda_4\lambda_2$	$\lambda_4\lambda_3$	$\lambda_4^2 + d)$

因子分析：一次、不均一。 この共分散構造には不均質の分散があります。これは要素間で不均質な2項から構成されます。任意の2要素間の共分散は、不均質の分散項の最初の積の平方根です。

$(\lambda_1^2 + d_1$	$\lambda_2\lambda_1$	$\lambda_3\lambda_1$	$\lambda_4\lambda_1)$
$(\lambda_2\lambda_1$	$\lambda_2^2 + d_2$	$\lambda_3\lambda_2$	$\lambda_4\lambda_2)$
$(\lambda_3\lambda_1$	$\lambda_3\lambda_2$	$\lambda_3^2 + d_3$	$\lambda_4\lambda_3)$
$(\lambda_4\lambda_1$	$\lambda_4\lambda_2$	$\lambda_4\lambda_3$	$\lambda_4^2 + d_4)$

フィン=フェルト これは循環行列で、任意の2要素間の共分散は、分散の平均から定数を引いたものと等しくなります。分散も共分散も定数ではありません。

$(\sigma_1^2$	$[\sigma_1^2 + \sigma_2^2]/2 - \lambda$	$[\sigma_1^2 + \sigma_3^2]/2 - \lambda$	$[\sigma_1^2 + \sigma_4^2]/2 - \lambda)$
$([\sigma_1^2 + \sigma_2^2]/2 - \lambda$	σ_2^2	$[\sigma_2^2 + \sigma_3^2]/2 - \lambda$	$[\sigma_2^2 + \sigma_4^2]/2 - \lambda)$
$([\sigma_1^2 + \sigma_3^2]/2 - \lambda$	$[\sigma_2^2 + \sigma_3^2]/2 - \lambda$	σ_3^2	$[\sigma_3^2 + \sigma_4^2]/2 - \lambda)$
$([\sigma_1^2 + \sigma_4^2]/2 - \lambda$	$[\sigma_2^2 + \sigma_4^2]/2 - \lambda$	$[\sigma_3^2 + \sigma_4^2]/2 - \lambda$	$\sigma_4^2)$

スケールの大きなアイデンティティ。この構造には定数分散があります。どの要素間にも相関がないものと仮定されます。

$(\sigma^2$	0	0	0)
(0	σ^2	0	0)
(0	0	σ^2	0)
(0	0	0	$\sigma^2)$

空間：パワー。この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。dij は、i 番目と j 番目の測定値間の推定ユークリッド距離である。

$(\sigma^2$	$\sigma^2 \rho^{d_{12}}$	$\sigma^2 \rho^{d_{13}}$	$\sigma^2 \rho^{d_{14}})$
$(\sigma^2 \rho^{d_{12}}$	σ^2	$\sigma^2 \rho^{d_{23}}$	$\sigma^2 \rho^{d_{24}})$
$(\sigma^2 \rho^{d_{13}}$	$\sigma^2 \rho^{d_{23}}$	σ^2	$\sigma^2 \rho^{d_{34}})$
$(\sigma^2 \rho^{d_{14}}$	$\sigma^2 \rho^{d_{24}}$	$\sigma^2 \rho^{d_{34}}$	$\sigma^2)$

空間的：指数関数的。この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。dij は、i 番目と j 番目の測定値間の推定ユークリッド距離である。

$(\sigma^2$	$\sigma^2 \exp\{-d_{12}/\theta\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{13}/\theta\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{14}/\theta\})$
$(\sigma^2 \exp\{-d_{12}/\theta\}$	σ^2	$\sigma^2 \exp\{-d_{23}/\theta\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{24}/\theta\})$
$(\sigma^2 \exp\{-d_{13}/\theta\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{23}/\theta\}$	σ^2	$\sigma^2 \exp\{-d_{34}/\theta\})$
$(\sigma^2 \exp\{-d_{14}/\theta\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{24}/\theta\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{34}/\theta\}$	$\sigma^2)$

空間：ガウシアン この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。dij は、i 番目と j 番目の測定値間の推定ユークリッド距離である。

$(\sigma^2$	$\sigma^2 \exp\{-d_{12}/\rho^2\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{13}/\rho^2\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{14}/\rho^2\})$
$(\sigma^2 \exp\{-d_{12}/\rho^2\}$	σ^2	$\sigma^2 \exp\{-d_{23}/\rho^2\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{24}/\rho^2\})$
$(\sigma^2 \exp\{-d_{13}/\rho^2\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{23}/\rho^2\}$	σ^2	$\sigma^2 \exp\{-d_{34}/\rho^2\})$
$(\sigma^2 \exp\{-d_{14}/\rho^2\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{24}/\rho^2\}$	$\sigma^2 \exp\{-d_{34}/\rho^2\}$	$\sigma^2)$

空間的：リニア。この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。dij は、i 番目と j 番目の測定値間の推定ユークリッド距離であり、 ρ_{1ij} は、 $\rho_{dij} \leq 0$ の場合に 1、それ以外の場合に 0 となる指標関数である。

σ^2	$\sigma^2(1 - \rho d_{12}) 1_{12}$	$\sigma^2(1 - \rho d_{13}) 1_{13}$	$\sigma^2(1 - \rho d_{14}) 1_{14}$
$\sigma^2(1 - \rho d_{12}) 1_{12}$	σ^2	$\sigma^2(1 - \rho d_{23}) 1_{23}$	$\sigma^2(1 - \rho d_{24}) 1_{24}$
$\sigma^2(1 - \rho d_{13}) 1_{13}$	$\sigma^2(1 - \rho d_{23}) 1_{23}$	σ^2	$\sigma^2(1 - \rho d_{34}) 1_{34}$
$\sigma^2(1 - \rho d_{14}) 1_{14}$	$\sigma^2(1 - \rho d_{24}) 1_{24}$	$\sigma^2(1 - \rho d_{34}) 1_{34}$	σ^2

空間的：リニアログ。 この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。 d_{ij} は、 i 番目と j 番目の測定値間の推定ユークリッド距離であり、 1_{ij} は、 $\rho \log(d_{ij}) \leq 0$ の場合に 1、それ以外の場合に 0 となる指標関数である。

σ^2	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{12})) 1_{12}$	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{13})) 1_{13}$	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{14})) 1_{14}$
$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{12})) 1_{12}$	σ^2	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{23})) 1_{23}$	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{24})) 1_{24}$
$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{13})) 1_{13}$	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{23})) 1_{23}$	σ^2	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{34})) 1_{34}$
$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{14})) 1_{14}$	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{24})) 1_{24}$	$\sigma^2(1 - \rho \log(d_{34})) 1_{34}$	σ^2

空間的：球体。 この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。 $r_{ij} = d_{ij}/\rho$ 、ここで d_{ij} は i 番目と j 番目の測定値間の推定ユークリッド距離である。 1_{ij} は、 $d_{ij} \leq \rho$ の場合に 1 になり、それ以外の場合に 0 になる指示関数です。

σ^2	$\sigma^2(1 - 3/2r_{12} + 1/2r_{12}^3) 1_{12}$	$\sigma^2(1 - 3/2r_{13} + 1/2r_{13}^3) 1_{13}$	$\sigma^2(1 - 3/2r_{14} + 1/2r_{14}^3) 1_{14}$
$\sigma^2(1 - 3/2r_{12} + 1/2r_{12}^3) 1_{12}$	σ^2	$\sigma^2(1 - 3/2r_{23} + 1/2r_{23}^3) 1_{23}$	$\sigma^2(1 - 3/2r_{24} + 1/2r_{24}^3) 1_{24}$
$\sigma^2(1 - 3/2r_{13} + 1/2r_{13}^3) 1_{13}$	$\sigma^2(1 - 3/2r_{23} + 1/2r_{23}^3) 1_{23}$	σ^2	$\sigma^2(1 - 3/2r_{34} + 1/2r_{34}^3) 1_{34}$
$\sigma^2(1 - 3/2r_{14} + 1/2r_{14}^3) 1_{14}$	$\sigma^2(1 - 3/2r_{24} + 1/2r_{24}^3) 1_{24}$	$\sigma^2(1 - 3/2r_{34} + 1/2r_{34}^3) 1_{34}$	σ^2

トープリッツ この共分散構造には均質の分散および要素間の不均質の相関があります。近傍する要素間の相関は、近傍する要素のペア間で均質です。3 番目の要素で分離される要素間の相関も均質です。

σ^2	$\sigma^2\rho_1$	$\sigma^2\rho_2$	$\sigma^2\rho_3$
$\sigma^2\rho_1$	σ^2	$\sigma^2\rho_1$	$\sigma^2\rho_2$
$\sigma^2\rho_2$	$\sigma^2\rho_1$	σ^2	$\sigma^2\rho_1$
$\sigma^2\rho_3$	$\sigma^2\rho_2$	$\sigma^2\rho_1$	σ^2

トープリッツ：ヘテロジェナス。 この共分散構造には、不均質の分散および要素間の不均質の相関があります。近傍する要素間の相関は、近傍する要素のペア間で均質です。3 番目の要素で分離される要素間の相関も均質です。

σ_1^2	$\sigma_2\sigma_1\rho_1$	$\sigma_3\sigma_1\rho_2$	$\sigma_4\sigma_1\rho_3$
$\sigma_2\sigma_1\rho_1$	σ_2^2	$\sigma_3\sigma_2\rho_1$	$\sigma_4\sigma_2\rho_2$
$\sigma_3\sigma_1\rho_2$	$\sigma_3\sigma_2\rho_1$	σ_3^2	$\sigma_4\sigma_3\rho_1$
$\sigma_4\sigma_1\rho_3$	$\sigma_4\sigma_2\rho_2$	$\sigma_4\sigma_3\rho_1$	σ_4^2

構造化されていない。これは完全に一般的な共分散行列です。

σ_1^2	σ_{21}	σ_{31}	σ_{41}
σ_{21}	σ_2^2	σ_{32}	σ_{42}
σ_{31}	σ_{32}	σ_3^2	σ_{43}

$(\sigma_{41}$	σ_{42}	σ_{43}	σ_{42}^2
非構造化：相関メトリック。この共分散構造には不均質の分散および不均質の相関があります。			
$(\sigma_1^2$	$\sigma_2\sigma_1\rho_{21}$	$\sigma_3\sigma_1\rho_{31}$	$\sigma_4\sigma_1\rho_{41}$
$(\sigma_2\sigma_1\rho_{21}$	σ_2^2	$\sigma_3\sigma_2\rho_{32}$	$\sigma_4\sigma_2\rho_{42}$
$(\sigma_3\sigma_1\rho_{31}$	$\sigma_3\sigma_2\rho_{32}$	σ_3^2	$\sigma_4\sigma_3\rho_{43}$
$(\sigma_4\sigma_1\rho_{41}$	$\sigma_4\sigma_2\rho_{42}$	$\sigma_4\sigma_3\rho_{43}$	σ_4^2

分散コンポーネント。この構造は、指定した各ランダム効果にスケールされた単位 (ID) 構造を割り当てます。

ベイズ統計

IBM SPSS 統計は、以下のベイズ統計をサポートします。

1 サンプルの t 検定および対応のあるサンプルの t 検定

「ベイズの 1 サンプル推論」手続きは、事後分布を特性化して 1 サンプル t 検定および 2 サンプルの対応 t 検定でのベイズ推論を行うためのオプションを提供します。正規データがあるときは、正規事前確率を使用して、正規事後確率を取得できます。

2 項比率の検定

「ベイズの 1 サンプル推論: 2 項」手順には、2 項分布に対してベイズの 1 サンプル推論を実行するためのオプションが用意されています。対象のパラメータは π で、成功または失敗のいずれかにつながる可能性がある固定数の試行に成功する確率を示しています。各試行は互いに独立していて、確率 π は各試行で常に同じであることに注意してください。2 項ランダム変数は、独立したベルヌーイ試行の固定数の合計として表示できます。

ポアソン分布の分析

「ベイズの 1 サンプル推論: Poisson」手順には、ポアソン分布に対してベイズの 1 サンプル推論を実行するためのオプションが用意されています。稀なイベントに対して有用なモデルであるポアソン分布では、短い時間間隔内にイベントが発生する確率は、待ち時間の長さとは比例すると仮定しています。ガンマ分布ファミリー内の共役事前確率は、ポアソン分布上にベイズ統計推論を導き出すときに使用されません。

対応サンプル

ベイズの対応サンプル推論のデザインは、対応サンプルの処理方法の点で、ベイズの 1 サンプル推論と非常によく似ています。変数名をペアで指定し、平均差に対してベイズ分析を実行できます。

独立サンプルの t 検定

「ベイズ独立サンプル推論」手続きは、グループ変数を使用して、2 つの無関係なグループを定義し、2 つのグループ平均の差でのベイズ推論を行うためのオプションを提供します。さまざまなアプローチを使用して、ベイズ因子を推定できます。分散が既知または不明のいずれであるかを仮定して、目的の事後分布を特性化することもできます。

ペアごとの相関係数 (Pearson)

Pearson の相関係数についてのベイズ推論は、2 変量の正規分布に同時に従う 2 つのスケール変数の間の線型関係を測定します。この相関係数についての標準的な統計的推論に関してはこれまで広く検討が行われ、IBM SPSS Statistics ではこの推論が以前から実用化されています。Pearson の相関係数についてのベイズ推論は、ベイズ因子を推定し、事後分布を特性化することにより、ベイズ推論を描画できるように設計されています。

線型回帰

線型回帰に関するベイズ推論は、量的モデリングで広く使用されている統計手法です。線型回帰は、研究者が複数の変数の値を使用してスケール結果の値を説明または予測するための基本的かつ標準的なアプローチです。ベイズの 1 変量の線型回帰は、線型回帰のためのアプローチの 1 つであり、ベイズ推論のコンテキスト内で統計分析が行われます。

一元配置分散分析

「ベイズ一元配置分散分析」手続きは、単一の因子 (独立) 変数により、量的従属変数の一元配置分散分析を実行します。分散分析を使用して、一部の平均値は等しいという仮説を検定します。SPSS Statistics は、ベイズ因子、共役事前確率、および無情報事前分布をサポートしています。

対数線型回帰モデル (Log-Linear Regression Models)

2つの因子の独立性を検定するための設計は、分割表の構築のための2つのカテゴリ変数を必要とし、行と列との関連に対してベイズ推論を行います。さまざまなモデルを想定してベイズ因子を推定でき、交互作用項の同時信頼区間をシミュレートすることで、目的の事後分布の特性を示すことができます。

一元配置反復測定分散分析

ベイズ一元配置反復測定分散分析プロシーチャーは、それぞれの個別の時点または条件で同じ被験者から1つの因子を計測し、被験者が複数のレベルにわたることを許容します。各被験者は時点または条件ごとに1つの観測値を取ると想定します (そのため、被験者と治療の交互作用は考慮されません)。

ベイズの1サンプル推論: 正規

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

「ベイズの1サンプル推論: 正規」手順には、事後分布の特性を示すことで、1サンプル t 検定および2サンプルのペア t 検定に対してベイズ推論を行うためのオプションが用意されています。正規データがあるときは、正規事前確率を使用して、正規事後確率を取得できます。

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 >> 「ベイズ統計」 >> 「1 サンプルの2項検定」

2. 「使用可能な変数」リストから、適切な「検定変数」を選択します。変数グループは、少なくとも1つ選択する必要があります。

注: 使用可能な変数のリストには、日付変数と文字列変数を除くすべての変数が表示されます。

3. 目的の「ベイズ分析」を選択します。

- 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「ベイズ因子の推定」を選択すると、ベイズ因子 (ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ) を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H0: 帰無仮説

H1: 対立仮説

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。
4. 適切な「データ分散と仮説値」設定を選択または入力(あるいはその両方)します。「検定変数」リストに現在含まれている変数がテーブルに反映されます。「検定変数」リストで変数を追加または削除すると、テーブル内のその変数の列で、同じ変数の追加または削除が自動的に行われます。

- 「検定変数」リスト内に1つ以上の変数が存在する場合、「既知の変数 (Variable Known)」列と「分散値」列が有効になります。

既知の分散

分散が既知であるときは、各変数にこのオプションを選択します。

分散値

観測データの分散値(既知の場合)を指定するオプションパラメータ。

- 「検定変数」リスト内に1つ以上の変数が存在する状態で「事後分布の評価」を選択しなかった場合、「零のテスト値」列と「G値」列が有効になります。

零のテスト値

ベイズ因子の推定にヌル値を指定する必須パラメータ。指定できる値は1つのみであり、0がデフォルト値です。

G値

ベイズ因子の推定に $\psi^2 = g\sigma_x^2$ を定義する値を指定します。差異値が指定されている場合、g値はデフォルトで1になります。差異値が指定されていない場合は、固定のgを指定するか、値を省略してそれを統合することができます。

5. 必要に応じて、「基準」をクリックして97ページの『ベイズの1サンプル推論: 基準』の各種設定(信頼区間のパーセント、欠損値のオプション、数値的な方式の設定)を指定したり、「事前確率」をクリックして98ページの『ベイズ1サンプル推論: 正規事前確率』の各種設定(推論パラメーター、分散または精度を与えられた平均などの事前確率のタイプ)を指定したりすることができます。

ベイズの1サンプル推論: 基準

ベイズの1サンプル推論に対して、以下の分析基準を指定できます。

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は95%です。

欠損値

欠損値の制御方法を指定します。

ペアごとに除外

これはデフォルト設定です。欠損値が含まれているレコードが分析ごとに除外されます。特定の検定に使用されるフィールドに対して欠損値を含むレコードは、その検定から除外されます。

リストごとに除外

この設定により、欠損値を含むレコードがリストごとに除外されます。サブコマンドで指定したフィールドに対して欠損値を含むレコードは、すべての分析から除外されます。

注: 以下に示すオプションは、「ベイズ分析」で「ベイズ因子の推定」オプションまたは「両方の方法の使用」オプションを選択した場合のみ使用できます。

数値的な方法

積分の推定に使用する数値的方法を指定します。

適応ガウス ロバート求積

これはデフォルト設定です。適応ガウス ロバート求積法が呼び出されます。

¹ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J. 2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

² ジェフリーズ H. 1961年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

許容度

数値的方法の許容値を指定します。デフォルト設定は 0.000001 です。「**適応ガウス ロバート 求積**」設定を選択した場合のみ、このオプションを使用できます。

最大反復回数

適応ガウス ロバート 求積法の最大反復回数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト設定は 2000 です。「**適応ガウス ロバート 求積**」設定を選択した場合のみ、このオプションを使用できます。

モンテカルロ近似

このオプションを選択すると、モンテカルロ近似法が呼び出されます。

カスタム シードの設定

このオプションを選択すると、「シード」フィールドでカスタムのシード値を指定できます。

シード

モンテカルロ近似法用に設定するランダム シードを指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルトでは、ランダム シード値が割り当てられます。

モンテカルロ サンプルの数

モンテカルロ近似法でサンプルとして使用するポイントの数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト値は 1000000 です。このオプションは、「**モンテカルロ近似**」設定を選択したときのみ使用できます。

ベイズ 1 サンプル推論: 正規事前確率

ベイズ 1 サンプル推論に対して、以下に示す事前分布の基準を指定できます。

注: 事前確率を指定する必要性に疑問を持つ応用研究者も多くいることでしょう。参照事前確率を使用すれば、データが増加するに従って一般に事前確率が優勢になる懸念が最小限に抑えられます。有用な事前確率の情報を指定すれば、ベイズ法でその情報を効果的に使用できます。事前確率を指定する必要があるという理由でベイズ分析の活用をためらうべきではありません。

分散/精度の事前確率

分散と精度の値を定義するためのオプションを提供します。

分散

分散パラメータの事前分布を指定するために選択します。このオプションを選択すると、「**事前分布**」リストに次のオプションが表示されます。

注: 一部の変数に対してデータ分散が既に指定されている場合、それらの変数については次の設定は無視されます。

- **拡散** - デフォルト設定。拡散事前確率を指定します。
- **逆カイ 2 乗** - 逆 $\chi^2(v_0, \sigma^2_0)$ の分布およびパラメータを指定します。ここで、 $v_0 > 0$ は自由度であり、 $\sigma^2_0 > 0$ は尺度パラメータです。
- **逆ガンマ** - 逆ガンマ (α_0, β_0) の分布とパラメータを指定します。ここで、 α_0 (0 より大きい) は形状パラメータ、 β_0 (0 より大きい) は尺度パラメータです。
- **Jeffreys S2** - 無情報事前分布 $\propto 1/\sigma^2_0$ を指定します。
0。
- **Jeffreys S4** - 無情報事前分布 $\propto 1/\sigma^4_0$ を指定します。

精度

精度パラメータの事前分布を指定するために選択します。このオプションを選択すると、「**事前分布**」リストに次のオプションが表示されます。

- **ガンマ** - ガンマ (α_0, β_0) の分布とパラメータを指定します。ここで、 α_0 (0 より大きい) は形状パラメータ、 β_0 (0 より大きい) は尺度パラメータです。
- **カイ 2 乗** - $\chi^2(v_0)$ の分布とパラメータを指定します。ここで、 v_0 (0 より大きい) は自由度です。

形状パラメーター

逆ガンマ分布の形状パラメータ α_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。

尺度パラメータ(A)

逆ガンマ分布の尺度パラメータ b_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。スケール・パラメーターが大きいほど、分布が分散されます。

指定された分散/精度の平均の事前確率

分散または精度パラメータを条件とする平均パラメータの事前分布を指定します。

標準

分散に基づいた正規 ($\mu_0, K^{-1}_0\sigma^2_0$) または精度に基づいた正規 ($\mu_0, K_0/\sigma^2_0$) の分布およびパラメータを指定します。ここで、 $\mu_0 \in (-\infty, \infty)$ および $\sigma^2 > 0$ です。

位置パラメータ

分布の位置パラメータを指定する数値を入力します。

尺度パラメータ(A)

逆ガンマ分布の尺度パラメータ b_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。

カッパ

標準 ($\mu_0, K_{-1}0\sigma^2_0$) の K_0 か標準 ($\mu_0, K_0/\sigma^2_0$) の値を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります (1 がデフォルト値です)。

拡散

拡散事前確率 α 1 を指定するデフォルト設定。

ベイズの1サンプル推論: 2項

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

「ベイズの1サンプル推論: 2項」手順には、2項分布に対してベイズの1サンプル推論を実行するためのオプションが用意されています。対象のパラメータは π で、成功または失敗のいずれかにつながる可能性がある固定数の試行に成功する確率を示しています。各試行は互いに独立していて、確率 π は各試行で常に同じであることに注意してください。2項ランダム変数は、独立したベルヌーイ試行の固定数の合計として表示できます。

必須ではありませんが、2項パラメーターを推定するときには、通常、ベータ分布ファミリーからの事前確率が選択されます。ベータファミリーは、2項ファミリーに対して共役であるため、閉形式の事後分布は引き続きベータ分布ファミリーに属します。

1. メニューから次の項目を選択します。

分析 > ベイズ統計 > 1つのサンプル 2項

2. 「使用可能な変数」リストから、適切な「検定変数」を選択します。変数グループは、少なくとも1つ選択する必要があります。

注: 使用可能な変数のリストには、日付変数と文字列変数を除くすべての変数が表示されます。

3. 目的の「ベイズ分析」を選択します。

- 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「ベイズ因子の推定」を選択すると、ベイズ因子 (ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ) を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H_0 : 帰無仮説

H_1 : 対立仮説

3

4

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。
4. 該当する「成功のカテゴリと仮説値」設定を選択または入力 (あるいはその両方) します。「検定変数」リストに現在含まれている変数がテーブルに反映されます。「検定変数」で変数を追加または削除すると、テーブル内のその変数ペアの列で、同じ変数の追加または削除が自動的に行われます。
- 「ベイズ分析」に対して「事後分布の評価」を選択すると、「成功のカテゴリ」列が有効になります。
 - 「ベイズ分析」に対して「ベイズ因子の推定」または「両方の方法の使用」を選択すると、編集可能なすべての列が有効になります。

NULL 点

「NULL 比率」オプションを有効および無効にします。この設定が有効になっている場合、「零事前確率形状」オプションおよび「零事前確率尺度」オプションは両方とも無効になります。

零事前確率形状

2 項推論の帰無仮説での形状パラメータ a_0 を指定します。

零事前確率尺度

2 項推論の帰無仮説での尺度パラメータ b_0 を指定します。

NULL 比率

(ベータ事前確率および Haldane の事前確率に適応するように) 共役事前分布の帰無仮説での形状パラメータ a_0 および尺度パラメータ b_0 を指定します。有効な範囲は 0 から 1 までの数値です。

代替事前確率形状

ベイズ因子を推定する場合に、2 項推論の対立仮説での a_0 を指定するための必須パラメータ。

代替事前確率尺度

ベイズ因子を推定する場合に、2 項推論の対立仮説での b_0 を指定するための必須パラメータ。

成功のカテゴリ

共役事前分布を定義するためのオプションを提供します。提供されるオプションは、数値変数と文字列変数について、検定値に対してデータ値を検定するときの成功の定義を指定します。

最後のカテゴリ

数値を昇順に並べ替えた後にカテゴリで見つかった最後の数値を使用して 2 項検定を実行するデフォルトの設定。

³ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J.。2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

⁴ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

最初のカテゴリー

数値を昇順に並べ替えた後にカテゴリで見つかった最初の数値を使用して2項検定を実行します。

中点

ケースとして、数値 \geq 中点を使用します。中点の値は、最小サンプルデータと最大サンプルデータの平均です。

分割点

指定された分割点の値より大きいかまたは等しい数値をケースとして使用します。設定は、単一の数値である必要があります。

レベル

ユーザー指定の文字列値 (複数の場合あり) をケースとして扱います。複数の値を区切るには、コンマを使用します。

5. オプションで「**基準**」をクリックして 97 ページの『**ベイズの1サンプル推論: 基準**』の設定 (信頼区間のパーセント、欠損値のオプション、数値的方法の設定など) を指定したり、「**事前確率**」をクリックして 101 ページの『**ベイズ1サンプル推論: 2項/Poisson 事前確率**』の設定 (共役事前分布、ユーザー指定の事前分布など) を指定したりできます。

ベイズ1サンプル推論: 2項/Poisson 事前確率

ベイズ1サンプル推論に対して、以下に示す事前分布の基準を指定できます。

注: 事前確率を指定する必要性に疑問を持つ応用研究者も多くいることでしょう。参照事前確率を使用すれば、データが増加するに従って一般に事前確率が優勢になる懸念が最小限に抑えられます。有用な事前確率の情報を指定すれば、ベイズ法でその情報を効果的に使用できます。事前確率を指定する必要があるという理由でベイズ分析の活用をためらうべきではありません。

形状パラメーター

2項事前確率の場合は、ベータ分布の形状パラメーター a_0 を指定します。

Poisson 事前確率の場合は、ガンマ分布の形状パラメーター a_0 を指定します。

0より大きい単一の値を入力する必要があります。

尺度パラメーター(A)

2項事前確率の場合は、ベータ分布の尺度パラメーター b_0 を指定します。

Poisson 事前確率の場合は、ガンマ分布の尺度パラメーター b_0 を指定します。

0より大きい単一の値を入力する必要があります。

ベイズの1サンプル推論: Poisson

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

「ベイズの1サンプル推論: Poisson」手順には、ポアソン分布に対してベイズの1サンプル推論を実行するためのオプションが用意されています。稀なイベントに対して有用なモデルであるポアソン分布では、短い時間間隔内にイベントが発生する確率は、待ち時間の長さと同様に比例すると仮定しています。ガンマ分布ファミリー内の共役事前確率は、ポアソン分布上にベイズ統計推論を導き出すときに使用されます。

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「ベイズ統計」 > 「1サンプルのポアソン分布」

2. 「使用可能な変数」リストから、適切な「検定変数」を選択します。変数グループは、少なくとも1つ選択する必要があります。

注: 使用可能な変数のリストには、日付変数と文字列変数を除くすべての変数が表示されます。

3. 目的の「ベイズ分析」を選択します。

- 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。

- 「**ベイズ因子の推定**」を選択すると、ベイズ因子(ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ)を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H_0 : 帰無仮説

H_1 : 対立仮説

5

6

- 「**両方の方法の使用**」を選択すると、「**事後分布の評価**」推論方式と「**ベイズ因子の推定**」推論方式の両方が使用されます。
4. 該当する「**仮説値**」設定を選択または入力(あるいはその両方)します。「**検定変数**」リストに現在含まれている変数がテーブルに反映されます。「**検定変数**」で変数を追加または削除すると、テーブル内のその変数ペアの列で、同じ変数の追加または削除が自動的に行われます。

- 「**ベイズ分析**」として「**事後分布の評価**」を選択されている場合は、いずれの列も有効になりません。
- 「**ベイズ分析**」に対して「**ベイズ因子の推定**」または「**両方の方法の使用**」を選択すると、編集可能なすべての列が有効になります。

NULL 点

「**NULL 率**」オプションを有効および無効にします。この設定が有効になっている場合、「**零事前確率形状**」オプションおよび「**零事前確率尺度**」オプションは両方とも無効になります。

零事前確率形状

ポアソン推論の帰無仮説での形状パラメータ a_0 を指定します。

零事前確率尺度

ポアソン推論の帰無仮説での尺度パラメータ b_0 を指定します。

Null 率

(ポアソン・ガンマ関係に適合するように) 共役事前分布の帰無仮説での形状パラメータ a_0 および尺度パラメータ b_0 を指定します。最小値は 0 より大きい数値である必要があります。最大値は最大倍精度値である必要があります。

代替事前確率形状

ベイズ因子を推定する場合に、ポアソン推論の対立仮説での a_1 を指定するための必須パラメータ。

代替事前確率尺度

ベイズ因子が推定される場合に、ポアソン推論の対立仮説での b_1 を指定する必須パラメータ。

⁵ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J. 2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

⁶ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

- オプションで「**基準**」をクリックして 97 ページの『**ベイズの 1 サンプル推論: 基準**』の設定 (信頼区間のパーセント、欠損値のオプション、数値的方法の設定など) を指定したり、「**事前確率**」をクリックして 101 ページの『**ベイズ 1 サンプル推論: 2 項/Poisson 事前確率**』の設定 (共役事前分布、ユーザー指定の事前分布など) を指定したりできます。

ベイズの対応サンプル推論: 正規

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

「ベイズの対応サンプル推論: 正規」手順には、対応サンプルのためのベイズ 1 サンプル推論オプションが用意されています。変数名をペアで指定し、平均差に対してベイズ分析を実行できます。

- メニューから次の項目を選択します。

分析 > ベイズ統計 > 関連サンプルの通常

- 「**使用可能な変数**」リストから、適切な「**対応のある変数**」を選択します。少なくとも 1 つの対応するソース変数を選択する必要があります。特定の対応セットに対して、2 つより多いソース変数は選択できません。

注: 使用可能な変数のリストには、文字列変数を除くすべての変数が表示されます。

- 目的の「**ベイズ分析**」を選択します。

- 「**事後分布の評価**」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「**ベイズ因子の推定**」を選択すると、ベイズ因子 (ベイズ推論のよく知られた方法論の 1 つ) を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

表 5. 証拠の有意確率を定義するために一般的に使用されるしきい値

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H0: 帰無仮説

H1: 対立仮説

7

8

- 「**両方の方法の使用**」を選択すると、「**事後分布の評価**」推論方式と「**ベイズ因子の推定**」推論方式の両方が使用されます。

⁷ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J.。2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

⁸ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

4. 適切な「**データ分散と仮説値**」設定を選択または入力(あるいはその両方)します。テーブルは、「**対応のある変数**」リストに現在ある変数組(変数対)が反映されます。「**対応のある変数**」リストで変数組(変数対)を追加または削除すると、テーブル内のその変数組(変数対)の列で、同じ変数組(変数対)の追加または削除が自動的に行われます。

- 「**対応のある変数**」リスト内に1つ以上の変数組(変数対)が存在するときは、「**既知の分散**」列と「**分散値**」列が有効になります。

既知の分散

分散が既知であるときは、各変数にこのオプションを選択します。

分散値

観測データの分散値(既知の場合)を指定するオプションパラメータ。

- 「**対応のある変数**」リスト内に1つ以上の変数組(変数対)が存在する状態で「**事後分布の評価**」を選択しないときは、「**零のテスト値**」列と「**G値**」列が有効になります。

零のテスト値

ベイズ因子の推定にヌル値を指定する必須パラメータ。指定できる値は1つのみであり、0がデフォルト値です。

G値

ベイズ因子の推定に $\psi^2 = g\sigma^2_x$ を定義する値を指定します。**差異値**が指定されている場合、**g値**はデフォルトで1になります。**差異値**が指定されていない場合は、固定のgを指定するか、値を省略してそれを統合することができます。

5. オプションで「**基準**」をクリックして97ページの『**ベイズの1サンプル推論: 基準**』の設定(信頼区間のパーセント、欠損値のオプション、数値的方法の設定など)を指定したり、「**事前確率**」をクリックして101ページの『**ベイズ1サンプル推論: 2項/Poisson 事前確率**』の設定(共役事前分布、ユーザー指定の事前分布など)を指定したりできます。

ベイズ独立サンプル推論

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

「ベイズ独立サンプル推論」手続きは、グループ変数を使用して、2つの無関係なグループを定義し、2つのグループ平均の差でのベイズ推論を行うためのオプションを提供します。さまざまなアプローチを使用して、ベイズ因子を推定できます。分散が既知または不明のいずれであるかを仮定して、目的の事後分布を特性化することもできます。

1. メニューから次の項目を選択します。

「**分析**」 >> 「**ベイズ統計**」 >> 「**独立したサンプルの検定(一般)**」

2. ソース変数リストで、適切な「**検定変数**」を選択します。1つ以上のソース変数を選択する必要があります。
3. 「**使用可能な変数**」リストから、適切な「**グループ化変数**」を選択します。グループ化変数は、対応のないt検定の2つのグループを定義します。グループ化変数として、数値変数または文字列変数のいずれかを選択できます。
4. 目的の「**ベイズ分析**」を選択します。

- 「**事後分布の評価**」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「**ベイズ因子の推定**」を選択すると、ベイズ因子(ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ)を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H0: 帰無仮説

H1: 対立仮説

9

10

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。
5. 「グループの定義」オプションを使用して、2つの値を指定するか(文字列変数の場合)、2つの値、中点、または分割点を指定して(数値変数の場合)、*t* 検定を行う2つのグループを定義します。

注: 指定された値は、変数内に存在する必要があります。存在しない場合は、少なくとも1つのグループが空であることを示すエラー・メッセージが表示されます。

数値変数の場合:

- **特定の値を使用** グループ1に値を入力し、グループ2に別の値を入力します。それ以外の値を持つケースは、分析から除外されます。数値は整数でなくてもかまいません(例えば、6.25や12.5などでもかまいません)。
- **中点値を使用する**。選択すると、グループは、「< 中点値」であるグループと「≥ 中点値」であるグループに分離されます。
- **カットポイントを使う**。
 - **分割点**。グループ化変数の値を2つのグループに分割する数値を入力します。分割点未満の値を持つすべてのケースが一方のグループを形成し、分割点以上の値のケースを持つケースがもう一方のグループを形成します。

文字列のグループ化変数の場合は、グループ1のストリングを入力し、グループ2の場合は「はい」や「いいえ」などの別の値を入力します。他のストリングを持つケースは分析から除外されます。

6. 必要に応じて、「基準」をクリックして106ページの『[ベイズ独立サンプル推論: 基準](#)』の各種設定(信頼区間のパーセント、欠損値のオプション、適応求積公式の設定)を指定したり、「事前確率」をクリックして106ページの『[ベイズ独立サンプル推論: 事前確率分布](#)』の各種設定(データ分散、分散の事前確率、分散の条件付き平均の事前確率)を指定したり、「ベイズ因子の推定」をクリックして107ページの『[ベイズ独立サンプル推論: ベイズ因子の推定](#)』の各種設定を指定したりできます。

⁹ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J. 2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

¹⁰ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

バイズ独立サンプル推論: グループの定義 (数値)

数値型のグループ化変数の場合、2つの値、中点、または分割点を指定して、*t* 検定を行う2つのグループを定義します。

注: 指定された値は、変数内に存在する必要があります。存在しない場合は、少なくとも1つのグループが空であることを示すエラー・メッセージが表示されます。

- **特定の値を使用** グループ1に値を入力し、グループ2に別の値を入力します。それ以外の値を持つケースは、分析から除外されます。数値は整数でなくてもかまいません(例えば、6.25や12.5などでもかまいません)。
- **中点値を使用する**。選択すると、グループは、「< 中点値」であるグループと「≥ 中点値」であるグループに分離されます。
- **カットポイントを使う**。
 - **分割点**。グループ化変数の値を2つのグループに分割する数値を入力します。分割点未満の値を持つすべてのケースが一方のグループを形成し、分割点以上の値のケースを持つケースがもう一方のグループを形成します。

バイズ独立サンプル推論: グループの定義 (文字列)

文字列のグループ化変数の場合は、グループ1のストリングを入力し、グループ2の場合は「はい」や「いいえ」などの別の値を入力します。他のストリングを持つケースは分析から除外されます。

注: 指定された値は、変数内に存在する必要があります。存在しない場合は、少なくとも1つのグループが空であることを示すエラー・メッセージが表示されます。

バイズ独立サンプル推論: 基準

バイズ独立サンプル推論に対して、次に示す分析基準を指定できます。

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は95%です。

欠損値

欠損値の制御方法を指定します。

ペアごとに除外

これはデフォルト設定です。欠損値が含まれているレコードが分析ごとに除外されます。特定の検定に使用されるフィールドに対して欠損値を含むレコードは、その検定から除外されます。

リストごとに除外

この設定により、欠損値を含むレコードがリストごとに除外されます。サブコマンドで指定したフィールドに対して欠損値を含むレコードは、すべての分析から除外されます。

注: 以下に示すオプションは、「バイズ分析」で「バイズ因子の推定」オプションまたは「両方の方法の使用」オプションを選択した場合のみ使用できます。

適応求積公式

適応求積公式の許容度と最大反復回数の値を指定します。

許容度

数値的方法の許容値を指定します。デフォルト設定は0.000001です。

最大反復回数

適応求積公式の最大反復回数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルトの設定は500です。

バイズ独立サンプル推論: 事前確率分布

バイズ独立サンプル推論に対して、次に示す事前分布の基準を指定できます。

注: 事前確率を指定する必要性に疑問を持つ応用研究者も多くいることでしょう。参照事前確率を使用すれば、データが増加するに従って一般に事前確率が優勢になる懸念が最小限に抑えられます。有用な事前

確率の情報を指定すれば、ベイズ法でその情報を効果的に使用できます。事前確率を指定する必要があるという理由でベイズ分析の活用をためらうべきではありません。

データ分散

データ分散の設定を定義するためのオプションを提供します。

既知の分散

選択すると、2つの既知のグループ分散を入力できます。値は両方とも > 0 である必要があります。

グループ 1 の分散

最初の既知のグループ分散値を入力します。

グループ 2 の分散

2番目の既知のグループ分散値を入力します。

等分散を仮定する

2つのグループ分散が等しいと仮定されるかどうかを制御します。デフォルトでは、グループ分散は等しくないと仮定されます。この設定は、2つのグループ分散に値が入力されると無視されます。

不等分散を仮定する

2つのグループ分散が等しくないと仮定されるかどうかを制御します。デフォルトでは、グループ分散は等しくないと仮定されます。この設定は、2つのグループ分散に値が入力されると無視されます。

分散の事前確率

2つの等分散の事前分布を指定します。

Jeffreys

選択すると、パラメータ領域の無情報(目的)事前分布が使用されます。

Inverse-ChiSquare

逆 $\chi^2(v_0, \sigma^2_0)$ の正の値を持つランダム変数の連続確率分布とパラメータを指定します。ここで、 $v_0 > 0$ は自由度、 $\sigma^2_0 > 0$ は尺度パラメータです。

自由度

最終計算で自由に変動できる値の数の値を指定します。

尺度パラメータ(A)

逆 $\chi^2(v_0, \sigma^2_0)$ の尺度パラメータ $\sigma^2_0 > 0$ を指定します。0より大きい単一の値を入力する必要があります。スケール・パラメーターが大きいほど、分布が分散されます。

分散の条件付き平均の事前確率

2つのグループ平均の事前分布を指定するためのオプションを提供します。

注: 「拡散」オプションと「正規」オプションは、「既知の分散」オプションを選択したときのみ使用できます。

拡散

デフォルトの設定。拡散事前確率を指定します。

標準

選択すると、定義されているグループ平均の場所と尺度パラメータを指定する必要があります。

位置パラメータ

グループ分布の位置パラメータを指定する数値を入力します。

尺度パラメータ(A)

逆 $\chi^2(v_0, \sigma^2_0)$ の尺度パラメータ $\sigma^2_0 > 0$ を指定します。グループごとに、0より大きい1つの値を入力する必要があります。スケール・パラメーターが大きいほど、分布が分散されます。

ベイズ独立サンプル推論: ベイズ因子の推定

ベイズ因子を推定するために使用する手法を指定できます。

Rouder 法

選択すると、Rouder のアプローチが呼び出されます。これはデフォルト設定です。

Gonen 法

選択すると、Gonen のアプローチが呼び出されます。次の効果サイズの設定を指定する必要があります。

効果サイズの平均値

2つのグループの間の平均値の差を指定する値を入力します。

効果サイズの分散

2つのグループの分散を指定する値を入力します。値は >0 である必要があります。

超事前分布法

選択すると、超 g アプローチが呼び出されます。単一の値を指定する必要があります。「形状パラメータ」フィールドに -1 から -0.5 までの値を入力します。デフォルト値は -0.75 です。

Pearson の相関についてのベイズ推論

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

Pearson の相関係数は、2変量の正規分布に同時に従う2つのスケール変数間の線型関係を測定します。この相関係数についての標準的な統計的推論に関してはこれまで広く検討が行われ、IBM SPSS 統計ではこの推論が以前から実用化されています。Pearson の相関係数に関するベイズ推論の設計により、ユーザーは、ベイズ因子を推定し、事後分布の特性を示すことで、ベイズ推論を導き出すことができます。

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「ベイズ統計」 > 「Pearson の相関」

2. 「使用可能な変数」リストから、ペアごとの相関係数推論に使用する適切な「検定変数」を選択します。少なくとも2つのソース変数を選択する必要があります。2つより多くの変数を選択すると、選択した変数のペアごとの組み合わせすべてに対して分析が実行されます。
3. 目的の「ベイズ分析」を選択します。
 - 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
 - 「ベイズ因子の推定」を選択すると、ベイズ因子(ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ)を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H_0 : 帰無仮説

H_1 : 対立仮説

11

12

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。
- 出力に表示する「プロットの最大数」を指定します。プロットのセットには、同じペインに3つのプロットを含めることができます。プロットは、最初の変数とその他の変数との対比、次に2番目の変数とその他の変数との対比、以降同様の順で生成されます。定義される整数値は0から50の間である必要があります。デフォルトでは、5つの変数に対応して10セットのプロットが出力されます。このオプションは、「ベイズ因子の推定」を選択すると使用できません。
 - オプションで、「基準」をクリックして109ページの『Pearsonのベイズ相関: 基準』 「設定」(「信頼性のある間隔のパーセンテージ」、「欠損値のオプション」、および「数値方式の設定」)を指定するか、「事前確率」をクリックして事前確率109ページの『Pearsonのベイズ相関: 事前確率分布』 $p(\rho) \propto (1-\rho^2)^c$ に対する設定値 c を指定するか、「ベイズ因子」をクリックして107ページの『ベイズ独立サンプル推論: ベイズ因子の推定』 設定を指定することができます。

Pearsonのベイズ相関: 基準

Pearsonのベイズ相関推論(ペアごと)に対して、次の分析基準を指定できます。

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は95%です。

欠損値

欠損値の制御方法を指定します。

ペアごとに除外

この設定により、欠損値を含むレコードがペアごとに除外されます。

リストごとに除外

この設定により、欠損値を含むレコードがリストごとに除外されます。サブコマンドで指定したフィールドに対して欠損値を含むレコードは、すべての分析から除外されます。

注: 以下に示すオプションは、「ベイズ分析」で「ベイズ因子の推定」オプションまたは「両方の方法の使用」オプションを選択した場合のみ使用できます。

数値的な方法

積分の推定に使用する数値的方法を指定します。

カスタムシードの設定

このオプションを選択すると、「シード」フィールドでカスタムのシード値を指定できます。

許容度

数値的方法の許容値を指定します。デフォルト設定は0.000001です。

最大反復回数

手法の最大反復回数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト設定は2000です。

モンテカルロサンプルの数

モンテカルロ近似法でサンプルとして使用するポイントの数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト値は10000です。

事後分布用にシミュレートされたサンプル

目的の事後分布を導き出すために使用されるサンプル数を指定します。デフォルト値は10000です。

Pearsonのベイズ相関: 事前確率分布

事前確率 $p(\rho) \propto (1-\rho^2)^c$ の値 c を指定できます。

注: 事前確率を指定する必要性に疑問を持つ応用研究者も多くいることでしょう。参照事前確率を使用すれば、データが増加するに従って一般に事前確率が優勢になる懸念が最小限に抑えられます。有用な事前

¹¹ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J.。2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

¹² ジェフリーズ H. 1961年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

確率の情報を指定すれば、ベイズ法でその情報を効果的に使用できます。事前確率を指定する必要があるという理由でベイズ分析の活用をためらうべきではありません。

一様分布 (c = 0)

選択すると、一様分布が使用されます。

Jeffreys (c = -1.5)

選択すると、無情報事前分布が使用されます。

カスタム c 値の設定

選択すると、カスタムの「c 値」を指定できます。任意の単一の実数を指定できます。

Pearson のベイズ相関: ベイズ因子

ベイズ因子を推定するために使用する手法を指定できます。次のオプションは、「ベイズ因子の推定 (Estimate Bayes Factor)」ベイズ分析オプションまたは「両方の方式を使用 (Use Both Methods)」ベイズ分析オプションを選択したときにのみ使用できます。

JZS ベイズ因子

選択すると、Zellner-Siow の手法が起動されます。これはデフォルト設定です。

割合のベイズ因子

選択すると、割合のベイズ因子および帰無仮説値を指定できます。割合のベイズ因子の場合、値 $\in (0,1)$ を指定する必要があります。デフォルト値は 0.5 です。

線型回帰モデルについてのベイズ推論

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

回帰分析は、定量的モデリングで広く使用されている統計手法です。線型回帰は、研究者が複数の変数の値を使用してスケール結果の値を説明または予測するための基本的かつ標準的なアプローチです。ベイズの 1 変数の線型回帰は、線型回帰のためのアプローチの 1 つであり、ベイズ推論のコンテキスト内で統計分析が行われます。

回帰プロシージャを呼び出し、完全モデルを定義できます。

1. メニューから次の項目を選択します。

分析 > ベイズ統計 > 線型回帰

2. 「使用可能な変数」リストから、文字列以外の従属変数を 1 つ選択します。文字列以外の変数を 1 つ選択する必要があります。
3. 「使用可能な変数」リストから、モデルのカテゴリ因子変数を 1 つ以上選択します。
4. 「使用可能な変数」リストから、1 つ以上の文字列以外の共変量スケール変数を選択します。

注: 「因子」リストと「共変量」リストの両方を空にすることはできません。少なくとも 1 つの「因子」変数または「共変量」変数を選択する必要があります。

5. オプションで、「使用可能な変数」リストから、回帰重みとして機能する文字列以外の変数を 1 つ選択します。
6. 目的の「ベイズ分析」を選択します。
 - 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
 - 「ベイズ因子の推定」を選択すると、ベイズ因子 (ベイズ推論のよく知られた方法論の 1 つ) を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

表 8. 証拠の有意確率を定義するために一般的に使用されるしきい値

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H_0 : 帰無仮説

H_1 : 対立仮説

13

14

- ・「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。

オプションとして、以下を行うことができます。

- ・「基準」をクリックして、信頼区間のパーセントおよび数値的方法の設定を指定します。
- ・「事前確率」をクリックして、参照および共役事前分布の設定を定義します。
- ・「ベイズ因子」をクリックして、ベイズ因子の設定を指定します。
- ・「保存」をクリックして、保存する項目を指定し、モデル情報を XML ファイルに保存します。
- ・「予測」をクリックして、ベイズ予測のリグレッサを指定します。
- ・「作図」をクリックして、回帰パラメーターの事後分布、誤差項の分散、および予測値をプロットします。
- ・サンプリング元の母集団に最も適合するモデルを識別するために、「F 検定」をクリックして、統計モデルを比較します。

ベイズ線形回帰モデル: 基準

ベイズ線型回帰モデルに対して、次に示す分析基準を指定できます。

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は 95% です。

注: 以下に示すオプションは、「ベイズ分析」で「ベイズ因子の推定」オプションまたは「両方の方法の使用」オプションを選択した場合のみ使用できます。

数値的な方法

積分の推定に使用する数値的方法を指定します。

許容度

数値的方法の許容値を指定します。デフォルト設定は 0.000001 です。

¹³ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J.。2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

¹⁴ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

最大反復回数

手法の最大反復回数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト設定は2000です。

ベイズ線型回帰モデル: 事前確率分布

回帰パラメータと誤差の分散に対して、次の事前分布設定を指定できます。次のオプションは、「ベイズ分析」に対して「事後分布の評価」オプションを選択したときのみ使用できます。

注: 事前確率を指定する必要性に疑問を持つ応用研究者も多くいることでしょう。参照事前確率を使用すれば、データが増加するに従って一般に事前確率が優勢になる懸念が最小限に抑えられます。有用な事前確率の情報を指定すれば、ベイズ法でその情報を効果的に使用できます。事前確率を指定する必要があるという理由でベイズ分析の活用をためらうべきではありません。

参照

選択すると、参照分析で目標ベイズ推論が生成されます。推論ステートメントは、仮定したモデルと使用可能なデータにのみ依存します。推論を行うために使用されるのは最小情報事前分布です。これはデフォルト設定です。

共役

共役事前分布を定義するためのオプションを提供します。共役事前確率では、正規逆ガンマ結合分布が仮定されます。共役事前確率はベイズ更新に必須ではありませんが、計算プロセスに役立ちます。

注: 線形回帰モデルの共役事前確率を指定するには、「誤差の分散の事前確率」テーブルで、予想する回帰パラメータの平均値を設定します。「共分散行列の分散」の設定を使用して事前分散共分散を指定することもできます。

誤差の分散の事前確率

形状パラメーター

逆ガンマ分布の形状パラメーター a_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。

尺度パラメーター(A)

逆ガンマ分布の尺度パラメーター b_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。スケール・パラメーターが大きいほど、分布が分散されます。

このテーブルには回帰パラメータの平均値(切片を含む)がリストされます。この平均値は、定義されている回帰パラメータの平均ベクトル θ_0 を指定します。値の数は、切片項を含めた回帰パラメータの数と一致する必要があります。

最初の変数名は常に INTERCEPT です。2 番目の行以降は、「因子」と「共変量」によって指定される変数が「変数」列に自動的に設定されます。「平均」列には、デフォルト値は含まれません。

値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

共分散行列の分散: σ^2x

多変量正規事前確率の分散共分散行列内の下段の三角形に V_0 の値を指定します。 V_0 は半正定値である必要があります。各行の最後の値は正である必要があります。次の行には、前の行より1つ多くの値を指定する必要があります。参照カテゴリ(ある場合)には、値は指定しません。

値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

単位行列の使用

選択すると、計測された単位行列が使用されます。多変量正規事前確率の分散共分散行列内の下段の三角形に V_0 の値を指定することはできません。

ベイズ線形回帰モデル: ベイズ因子

ベイズ線型回帰モデルのベイズ因子を推定するために使用されるアプローチを含む、分析のモデル設計を指定できます。次のオプションは、「ベイズ因子の推定」ベイズ分析オプションまたは「両方の方法の使用」ベイズ分析オプションを選択したときのみ使用できます。

帰無仮説モデル

選択すると、帰無仮説モデルに基づいたベイズ因子が推定されます。これはデフォルト設定です。

すべてのモデル

選択すると、完全モデルに基づいたベイズ因子が推定され、使用する変数および追加の因子と共変量を選択できます。

変数

完全モデルで使用可能なすべての変数をリストします。

追加の因子

「変数」リストから、追加の因子として使用する変数を選択します。

追加の共変量 (Additional covariate(s))

「変数」リストから、追加の共変量として使用する変数を選択します。

計算

ベイズ因子を推定する手法を指定します。JZS 法がデフォルトの設定です。

JZS 法

選択すると、Zellner-Siow の手法が起動されます。これはデフォルト設定です。

Zellner 法

選択すると、Zellner の手法が呼び出されます。単一の g 事前確率値 > 0 を指定する必要があります (デフォルト値はありません)。

超事前分布法

選択すると、超 g 手法が呼び出されます。逆ガンマ分布の形状パラメータ a_0 を指定する必要があります。単一の値 > 0 を指定する必要があります (デフォルト値は 3 です)。

Rouder 法

選択すると、Rouder の手法が呼び出されます。逆ガンマ分布の尺度パラメータ b_0 を指定する必要があります。単一の値 > 0 を指定する必要があります (デフォルト値は 1 です)。

ベイズ線型回帰モデル: 保存

このダイアログでは、ベイズ予測分布に対してスコアリングされる統計を指定し、モデル結果を XML ファイルにエクスポートできます。

事後予測統計

ベイズ予測から派生する次の統計をスコアリングできます。

平均値

事後予測分布の平均値。

分散

事後予測分布の分散。

最頻値

事後予測分布の最頻値。

信用区間の下限

事後予測分布の信用区間の下限。

信用区間の上限

事後予測分布の信用区間の上限。

注: 各統計に、対応する変数名を割り当てることができます。

モデル情報を XML ファイルにエクスポート(X)

XML ファイルの名前と場所を入力して、スコアリングしたパラメータの分散共分散行列をエクスポートします。

ベイズ線形回帰モデル: 予測

予測分布を生成するためのリグレッサを指定できます。

ベイズ予測の回帰

このテーブルには、すべての使用可能なリグレッサがリストされます。「回帰」列は、特定の因子変数と共変量変数によって自動的に設定されます。リグレッサの値とともに観測ベクトルを指定しま

す。各リグレッサには1つの値または文字列を割り当てることができ、各リグレッサは1つのケースのみを予測できます。因子の場合は、値と文字列の両方を指定できます。

(「分析の実行」をクリックして) 予測を実行するためには、リグレッサ値をすべて指定するか、リグレッサ値を1つも指定しないでください。

因子変数または共変量変数が削除されると、対応するリグレッサ行がテーブルから削除されます。

共変量の場合は、数値のみを指定できます。因子の場合は、数値と文字列の両方を指定できます。

注: 定義された値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

ベイズ線形回帰モデル: プロット

出力されるプロットを制御できます。

共変量

現在定義されている共変量をリストします。

共変量のプロット

「共変量」リストから、プロットする共変量を選択し、「共変量のプロット」リストに追加します。

因子

現在定義されている因子をリストします。

因子のプロット

「因子」リストから、プロットする因子を選択し、「因子のプロット」リストに追加します。

プロットするカテゴリの最大数

プロットするカテゴリの最大数(単一の正の整数)を選択します。この設定はすべての因子に適用されます。デフォルトでは、各因子の最初の2つのレベルがプロットされます。

含めるプロット

定数項

選択すると、定数項がプロットされます。この設定は、デフォルトでは選択されていません。

誤差項の分散

選択すると、誤差の分散がプロットされます。この設定は、デフォルトでは選択されていません。

ベイズ予測分布

選択すると、予測分布がプロットされます。この設定は、デフォルトでは選択されていません。この設定は、有効なリグレッサ値を選択したときにのみ選択できます。

ベイズ線形回帰モデル: F 検定

1つ以上の偏相関F検定を作成できます。F検定とは、検定統計量が帰無仮説の下でF分布を持つすべての統計検定です。F検定は、通常、データのサンプリング元の母集団に最も適合するモデルを識別するために、データセットに適合された統計モデルを比較するときに使用されます。

使用可能な変数

メインの「ベイズ線形回帰 (Bayesian Linear Regression)」ダイアログから選択された因子変数および共変量変数をリストします。因子変数および共変量変数がメイン・ダイアログで追加または削除されると、リストがそれに従って更新されます。

検定変数

「使用可能な変数」リストから検定対象とする因子変数または共変量変数を選択し、それらを「検定変数」リストに追加します。

注: 検定の因子も共変量も選択しないときは、「定数項を含める」オプションを選択する必要があります。

検定変数とその値

検定する値を指定します。値の数は、元のモデル内のパラメータの数と一致する必要があります。値を指定するときは、定数項の最初の値を指定する必要があります(明示的に定義されていない場合は、すべての値が0であると仮定されます)。

定数項を含める

選択すると、定数項が検定に含まれます。デフォルトでは、この設定は選択されていません。

有効にするときは、「**検定値**」フィールドを使用して値を指定します。

検定のラベル(オプション)

オプションとして、各検定のラベルを指定できます。最大長が 255 バイトの文字列値を指定できます。各 F 検定で指定できるラベルは 1 つのみです。

ベイズ一元配置分散分析

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

「一元配置分散分析」手続きは、単一の因子(独立)変数により、量的従属変数の一元配置分散分析を実行します。分散分析を使用して、一部の平均値は等しいという仮説を検定します。SPSS Statistics は、ベイズ因子、共役事前確率、および無情報事前分布をサポートしています。

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 >> 「ベイズ統計」 >> 「一元配置分散分析」

2. 「使用可能な変数」リストから、単一の数値「**従属変数**」を選択します。少なくとも 1 つの変数を選択する必要があります。

3. 「使用可能な変数」リストから、モデルの単一の「**因子**」変数を選択します。少なくとも 1 つの「**因子**」変数を選択する必要があります。

4. 「使用可能な変数」リストから、回帰「**重み**」として使用する単一の文字列以外の変数を選択します。「**重み**」変数フィールドは空にしてもかまいません。

5. 目的の「**ベイズ分析**」を選択します。

- 「**事後分布の評価**」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「**ベイズ因子の推定**」を選択すると、ベイズ因子(ベイズ推論のよく知られた方法論の 1 つ)を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H0: 帰無仮説

H1: 対立仮説

15

¹⁵ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J. 2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。

オプションとして、以下を行うことができます。

- 「基準」をクリックして、信頼区間のパーセントおよび数値的方法の設定を指定します。
- 「事前確率」をクリックして、参照および共役事前分布の設定を定義します。
- 「ベイズ因子」をクリックして、ベイズ因子の設定を指定します。
- 「作図」をクリックして、出力されるプロットを制御します。

ベイズ一元配置分散分析: 基準

ベイズ一元配置分散分析モデルに対して、次の分析基準を指定できます。

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は 95% です。

注: 以下に示すオプションは、「ベイズ分析」で「ベイズ因子の推定」オプションまたは「両方の方法の使用」オプションを選択した場合のみ使用できます。

数値的な方法

積分の推定に使用する数値的方法を指定します。

許容度

数値的方法の許容値を指定します。デフォルト設定は 0.000001 です。

最大反復回数

手法の最大反復回数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト設定は 2000 です。

ベイズ一元配置分散分析: 事前確率

回帰パラメータと誤差の分散に対して、次の事前分布設定を指定できます。次のオプションは、「ベイズ分析」に対して「事後分布の評価」オプションを選択したときのみ使用できます。

注: 事前確率を指定する必要性に疑問を持つ応用研究者も多くいることでしょう。参照事前確率を使用すれば、データが増加するに従って一般に事前確率が優勢になる懸念が最小限に抑えられます。有用な事前確率の情報を指定すれば、ベイズ法でその情報を効果的に使用できます。事前確率を指定する必要があるという理由でベイズ分析の活用をためらうべきではありません。

参照

選択すると、参照分析で目標ベイズ推論が生成されます。推論ステートメントは、仮定したモデルと使用可能なデータにのみ依存します。推論を行うために使用されるのは最小情報事前分布です。これはデフォルト設定です。

共役

共役事前分布を定義するためのオプションを提供します。共役事前確率では、正規逆ガンマ結合分布が仮定されます。共役事前確率はベイズ更新に必須ではありませんが、計算プロセスに役立ちます。

誤差の分散の事前確率

形状パラメーター

逆ガンマ分布の形状パラメータ a_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。

尺度パラメータ(A)

逆ガンマ分布の尺度パラメータ b_0 を指定します。0 より大きい単一の値を入力する必要があります。スケール・パラメーターが大きいほど、分布が分散されます。

¹⁶ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

回帰パラメーターの事前確率

グループ平均の平均ベクトル β_0 を指定します。値の数は、切片項を含めた回帰パラメータの数と一致する必要があります。

「変数」列には、因子のレベルが自動的に設定されます。「平均」列には、デフォルト値は含まれません。

値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

共分散行列の分散: σ^2x

多変量正規事前確率の分散共分散行列内の下段の三角形に V_0 の値を指定します。 V_0 は半正定値である必要があります。テーブルの下段の三角形のみを指定する必要があります。

行と列には、因子のレベルが自動的に設定されます。対角値はすべて 1 で、非対角値はすべて 0 です。

値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

単位行列の使用

選択すると、単位行列が使用されます。多変量正規事前確率の分散共分散行列内の下段の三角形に V_0 の値を指定することはできません。

ベイズ一元配置分散分析: ベイズ因子

ベイズ一元配置分散分析モデルのベイズ因子を推定するために使用されるアプローチを指定できます。次のオプションは、「ベイズ因子の推定」ベイズ分析オプションまたは「両方の方法の使用」ベイズ分析オプションを選択したときにのみ使用できます。

計算

ベイズ因子を推定する手法を指定します。JZS 法がデフォルトの設定です。

JZS 法

選択すると、Zellner-Siow の手法が起動されます。これはデフォルト設定です。

Zellner 法

選択すると、Zellner の手法が呼び出されます。単一の g 事前確率値 > 0 を指定する必要があります (デフォルト値はありません)。

超事前分布法

選択すると、超 g 手法が呼び出されます。逆ガンマ分布の形状パラメータ a_0 を指定する必要があります (デフォルト値は 3 です)。

Rouder 法

選択すると、Rouder の手法が呼び出されます。逆ガンマ分布の尺度パラメータ b_0 を指定する必要があります。単一の値 > 0 を指定する必要があります (デフォルト値は 1 です)。

ベイズ一元配置分散分析: プロット

出力されるプロットを制御できます。

プロットグループ

プロットするサブグループを指定します。指定したグループの平均の尤度、事前確率、および事後確率をプロットします。「グループ」リストは因子変数のカテゴリのサブセットであるため、形式は因子のデータ型および実際の値と整合性を持つ必要があります。

誤差項の分散

選択すると、誤差の分散がプロットされます。この設定は、デフォルトでは選択されていません。このオプションは、「ベイズ分析」として「ベイズ因子の推定」を選択すると使用できません。

ベイズ対数線型モデル

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

2つの因子の独立性を検定するための設計は、分割表の構築のための2つのカテゴリ変数を必要とし、行と列との関連に対してベイズ推論を行います。さまざまなモデルを想定してベイズ因子を推定でき、交互作用項の同時信頼区間をシミュレートすることで、目的の事後分布の特性を示すことができます。

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「ベイズ統計」 > 「対数線形モデル」

2. 「使用可能な変数」リストから、単一のスケール以外の行変数を選択します。少なくとも1つのスケール以外の変数を選択する必要があります。

3. 「使用可能な変数」リストから、単一のスケール以外の列変数を選択します。少なくとも1つのスケール以外の変数を選択する必要があります。

4. 目的の「ベイズ分析」を選択します。

- 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「ベイズ因子の推定」を選択すると、ベイズ因子(ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ)を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

表 10. 証拠の有意確率を定義するために一般的に使用されるしきい値

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H_0 : 帰無仮説

H_1 : 対立仮説

17

18

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。

オプションとして、以下を行うことができます。

- 「基準」をクリックして、信頼区間のパーセントおよび数値的方法の設定を指定します。
- 「ベイズ因子」をクリックして、ベイズ因子の設定を指定します。
- 「印刷」をクリックして、出力テーブルでの内容の表示方法を指定します。

ベイズ対数線型モデル: 基準

ベイズ対数線型モデルに対して、以下に示す分析基準を指定できます。

¹⁷ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J.。2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

¹⁸ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は 95% です。

数値的な方法

積分の推定に使用する数値的方法を指定します。

カスタムシードの設定

このオプションを選択すると、「シード」フィールドでカスタムのシード値を指定できます。ランダムシードの設定値を指定してください。値は正の整数である必要があります。デフォルトでは、ランダムシード値が割り当てられます。

注：以下に示すオプションは、「ベイズ分析」で「ベイズ因子の推定」オプションまたは「両方の方法の使用」オプションを選択した場合のみ使用できます。

許容度

数値的方法の許容値を指定します。デフォルト設定は 0.000001 です。

最大反復回数

手法の最大反復回数を指定します。値は正の整数である必要があります。デフォルト設定は 2000 です。

事後分布にシミュレートされたサンプル

目的の事後分布を導き出すために使用されるサンプル数を指定します。デフォルト値は 10000 です。

フォーマット

カテゴリを「昇順」と「降順」のいずれの順序で表示するかを選択します。昇順がデフォルト設定です。

ベイズ対数線型モデル: ベイズ因子

観測データについて仮定されるモデル (ポアソン、多項、またはノンパラメトリック) を指定できます。多項分布がデフォルトの設定です。次のオプションは、「ベイズ因子の推定」ベイズ分析オプションまたは「両方の方法の使用」ベイズ分析オプションを選択したときのみ使用できます。

ポアソンモデル

選択すると、観測データについて Poisson モデルが仮定されます。

多項式モデル

選択すると、観測データについて多項式モデルが仮定されます。これはデフォルト設定です。

固定マージン

「総計」、「行の合計」、または「列の合計」を選択して、分割表の固定の周辺合計を指定します。「総計」がデフォルト設定です。

事前分布

ベイズ因子を推定するときの事前分布タイプを指定します。

共役

共役事前分布を指定するために選択します。「形状パラメータ」テーブルを使用して、ガンマ分布の形状パラメータ a_{rs} を指定します。事前分布タイプとして「共役」を選択するときは、形状パラメータを指定する必要があります。

単一の値を指定すると、すべての a_{rs} がこの値と等しいと仮定されます。 $a_{rs} = 1$ がデフォルト設定です。複数の値を指定する必要がある場合、空白スペースで値を区切ることができます。

各行と各列に指定する数値の数は、分割表の次元と一致する必要があります。指定する値はすべて 0 より大きくする必要があります。

値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

尺度パラメータ(A)

ガンマ分布の尺度パラメータ b を指定します。0 より大きい単一の値を指定する必要があります。

混合ディリクレ

混合ディリクレ事前分布を指定するために選択します。

固有

固有事前分布を指定するために選択します。

ノンパラメトリックモデル

選択すると、観測データについてノンパラメトリックモデルが仮定されます。

固定マージン

「行の合計」または「列の合計」を選択して、分割表の固定の周辺合計を指定します。「行の合計」がデフォルト設定です。

事前分布

ディリクレ事前分布のパラメータを指定します。「ノンパラメトリックモデル」を選択するときには、「事前分布」パラメータを指定する必要があります。単一の値を指定すると、すべての λ_s がこの値と等しいと仮定されます。 $\lambda_s = 1$ がデフォルトの設定です。複数の値を指定する必要がある場合、空白スペースで値を区切ることができます。指定する値はすべて0より大きくする必要があります。指定する数値の数は、分割表に対して固定ではない行または列の次元と一致する必要があります。

値をクリアするには、「戻す」をクリックします。

ベイズ対数線型モデル: 印刷

出力テーブルでの内容の表示方法を指定できます。

表デザイン

クロス集計表の非表示

選択すると、分割表が出力に含められません。この設定は、デフォルトでは有効になっていません。

注: 「クロス集計表の非表示」設定が有効なときは、次の設定が無効になります。

統計

独立性を検定するための統計を指定します。

カイ2乗

Pearson のカイ2乗統計、自由度、および両側漸近有意確率を計算するために選択します。2×2の分割表の場合、この設定により、Yates の連続修正統計、自由度、および関連付けられている両側漸近有意確率も計算されます。2×2の分割表で少なくとも1つの期待セル度数が5より小さい場合、この設定により、Fisher の直接法の両側および片側の正確な有意確率も計算されます。

尤度比

尤度比検定統計、自由度、および関連付けられている両側漸近有意確率を計算するために選択します。

度数

分割表に含める度数タイプを指定します。

観測

分割表に観測セル度数を含めるために選択します。

期待値

分割表に期待セル度数を含めるために選択します。

パーセンテージ

分割表に含めるパーセントタイプを指定します。

行

分割表に行パーセントを含めるために選択します。

列

分割表に列パーセントを含めるために選択します。

合計

分割表に合計パーセントを含めるために選択します。

ベイズ一元配置反復測定分散分析モデル

この機能を使用するには、SPSS Statistics Standard Edition または Advanced Statistics オプションが必要です。

ベイズ一元配置分散分析 (ANOVA) モデルでは、被験者ごとに1つの測定値があると想定します。ただし、この前提が常に成立するわけではありません。研究デザインの目的が複数の時点または条件にわたる平均的な回答の調査である場合も珍しくありません。ベイズ一元配置反復測定分散分析プロシージャは、それぞれの個別の時点または条件で同じ被験者から1つの因子を計測し、被験者が複数のレベルにわたることを許容します。各被験者は時点または条件ごとに1つの観測値を取ると想定します(そのため、被験者と治療の交互作用は考慮されません)。

1. メニューから次の項目を選択します。

分析 > ベイズ統計 > 片方向の繰り返し測定の分散分析

2. 「使用可能な変数」リストから少なくとも2つの「反復測定」変数を選択します。
3. 必要に応じて、回帰の「重み」とする変数1つを「使用可能な変数」リストから選択します。「重み」変数フィールドは空にしてもかまいません。

注: 使用可能な変数のリストには、文字列変数を除くすべての変数が表示されます。

4. 目的の「ベイズ分析」を選択します。

- 「事後分布の評価」を選択すると、事後分析の特性化による観点からベイズ推論が作成されます。他の局外パラメータを積分消去することにより、目的のパラメータの周辺事後分布を調査し、信頼区間をさらに詳細に構成して直接的な推論を導き出すことができます。これはデフォルト設定です。
- 「ベイズ因子の推定」を選択すると、ベイズ因子(ベイズ推論のよく知られた方法論の1つ)を推定することにより、帰無仮説と対立仮説間の周辺尤度を比較するための自然比率が構成されます。

表 11. 証拠の有意確率を定義するために一般的に使用されるしきい値

ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ	ベイズ因子	証拠のカテゴリ
>100	H1 に対する最高レベルの証拠	1-3	H1 に対する不確かな証拠	1/30-1/10	H0 に対する強い証拠
30-100	H1 に対する非常に強い証拠	1	証拠なし	1/100-1/30	H0 に対する非常に強い証拠
10-30	H1 に対する強い証拠	1/3-1	H0 に対する不確かな証拠	1/100	H0 に対する最高レベルの証拠
3-10	H1 に対する中程度の証拠	1/10-1/3	H0 に対する中程度の証拠		

H_0 : 帰無仮説

H_1 : 対立仮説

19

20

- 「両方の方法の使用」を選択すると、「事後分布の評価」推論方式と「ベイズ因子の推定」推論方式の両方が使用されます。

オプションとして、以下を行うことができます。

¹⁹ リー、M.D. とワーゲンメーカーズ、E.-J.。2013. *Bayesian Modeling for Cognitive Science: A Practical Course*. ケンブリッジ大学出版局

²⁰ ジェフリーズ H. 1961 年 *Theory of probability*. Oxford University Press.

- 「**基準**」をクリックして、信頼区間のパーセントおよび数値的方法の設定を指定します。
- 「**ベイズ因子**」をクリックして、ベイズ因子の設定を指定します。
- 「**作図**」をクリックすると、グループ平均の事後分布がプロットされます。

ベイズ一元配置反復測定分散分析: 基準

ベイズ一元配置反復測定分散分析モデルに対して、以下の分析基準を指定できます。

信頼区間のパーセント (%)

信頼区間を計算するための有意水準を指定します。デフォルトの水準は 95% です。

数値的な方法

積分の推定に使用する数値的方法を指定します。

カスタム シードの設定

このオプションを選択すると、「シード」フィールドでカスタムのシード値を指定できます。デフォルト値は 2,000,000 です。この値は 1 から 2,147,483,647 までの正整数である必要があります。デフォルトでは、ランダム シード値が割り当てられます。

モンテカルロ サンプルの数

モンテカルロ近似法でサンプルとして使用するポイントの数を指定します。この値は 10^3 から 10^6 までの正整数でなければなりません。デフォルト値は 30,000 です。

ベイズ一元配置反復測定分散分析: ベイズ因子

ベイズ一元配置反復測定分散分析モデルのベイズ因子を推定するために使用する手法を指定できます。次のオプションは、「**ベイズ因子の推定**」ベイズ分析オプションまたは「**両方の方法の使用**」ベイズ分析オプションを選択したときにのみ使用できます。

ベイズ情報量基準 (BIC)

反復測定計画に対する BIC 近似の拡張を使用してベイズ因子を推定します。この設定により、反復測定の相関のための効果的なサンプル・サイズが見積もられ、2つの競合モデル間で選択するための BIC を推定するときのより適切なペナルティー項が提示されます。これはデフォルト設定です。

Rouder の混合計画

標準化された効果サイズの事前分布としてコーシー分布の多変量一般化を使用し、分散に無情報事前分布を使用します。

注: このオプションを選択すると、グローバルな度数の重み設定および回帰重みが無視されます。

ベイズ一元配置反復測定分散分析: プロット

出力するプロットを調節して、グループ平均の事後分布を図示できます。この表には、「**変数**」ダイアログで反復測定として選択されたすべての変数がリストされます。プロットする反復測定変数を選択してください。

カーネル Ridge 回帰

カーネル・リッジ回帰は、Python `sklearn.kernel_ridge.KernelRidge` クラスを使ってカーネル・リッジ回帰モデルを推定する拡張手続きです。カーネル・リッジ回帰モデルは、予測変数と結果の間の線形および非線形の関係をモデル化することができる非パラメトリック回帰モデルです。結果は、モデルのハイパーパラメーターの選択によって大きく異なります。カーネル・リッジ回帰では、`sklearn.model_selection.GridSearchCV` クラスを使用して、指定されたグリッドの値に対して、k 分割交差検証によりハイパーパラメーター値を選択できます。

例

統計

Additive_CHI2、CHI2、コサイン、ラプラシアン、線形、多項式、RBF、シグモイド、アルファ、ガンマ、Coef0、交差検証、予測に対する観測、予測に対する残差、二重の重み係数、カーネル・スペース重み係数。

データの考慮事項

データ

- 8つの異なるカーネル関数のいずれか、またはすべてを指定できます。
- 選択されたカーネル関数は、アクティブなハイパーパラメーターを判別します。
- ハイパーパラメータには、すべてのカーネルに共通するリッジ正則化のアルファに加え、特定のカーネル関数ごとに3つのハイパーパラメータが含まれています。
- 複数のカーネル・サブコマンドが指定されている場合、またはいずれかのパラメーターに複数の値が指定されている場合、モデルを評価するための交差検証によるグリッド検索が実行され、ホールド・アウトされたデータを基にした最適なモデルが選択されます。
- 拡張機能は、分割ファイル・プロシージャの分割変数、重み付けのケース・プロシージャーを使用した重み付けを受け入れます。
- 重み付けが含まれていると、重み付けは、すべての分析で適合した値を作成する際に使用されます。**sklearn.model_selection.GridSearchCV** クラスのスコア・メソッドの制限により、モデル選択に使用される交差検証評価は重み付けされません。

仮定

カーネル・リッジ回帰の取得

1. メニューから次の項目を選択します。

「分析」 > 「回帰」 > 「カーネル・リッジ...」

2. 従属変数を選択します。
3. 独立変数を1つ以上選択します。
4. デフォルトの**単一モデル**の設定は、各カーネル関数のパラメータに1つの値しか指定しない場合に使用されます。**単一モデル**の設定が選択されている場合、結果の分析、評価、およびスコアリングでは、追加**カーネル**関数と重み付けを完全に適用することはできません。上矢印や下矢印を使用して、カーネル関数を再配置することもできます。

オプションで、「モード」リストから「**モデル選択**」を選択します。

「**モデル選択**」が「モード」リストから選択されている場合は、「**カーネル**」リストに複数のカーネル関数を追加できます。

- a. 追加のカーネル関数を含めるには、「コントロールの追加」(+)をクリックします。
- b. 「**カーネル**」列の空のセルをクリックして、カーネル関数を選択します。
- c. すべてのカーネル関数の行のセルをダブルクリックして、該当する列でカーネル関数パラメーター値を指定します(**アルファ**、**ガンマ**、**Coef0**、**度数**)。詳しくは、[124 ページの『カーネルパラメータ』](#)を参照してください。デフォルトのカーネル関数のチューニング・パラメーターを以下にリストします。

Additive_CHI2

ALPHA=1 GAMMA=1

CHI2

ALPHA=1 GAMMA=1

コサイン

ALPHA=1

ラプラシアン

ALPHA=1 GAMMA=1/p

線型

デフォルトのカーネル関数。ALPHA=1

多項式

ALPHA=1 GAMMA=1/p COEF0=1 DEGREE=3

RBF

ALPHA=1 GAMMA=1/p

シグモイド(S)

ALPHA=1 GAMMA=1/p COEF0=1

注: いずれかのカーネル関数パラメーターに複数の値が指定された場合、モデルを評価するための交差検証を使用したグリッド検索が実行され、ホールド・アウトされたデータに基づいて最適なモデルが選択されます。

- 任意で、「オプション」をクリックして、交差検証群、表示オプション、プロット設定、および保存する項目を指定します。詳しくは、[124 ページの『カーネル Ridge 回帰: オプション』](#)を参照してください。
- 「OK」をクリックします。

カーネル パラメータ

「カーネル・パラメータ」ダイアログには、単一のカーネル関数パラメーター値を指定するオプション、およびカーネルと指定済みグリッド・パラメーター値の組み合わせに対してグリッド検索を使用してモデル選択を実行するように指定するオプションがあります。

単一パラメーターの指定

この設定を有効にすると、選択されたカーネル関数パラメーター用の値を指定できます。

- 値を入力し、「追加」をクリックして、値をカーネル関数パラメーターに組み込みます。
- パラメーター値を選択して「変更」をクリックすると、値が更新されます。
- パラメーター値を選択して「削除」をクリックすると値が削除されます。

グリッド・パラメーターの指定

この設定を有効にすると、カーネルおよび指定済みグリッド・パラメーター値の組み合わせに対してグリッド検索を使用して、モデル選択を実行することを指定できます。

カーネル Ridge 回帰: オプション

プロット ダイアログには、交差検証の折り数、表示オプション、プロット設定、および保存する項目の数を指定するためのオプションが用意されています。

交差検証の折り数

モデル選択のためのグリッド検索を使用して、交差検証での分割または折りの数。1 より大きい整数値を入力してください。デフォルト値は5です。この設定は、**モデルの選択**が1次**カーネル Ridge 回帰**ダイアログで**モード**として選択されている場合にのみ使用できます。

表示

交差検証が有効になっている場合に表示する出力を指定するためのオプションを提供します。

一番

デフォルト設定では、選択した最適なモデルの基本結果のみが表示されます。

比較

すべての評価モデルの基本結果を表示します。

モデルと群を比較

評価されたモデルごとに、分割または折りごとに完全な結果を表示します。

作図

観測値または残差値のプロットを予測値と比較するためのオプションを提供します。

観測値と予測値(T)

指定されたモデルまたは最良のモデルの観測値と予測値の散布図を表示します。

残差と予測値

指定されたモデルまたは最良のモデルの残差と予測値の分布図を表示します。

保存

この表は、アクティブ・データ・セットに保存する変数を指定するためのオプションを提供します。

予測値

指定されたモデルまたは最良のモデルからアクティブ・データ・セットに予測値を保存します。オプションの変数名を含めることができます。

残差(R)

指定されたモデルまたは最良のモデル予測からアクティブ・データ・セットに残差を保存します。オプションの変数名を含めることができます。

二重係数

指定されたモデルからアクティブ・データ・セットに、デュアルまたはカーネル・スペースのウェイト係数を保存します。オプションの変数名を含めることができます。**モデルの選択が1次カーネル Ridge 回帰** ダイアログで **モード** として選択されている場合、この設定は使用できません。

特記事項

本書は米国 IBM が提供する製品およびサービスについて作成したものです。この資料の他の言語版を IBM から入手できる場合があります。ただし、これを入手するには、本製品または当該言語版製品を所有している必要がある場合があります。

IBM は、本書に記載されている製品、サービス、または機能を他の国で提供していない場合があります。日本で利用可能な製品、サービス、および機能については、日本 IBM の営業担当員にお尋ねください。本書で IBM 製品、プログラム、またはサービスに言及していても、その IBM 製品、プログラム、またはサービスのみが使用可能であることを意味するものではありません。これらに代えて、IBM の知的所有権を侵害することのない、機能的に同等の製品、プログラム、またはサービスを使用することができます。ただし、IBM 以外の製品とプログラムの操作またはサービスの評価および検証は、お客様の責任で行っていただきます。

IBM は、本書に記載されている内容に関して特許権 (特許出願中のものを含む) を保有している場合があります。本書の提供は、お客様にこれらの特許権について実施権を許諾することを意味するものではありません。実施権についてのお問い合わせは、書面にて下記宛先にお送りください。

〒 103-8510

東京都中央区日本橋箱崎町 19 番 21 号

日本アイ・ビー・エム株式会社

法務・知的財産

知的財産権ライセンス渉外

For license inquiries regarding double-byte (DBCS) information, contact the IBM Intellectual Property Department in your country or send inquiries, in writing, to:

:NONE.

Legal and Intellectual Property Law

IBM Japan Ltd.

19-21, Nihonbashi-Hakozakicho, Chuo-ku

東京 103-8510、日本

IBM およびその直接または間接の子会社は、本書を特定物として現存するままの状態を提供し、商品性の保証、特定目的適合性の保証および法律上の瑕疵担保責任を含むすべての明示もしくは黙示の保証責任を負わないものとします。国または地域によっては、法律の強行規定により、保証責任の制限が禁じられる場合、強行規定の制限を受けるものとします。

この情報には、技術的に不適切な記述や誤植を含む場合があります。本書は定期的に見直され、必要な変更は本書の次版に組み込まれます。IBM は予告なしに、随時、この文書に記載されている製品またはプログラムに対して、改良または変更を行うことがあります。

本書において IBM 以外の Web サイトに言及している場合がありますが、便宜のため記載しただけであり、決してそれらの Web サイトを推奨するものではありません。それらの Web サイトにある資料は、この IBM 製品の資料の一部ではありません。それらの Web サイトは、お客様の責任でご使用ください。

IBM は、お客様が提供するいかなる情報も、お客様に対してなんら義務も負うことのない、自ら適切と信ずる方法で、使用もしくは配布することができるものとします。

本プログラムのライセンス保持者で、(i) 独自に作成したプログラムとその他のプログラム (本プログラムを含む) との間での情報交換、および (ii) 交換された情報の相互利用を可能にすることを目的として、本プログラムに関する情報を必要とする方は、下記に連絡してください。

〒 103-8510

東京都中央区日本橋箱崎町 19 番 21 号

日本アイ・ビー・エム株式会社

法務・知的財産

知的財産権ライセンス渉外

本プログラムに関する上記の情報は、適切な使用条件の下で使用することができますが、有償の場合もあります。

本書で説明されているライセンス・プログラムまたはその他のライセンス資料は、IBM 所定のプログラム契約の契約条項、IBM プログラムのご使用条件、またはそれと同等の条項に基づいて、IBM より提供されます。

記載されている性能データとお客様事例は、例として示す目的でのみ提供されています。実際の結果は特定の構成や稼働条件によって異なります。

IBM 以外の製品に関する情報は、その製品の供給者、出版物、もしくはその他の公に利用可能なソースから入手したものです。IBM はこれらの製品をテストしていないため、IBM 以外の製品に関連するパフォーマンス、互換性、またはその他のクレームの正確性を確認できません。IBM 以外の製品の性能に関する質問は、それらの製品の供給者にお問い合わせください。

IBM の将来の方向または意向に関する記述については、予告なしに変更または撤回される場合があります、単に目標を示しているものです。

本書には、日常の業務処理で用いられるデータや報告書の例が含まれています。より具体性を与えるために、それらの例には、個人、企業、ブランド、あるいは製品などの名前が含まれている場合があります。これらの名前はすべて架空のものであり、類似する個人や企業が実在しているとしても、それは偶然にすぎません。

著作権使用許諾:

本書には、様々なオペレーティング・プラットフォームでのプログラミング手法を例示するサンプル・アプリケーション・プログラムがソース言語で掲載されています。お客様は、サンプル・プログラムが書かれているオペレーティング・プラットフォームのアプリケーション・プログラミング・インターフェースに準拠したアプリケーション・プログラムの開発、使用、販売、配布を目的として、いかなる形式においても、IBM に対価を支払うことなくこれを複製し、改変し、配布することができます。このサンプル・プログラムは、あらゆる条件下における完全なテストを経ていません。従って IBM は、これらのサンプル・プログラムについて信頼性、利便性もしくは機能性があることを暗示したり、保証することはできません。これらのサンプル・プログラムは特定物として現存するままの状態を提供されるものであり、いかなる保証も提供されません。IBM は、お客様の当該サンプル・プログラムの使用から生ずるいかなる損害に対しても一切の責任を負いません。

それぞれの複製物、サンプル・プログラムのいかなる部分、またはすべての派生的創作物にも、次のように、著作権表示を入れていただく必要があります。

© Copyright IBM Corp. 2021. このコードの一部は、IBM Corp. のサンプル・プログラム

© Copyright IBM Corp. 1989 - 2021. 全著作権所有

商標

IBM、IBM ロゴ、および [ibm.com](http://www.ibm.com) は、世界の多くの国で登録された International Business Machines Corporation の商標です。商標です。他の製品名およびサービス名等は、それぞれ IBM または各社の商標である場合があります。現時点での IBM の商標リストについては、<http://www.ibm.com/legal/copytrade.shtml> をご覧ください。

Adobe、Adobe ロゴ、PostScript、PostScript ロゴは、Adobe Systems Incorporated の米国およびその他の国における登録商標または商標です。

インテル、Intel、Intel ロゴ、Intel Inside、Intel Inside ロゴ、Centrino、Intel Centrino ロゴ、Celeron、Xeon、Intel SpeedStep、Itanium、および Pentium は、Intel Corporation または子会社の米国およびその他の国における商標または登録商標です。

Linux は、Linus Torvalds の米国およびその他の国における登録商標です。

Microsoft、Windows、Windows NT および Windows ロゴは、Microsoft Corporation の米国およびその他の国における商標です。

UNIX は The Open Group の米国およびその他の国における登録商標です。

Java およびすべての Java 関連の商標およびロゴは Oracle やその関連会社の米国およびその他の国における商標または登録商標です。

索引

日本語, 数字, 英字, 特殊文字の順に配列されています。
なお, 濁音と半濁音は清音と同等に扱われています。

[ア行]

- 一般化推定方程式
 - アクティブなデータ・セットへの変数の保存 [43](#)
 - 応答 [38](#)
 - カテゴリ因子のオプション [39](#)
 - 初期値 [41](#)
 - 推定基準 [40](#)
 - 推定周辺平均 [42](#)
 - 統計 [41](#)
 - モデル指定 [39](#)
 - モデルのエクスポート [44](#)
 - モデルの種類 [36](#)
 - 予測 [39](#)
 - 2 値応答の参照カテゴリ [38](#)
- 一般化線型混合モデル
 - オフセット [51](#)
 - カスタム項目 [49](#)
 - 共分散パラメーター [56](#)
 - 固定係数 [55](#)
 - 固定効果 [48](#), [55](#)
 - 推定周辺平均 [52](#)
 - 推定平均 [56](#)
 - 対象の分布 [47](#)
 - データ構造 [54](#)
 - フィールドの保存 [53](#)
 - 分析の重み付け [51](#)
 - 分類テーブル [54](#)
 - モデルのエクスポート [53](#)
 - モデルの要約 [54](#)
 - モデル・ビュー [54](#)
 - 予測対観測 [54](#)
 - ランダム効果 [50](#)
 - ランダム効果共分散 [55](#)
 - ランダム効果ブロック [50](#)
 - リンク関数 [47](#)
- 一般化線型モデル
 - アクティブなデータ・セットへの変数の保存 [33](#)
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
 - 応答 [28](#)
 - カテゴリ因子のオプション [29](#)
 - 初期値 [31](#)
 - 推定基準 [30](#)
 - 推定周辺平均 [32](#)
 - 統計 [31](#)
 - 分布 [26](#)
 - モデル指定 [29](#)
 - モデル・タイプ [26](#)
 - モデルのエクスポート [34](#)
 - 予測 [29](#)
 - リンク関数 [26](#)
 - 2 値応答の参照カテゴリ [28](#)
- 一般化対数オッズ比
 - 一般対数線型分析 [59](#)
- 一般推定可能関数

- 一般推定可能関数 (続き)
 - 一般化推定方程式 [41](#)
- 一般対数線型分析
 - 因子 [59](#)
 - 基準 [60](#)
 - コマンドの追加機能 [61](#)
 - 残差 [61](#)
 - 信頼区間 [60](#)
 - セル共変量 [59](#)
 - セル度数の分布 [59](#)
 - セルの構造 [59](#)
 - 対比 [59](#)
 - 表示オプション [60](#)
 - プロット [60](#)
 - 変数の保存 [61](#)
 - モデル指定 [60](#)
 - 予測値の保存 [61](#)
- 一般の推定可能関数
 - 一般化線型モデル [31](#)
- 因子
 - GLM 反復測定 [10](#)
- 因子レベル情報
 - 線型混合モデル [24](#)
- オッズ比
 - 一般対数線型分析 [59](#)
- オッズべき乗リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 重み付き予測値
 - GLM [6](#)
 - GLM 反復測定 [14](#)

[カ行]

- カーネル Ridge 回帰
 - グリッド・パラメーター [124](#)
 - 交差検証の折り数 [124](#)
 - パラメーター [124](#)
 - 表示 [124](#)
 - プロット [124](#)
 - 保存 [124](#)
- カーネル・リッジ
 - アルファ [122](#)
 - ガンマ [122](#)
 - 単一モデル [122](#)
 - 度合い [122](#)
 - モデル選択 [122](#)
 - coef0 [122](#)
- 階層対数線型モデル [57](#)
- 階層的分解法
 - 分散成分 [18](#)
- 階層モデル
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
- カスタム・モデル
 - 分散成分 [17](#)
 - モデル選択対数線型分析 [58](#)
 - GLM 反復測定 [11](#)

ガンマ分布
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
記述統計量
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
線型混合モデル [24](#)
逆ガウス分布
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
共分散行列
一般化推定方程式 [40, 41](#)
一般化線型モデル [30, 31](#)
線型混合モデル [24](#)
GLM [6](#)
共分散構造
線型混合モデル [91](#)
共分散の分析
GLM 多変量 [1](#)
共分散パラメーター検定
線型混合モデル [24](#)
共変量
Cox 回帰 [85](#)
クロス集計表
モデル選択対数線型分析 [57](#)
ケース処理要約
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
交互作用項
線型混合モデル [22](#)
恒等リンク関数
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
項目の構築 [3, 11, 18, 58, 60, 63](#)
固定効果
線型混合モデル [21](#)
固定予測値
線型混合モデル [25](#)
混合モデル
一般化線型混合モデル [45](#)
線型 [19](#)

[サ行]

最小有意差
GLM 多変量 [4](#)
GLM 反復測定 [13](#)
最大対数尤度比残差
一般化線型モデル [33](#)
最尤推定値
分散成分 [18](#)
削除された残差
GLM [6](#)
GLM 反復測定 [14](#)
サバイバル AFT
生存ダイアログ-カテゴリ変数 [71](#)
残差
一般化推定方程式 [43](#)
一般化線型モデル [33](#)
一般対数線型分析 [61](#)
線型混合モデル [25](#)
モデル選択対数線型分析 [58](#)
ロジット対数線型分析 [63](#)
残差分散共分散行列

残差分散共分散行列 (続き)
線型混合モデル [24](#)
参照カテゴリー
一般化推定方程式 [38, 39](#)
一般化線型モデル [28](#)
信頼区間
一般対数線型分析 [60](#)
線型混合モデル [24](#)
ロジット対数線型分析 [63](#)
推定周辺平均
一般化推定方程式 [42](#)
一般化線型モデル [32](#)
線型混合モデル [25](#)
スケール・パラメーター
一般化推定方程式 [40](#)
一般化線型モデル [30](#)
スコアリング
線型混合モデル [23](#)
すべての因子によるモデル
分散成分 [17](#)
GLM 反復測定 [11](#)
正規確率プロット
モデル選択対数線型分析 [58](#)
正規分布
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
制限最尤推定値
分散成分 [18](#)
生成クラス
モデル選択対数線型分析 [58](#)
生存関数
生命表 [64](#)
生存分析
カーネル・リッジ回帰の [122](#)
時間依存 Cox 回帰 [87](#)
生命表 [64](#)
Cox 回帰 [84](#)
Kaplan-Meier [82](#)
生命表
因子の水準の比較 [65](#)
因子変数 [65](#)
コマンドの追加機能 [65](#)
生存関数 [64](#)
生存状態変数 [71](#)
統計 [64](#)
ハザード比 [64](#)
表の表示の抑制 [65](#)
プロット [65](#)
例 [64](#)
Wilcoxon (Gehan) 検定 [65](#)
セグメント化した時間依存の共変量
Cox 回帰 [87](#)
線型混合モデル
共分散構造 [91](#)
交互作用項 [22](#)
項目の構築 [22](#)
固定効果 [21](#)
コマンドの追加機能 [26](#)
推定基準 [23](#)
推定周辺平均 [25](#)
変数の保存 [25](#)
モデル [24](#)
ランダム効果 [23, 25](#)
相関行列

相関行列 (続き)
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
線型混合モデル [24](#)

[タ行]

対数順位検定
Kaplan-Meier [83](#)
対数線型分析
一般化線型混合モデル [45](#)
一般対数線型分析 [59](#)
ロジット対数線型分析 [61](#)
対数線型分析のモデル選択
因子範囲の定義 [58](#)
オプション [58](#)
コマンドの追加機能 [59](#)
モデル [58](#)
対数補数リンク関数
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
対数尤度収束
一般化推定方程式 [40](#)
一般化線型モデル [30](#)
線型混合モデル [23](#)
対数リンク関数
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
対比
一般対数線型分析 [59](#)
ロジット対数線型分析 [61](#)
Cox 回帰 [85](#)
対比係数行列
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
多項分布
一般化推定方程式 [36](#)
一般化線型モデル [26](#)
多項ロジスティック回帰
一般化線型混合モデル [45](#)
多項ロジット・モデル [61](#)
縦方向モデル
一般化線型混合モデル [45](#)
多変量 GLM [1](#)
多変量回帰 [1](#)
多変量分散分析 [1](#)
段階 2 分
一般化推定方程式 [40](#)
一般化線型モデル [30](#)
線型混合モデル [23](#)
調査済みケース
生命表 [64](#)
Cox 回帰 [84](#)
Kaplan-Meier [82](#)
適合度
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
てこ比の値
一般化線型モデル [33](#)
GLM [6](#)
GLM 反復測定 [14](#)
特異性許容度
線型混合モデル [23](#)
度数

度数 (続き)
モデル選択対数線型分析 [58](#)

[ナ行]

ネスト項目
一般化推定方程式 [39](#)
一般化線型モデル [29](#)
線型混合モデル [22](#)

[ハ行]

ハザード比
生命表 [64](#)
パラメーター収束
一般化推定方程式 [40](#)
一般化線型モデル [30](#)
線型混合モデル [23](#)
パラメーター推定値
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
一般対数線型分析 [59](#)
線型混合モデル [24](#)
モデル選択対数線型分析 [58](#)
ロジット対数線型分析 [61](#)
パラメーター分散共分散行列
線型混合モデル [24](#)
パラメトリック共有フレイルティール・モデル
印刷 [76](#)
エクスポート [78](#)
基準 [73](#)
プロット [77](#)
分析 [72](#)
見込み [74](#)
モデル [73](#)
予測 [76](#)
パラメトリック・フレイルティール・モデル
生存状態変数 [78](#)
反復
一般化推定方程式 [40](#)
一般化線型モデル [30](#)
モデル選択対数線型分析 [58](#)
反復測定変数
線型混合モデル [20](#)
反復履歴
一般化推定方程式 [41](#)
一般化線型モデル [31](#)
線型混合モデル [23](#)
被験者数
線型混合モデル [20](#)
非標準化残差
GLM [6](#)
GLM 反復測定 [14](#)
標準化残差
GLM [6](#)
GLM 反復測定 [14](#)
標準誤差
GLM [6](#)
GLM 反復測定 [14](#)
比例ハザード・モデル
Cox 回帰 [84](#)
負の 2 項分布
一般化推定方程式 [36](#)

- 負の2項分布(続き)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 負の2項リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 負ログ・マイナス・ログ関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- プロット
 - 一般対数線型分析 [60](#)
 - ロジット対数線型分析 [63](#)
- プロビット分析
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
- プロビット・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- プロファイル・プロット
 - GLM 多変量 [4](#)
 - GLM 反復測定 [12](#)
- 分割表
 - 一般対数線型分析 [59](#)
- 分散成分
 - オプション [18](#)
 - 結果の保存 [19](#)
 - コマンドの追加機能 [19](#)
 - モデル [17](#)
- 分散分析
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
 - 分散成分 [18](#)
- 分散分析表
 - GLM 多変量 [1](#)
 - GLM 反復測定 [8](#)
- 分離
 - 一般化推定方程式 [40](#)
 - 一般化線型モデル [30](#)
- 平方和
 - 線型混合モデル [22](#)
 - 分散成分 [18](#)
- べき乗リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 変数減少法
 - モデル選択対数線型分析 [57](#)
- 飽和モデル
 - モデル選択対数線型分析 [58](#)
- 補ログ・マイナス・ログ・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- ポワソン回帰
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
 - 一般対数線型分析 [59](#)
- ポワソン分布
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)

[マ行]

- マルチレベル・モデル
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
- 文字列共変量
 - Cox 回帰 [85](#)
- モデル情報
 - 一般化推定方程式 [41](#)
 - 一般化線型モデル [31](#)

- モデル・ビュー
 - 一般化線型混合モデル [54](#)

[ヤ行]

- 尤度残差
 - 一般化線型モデル [33](#)
- 予測値
 - 一般対数線型分析 [61](#)
 - 線型混合モデル [25](#)
 - ロジット対数線型分析 [63](#)

[ラ行]

- ランダム効果
 - 線型混合モデル [23, 25](#)
- ランダム効果共分散行列
 - 線型混合モデル [24](#)
- ランダム効果先行
 - 分散成分 [18](#)
- リンク関数
 - 一般化線型混合モデル [47](#)
- 累積コーチット・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 累積負ログ・マイナス・ログ関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 累積プロビット・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 累積補ログ・マイナス・ログ・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- 累積ロジット・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)
- ロジスティック回帰
 - 一般化線型混合モデル [45](#)
- ロジット対数線型分析
 - 因子 [61](#)
 - 基準 [63](#)
 - 残差 [63](#)
 - 信頼区間 [63](#)
 - セル共変量 [61](#)
 - セル度数の分布 [61](#)
 - セルの構造 [61](#)
 - 対比 [61](#)
 - 表示オプション [63](#)
 - プロット [63](#)
 - 変数の保存 [63](#)
 - モデル指定 [62](#)
 - 予測値 [63](#)
- ロジット・リンク関数
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)

[数字]

- 2項分布
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)

B

- Bonferroni
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Breslow 検定
 - Kaplan-Meier [83](#)

C

- Cook の距離
 - 一般化線型モデル [33](#)
 - GLM 6
 - GLM 反復測定 [14](#)
- Cox 回帰
 - イベントの定義 [87](#)
 - カテゴリ共変量 [85](#)
 - 共変量 [84](#)
 - コマンドの追加機能 [87](#)
 - 時間依存の共変量 [87](#)
 - 新変数の保存 [86](#)
 - ステップワイズ法による投入と除去 [86](#)
 - 生存関数 [86](#)
 - 生存状態変数 [87](#)
 - 対比 [85](#)
 - 統計 [84](#), [86](#)
 - ハザード関数 [86](#)
 - 反復 [86](#)
 - プロット [85](#)
 - ベースライン関数 [86](#)
 - 偏残差 [86](#)
 - 文字列共変量 [85](#)
 - 例 [84](#)
 - DfBeta(s) [86](#)

D

- Duncan の多重範囲検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Dunnett の C(U)
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Dunnett の t 検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Dunnett の T3(3)
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

F

- Fisher スコア法
 - 線型混合モデル [23](#)
- Fisher の LSD
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

G

- Gabriel のペアごとの比較検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

- Games と Howell のペアごとの比較検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

- Gehan 検定
 - 生命表 [65](#)
- GLM
 - 行列の保存 [6](#)
 - 変数の保存 [6](#)
- GLM 多変量
 - 因子 [1](#)
 - 共変量 [1](#)
 - 従属変数 [1](#)
 - その後の検定 [4](#)
 - プロファイル・プロット [4](#)
- GLM 反復測定
 - 因子の定義 [10](#)
 - コマンドの追加機能 [16](#)
 - その後の検定 [13](#)
 - プロファイル・プロット [12](#)
 - 変数の保存 [14](#)
 - モデル [11](#)
- GLOR
 - 一般対数線型分析 [59](#)

H

- Hessian 収束(H)
 - 一般化推定方程式 [40](#)
 - 一般化線型モデル [30](#)
- Hochberg の GT2(H)
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

K

- Kaplan-Meier
 - イベントの定義 [83](#)
 - 因子の水準の比較 [83](#)
 - 因子レベルの線型傾向 [83](#)
 - コマンドの追加機能 [84](#)
 - 新変数の保存 [83](#)
 - 生存時間の平均値と中央値 [83](#)
 - 生存状態変数 [83](#)
 - 生命表 [83](#)
 - 統計 [82](#), [83](#)
 - プロット [83](#)
 - 例 [82](#)
 - 4 分位 [83](#)

L

- L 行列
 - 一般化推定方程式 [41](#)
 - 一般化線型モデル [31](#)
- LaGrange 乗数検定
 - 一般化線型モデル [31](#)

M

- MINQUE(M)
 - 分散成分 [18](#)

N

- Newman-Keuls
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Newton-Raphson 法
 - 一般対数線型分析 [59](#)
 - ロジット対数線型分析 [61](#)

P

- Parametric Accelerated Failure 時間モデル
 - 印刷 [69](#)
 - エクスポート [71](#)
 - 基準 [66](#)
 - プロット [70](#)
 - 分析 [65](#)
 - 見込み [67](#)
 - モデル [67](#)
 - 予測 [69](#)
- Pearson 残差
 - 一般化推定方程式 [43](#)
 - 一般化線型モデル [33](#)

R

- R-E-G-W F(R)
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- R-E-G-W の Q(Q)
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Ryan-Einot-Gabriel-Welsch 多重 F
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Ryan-Einot-Gabriel-Welsch の多重範囲
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

S

- Scheffé の検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Sidak の t 検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Student-Newman-Keuls の検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)

T

- Tamhane の T2(M)
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Tarone-Ware 検定
 - Kaplan-Meier [83](#)
- Tukey の b 検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Tukey の HSD 検定
 - GLM 多変量 4

- Tukey の HSD 検定 (続き)
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Tweedie 分布
 - 一般化推定方程式 [36](#)
 - 一般化線型モデル [26](#)

W

- Wald 統計
 - 一般対数線型分析 [59](#)
 - ロジット対数線型分析 [61](#)
- Waller-Duncan の t 検定
 - GLM 多変量 4
 - GLM 反復測定 [13](#)
- Wilcoxon 検定
 - 生命表 [65](#)

